Local Subgroup Discovery on Attributed Network Graphs

Seminário 2 – Aprendizado Descritivo 2025.1

Historiador

Bernnardo Serafim

Diná Xavier

Gabriel Fadoul

Kênia Gonçalves

Oluwatoyin Joy

Samuel Kfuri

Contextualização

Home > Advances in Intelligent Data Analysis XXIII > Conference paper

Local Subgroup Discovery on Attributed

Network Graphs

Conference paper | First Online: 02 May 2025

pp 195-208 | Cite this conference paper

Carl Vico Heinrich, Tommie Lombarts, Jules Mallens, Luc Tortike, David Wolf, and Wouter Duivesteijn

Technische Universiteit Eindhoven. Eindhoven. the Netherlands

Wouter Duivesteijn docente TU/e atuando com mineração de interpretáveis, padrões sobretudo Descoberta de Subgrupos, Modelos Explicáveis e Fairness-aware Learning. Os demais autores são mestrandos

Renomada instituição holandesa, localizada no importante pólo tecnológico BrainPort, com forte reputação em engenharia da computação, matemática aplicada, ciência de dados e IA.



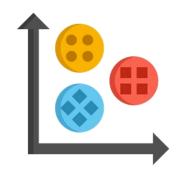
Advances in Intelligent Data Analysis

XXIII

(IDA 2025)

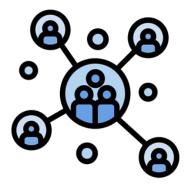
Symposium on Intelligent Data Analysis 2025). evento voltado à comunidade científica que estuda mineração de dados, aprendizado de máquina e IA.

Algoritmos relacionados



DESCOBERTA DE SUBGRUPOS (SD)

- Tarefa do aprendizado descritivo supervisionado que se dedica a identificar excepcionalidades estatísticas de subconjuntos em relação a uma propriedade de interesse.
- LSD (Local Subgroup Discovery): descoberta de subgrupo local, consiste em restringir o espaço de busca a contextos menores que a população.



GRAFOS

- Grafos são estruturas de dados bastante exploradas para representação de sistemas complexos (nós = entidades, arestas = relações) com interações em diferentes escalas.
- Uma extensão importante são as redes atribuídas, em que nós e arestas possuem rótulos associados.
- **EgoNets:** derivados de um grafo maior, capturam estruturas locais ao redor de um nó central (ego), incluindo seus vizinhos diretos (alters).

Comparativo com métodos existentes

Método	O que incorpora do método?	O que o algoritmo evolui?	
SD	Descoberta de subgrupos	Busca local e em grafos	
LSD	SD com busca local	Incorpora LSD a grafos (originalmente só tabular)	
Grafos Atribuídos	Estrutura de dados rotuladas	Incluir a estrutura na análise, otimizando mineração de dados mais complexos	
EgoNets	Análise de rede com foco em um nó específico	Adiciona análise estatística à descrição estrutural focada	

Local Subgroup Discovery on Attributed Network Graphs

Definição formal

Local Subgroup Discovery on Attributed Network Graphs consiste em identificar subgrupos de nós em um grafo com atributos, cujo comportamento se destaca de forma estatisticamente significativa em relação à sua vizinhança local, combinando informações da estrutura da rede com os atributos dos nós e arestas e uma variável-alvo de interesse.

Contribuições técnicas

- Primeiro algoritmo de LSD para grafos com atributos.
- Mede a divergência local com base em topologia + atributos.
- Seleciona automaticamente (e dinamicamente) o grupo local de referência.

Aplicações práticas

- Redes sociais (identificar bolhas de comportamento).
- Redes biológicas (detectar padrões moleculares locais).
- Dados interligados (web, citações, sistemas complexos).

Formalizador

Caio Jorge Carvalho Lara

Juan Marcos Braga Faria Luisa Vasconcelos de Castro Toledo Luiza Sodré Salgado Mateus Reis Evangelista Samuel Henrique Miranda Alves

Padrões Minerados

• O objetivo é encontrar grupos "interessantes" dentro do grafo

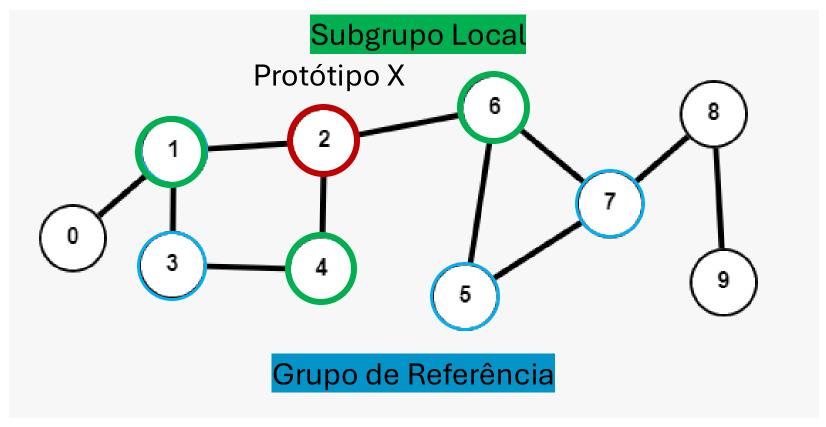
- Um grupo é qualquer conjunto de nós, com suas respectivas arestas
- Estamos trabalhando em grafos com classes nos nós (attributed networks)
 - Cada nó também possui uma variável binária T (target variable), indicando se aquele nó possui ou não uma determinada classe alvo
 - A distribuição dessa variável binária nos grupos será o indicativo de relevância ("interestingness")

Padrões Minerados

- Particularmente, queremos encontrar subgrupos "interessantes" dentro de um grupo específico no grafo
 - Assim, conseguimos encontrar padrões interessantes que revelam distinções particulares de um local específico no grafo
 - Os subgrupos são chamados de subgrupos locais
 - Os grupos analisados são chamados de grupo de referência
- Um grupo de referência é "interessante" se ele difere-se do grafo global

• Um subgrupo local é "interessante" se ele difere-se do seu grupo de referência

Padrões Minerados



Grafo Global

Obs: Um subgrupo local é sempre menor que um de referência e, por definição, está sempre contido nele

Conceitos Fundamentais

- Definimos um nó chamado de protótipo, que será o referencial (centro) para a definição dos grupos
 - Os grupos são encontrados pela distância dos nós ao protótipo

 Utilizaremos a métrica de qualidade da divergência ponderada de Kullback-Leibler para medir a relevância dos grupos encontrados

$$q(S,R) = \frac{|S|}{|R|} \cdot \sum_{y \in \{0,1\}} P_S(y) \log \left(\frac{P_S(y)}{P_R(y)}\right) \quad P_A(y) = \mathbb{P}(t(x) = y \mid x \in A)$$

Mede o quanto a distribuição da variável alvo t se difere entre o subgrupo local (S) e o grupo de referência (R), ou seja, o quão distinto o subgrupo local é comparado com o de referência

Cálculo das Distâncias

- Usaremos como medida de distância o menor caminho possível entre 2 nós (Figura 1), e ela será calculada pelo algoritmo de Dijkstra
- Em casos onde a distância de dois nós para o protótipo seja igual, usaremos a distância de Gower para desempatá-los (Figura 2). Essa distância leva em consideração os atributos dos nós.
 - Caso ainda estejam empatados depois disso, eles são escolhidos aleatoriamente

$$d_{uv} = \min_{P_{uv}} \left(\sum_{(u,v) \in P_{uv}} w(u,v) \right) \qquad d(u,v) = \frac{1}{h} \sum_{k=1}^{h} \delta_k(u,v)$$

Figura 1 Figura 2

Algoritmo 1

return R

Algorithm 1 Generate Distance Ranking

```
\begin{aligned} \mathbf{procedure} \ & \mathrm{Ranking}(\mathbf{x}, \, \mathbf{S}) \\ & D \leftarrow Dijkstra(x, S) \\ & R \leftarrow SortOn(R, D) \\ & \mathbf{for} \ \mathbf{din} \ unique(\mathbf{R}) \ \mathbf{do} \\ & r, l \leftarrow idxmin(R, d), idxmax(R, d) \\ & gowerlist \leftarrow Gower(x, n_i) \ \forall \ n \in R[r:l] \\ & SortOn(R[r:l], gowerlist) \end{aligned}
```

- Executamos **Dijkstra** iniciando em x
- Ordenamos pela distância entre os vértices
- Para cada vértice com mesma distância, pegamos o grupo, calculamos a distância de Gower e reordenamos com base nela

Algoritmo 2

Algorithm 2 Generate ρ and σ

```
procedure Discovery (R \leftarrow ranking)
     \rho, \sigma, b \leftarrow 0, 0, 0
     for i in len(R) do
          q \leftarrow Quality(R[0:i],S)
          if q \geq b then
               b \leftarrow q
               \rho \leftarrow i
     b \leftarrow 0
     for i in [0:\rho] do
         q \leftarrow Quality(R[0:i], R[0:\rho])
          if q \geq b then
               b \leftarrow q
               \sigma \leftarrow i
     return \rho, \sigma
```

- Iteramos sobre todos os prefixos possíveis de \mathbf{R} , isto é, testa $\mathbf{R}[0:i]$ como candidatos a grupo de referência $\mathbf{R}_{\mathbf{p}}$
- Avaliamos a qualidade do grupo de referência candidato comparado ao conjunto todo \$
- Se q for a melhor qualidade até agora, atualizamos ρ com esse valor de i.
- Itera sobre todos os subgrupos possíveis dentro de $\mathbf{R}_{\mathbf{p}}$.
- Avalia a qualidade de R[0:i] como subgrupo local S_s , comparado ao grupo de referência R[0:p].
- Salva o melhor tamanho σ que maximiza essa segunda qualidade.

Pós-Processamento

Após rodar este algoritmo para múltiplos protótipos \mathbf{x} (aleatoriamente escolhidos), teremos vários pares $(\mathbf{p}, \mathbf{\sigma})$, ou seja, muitos subgrupos candidatos.

Como os protótipos podem ser próximos, muitos subgrupos se sobrepõem bastante.

Então o artigo faz um pós-processamento com base na sobreposição de Dice-Sørensen:

$$O(S_1, S_2) = \frac{2}{|S_1| + |S_2|} \sum_{n \in S_1} \mathbb{1}_{\{n \in S_2\}}$$

Definimos um limiar θ como limite superior da sobreposição máxima permitida entre subgrupos.

Subgrupos que têm sobreposição acima de um limiar $oldsymbol{ heta}$ são descartados.

A filtragem é feita ordenando todos os subgrupos por qualidade decrescente, e escolhendo os melhores que não se sobrepõem muito.

Metodologista

Alexis Duarte Guimarães Mariz Amanda Mendes Pinho João Vítor Fernandes Dias Kael Soares Augusto **Lucas Xavier Veneroso**

Datasets Utilizados

- OGBG-MoIPCBA
 - 41 127 grafos, 9-dimensional
- Twitch PT
 - 1 912 nós, 64 510 arestas, 128-dimensional
- WebKB Cornell
 - 1703 features por nó (parte de um dataset maior)

OGBG-MolPCBA

Table 2: Protein 349519 subgroups

Prot.	ρ	σ	\boldsymbol{q}	Acc. R_{ρ}	Acc. S_{σ}
46	9	3	0.321	0.56	0.00
28	14	5	0.231	0.21	0.60
253	13	5	0.229	0.23	0.60
35	13	5	0.229	0.23	0.60
147	13	5	0.229	0.23	0.60
11	11	7	0.207	0.55	0.29
167	5	3	0.207	0.60	0.33
268	5	3	0.207	0.60	0.33
45	9	4	0.204	0.56	0.25
272	16	5	0.196	0.25	0.60

Twitch PT

Table 3: Twitch PT subgroups

Prot.	ρ	σ	q	Acc. R_{ρ}	Acc. S_{σ}
385	9	4	0.278	0.67	0.25
1378	26	13	0.218	0.62	0.31
97	12	4	0.192	0.83	0.50
403	103	14	0.173	0.61	0.14
1032	220	58	0.164	0.49	0.17

WebKB Cornell

Table 4: WebKB Cornell subgroups

Prot.	ρ	σ	\boldsymbol{q}	Acc. R_{ρ}	Acc. S_{σ}
78	21	6	0.255	0.19	0.67
135	36	10	0.252	0.22	0.70
30	39	6	0.246	0.21	0.83
60	22	4	0.242	0.18	0.75
16	33	3	0.228	0.24	1.00

Ablation Study

OGBG-MolPCBA

- Overlap de nós: 0%
- o Poder Discriminativo: 0.215 vs. 0.0533
- Cobertura t(v) = 1: 0.00% vs. 31.56%

Twitch PT

- Overlap de nós: 0,62%
- Poder Discriminativo: 0.2349 vs. 0.0798
- \circ Cobertura t(v) = 1: 63.84% vs. 28.3%

WebKB Cornell

- Overlap de nós: 8,99%
- o Poder Discriminativo: 0.2211 vs. 0.1103
- Cobertura t(v) = 1: 48.6% vs. 81%

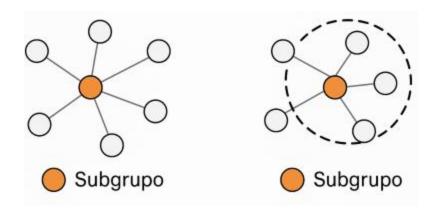
Assessor Social

Henrique Rotsen
Alexandre Cassimiro Silva Araújo
Wesley Marques Daniel Chaves
Caíque Bruno Fortunato
Arthur Yochio R. Codama

Recapitulando...

O artigo apresenta o método Local Subgroup Discovery (LSD).

A principal diferença dessa abordagem é que, em vez de comparar um subgrupo com toda a rede (o padrão global), ela o compara com um "grupo de pares" local e mais relevante com o objetivo de encontrar subgrupos "localmente excepcionais"



Aplicações do método LSD

- Biologia Molecular OGBG-MolPCBA
 - Identifica subgrupos de moléculas com padrões estruturais únicos
 - Potencial para acelerar descobertas de medicamentos
- Redes sociais Twitch PT
 - Detecta streamers com comportamento incomum (Twitch PT)
 - Pode apoiar moderação, marketing e análise de comunidades
- Organização da Informação WebKB Cornell
 - Classifica páginas web com padrões diferentes (WebKB Cornell)
 - Útil para detectar spam, phishing e estruturar grandes bases
- Fraudes e anomalias Redes bancárias
 - Encontra padrões anômalos em transações
 - Ex.: lavagem de dinheiro em subgrupos bancários







Outros cenários possíveis

- Cibersegurança: Detecta acessos e tráfegos incomuns por grupo de dispositivos
- Cadeia de Suprimentos: Descobre fornecedores que estão se saindo diferente dos outros parecidos com eles.
 - Atrasando entregas ou apresentando mais problemas do que o normal
- Segmentação de Clientes: Captura preferências atípicas dentro de nichos de mercado
- Grupos Radicais e Desinformação: Detecta clusters que compartilham conteúdos extremistas localmente
- Transporte e ecologia: Identifica grupos de espécies em um ambiente natural que estão interagindo de forma estranha ou sofrendo quedas fora do padrão local (possível problema ambiental)

Problemas de Privacidade no uso do LSD

Invasão de Privacidade

- A combinação entre os dados dos atributos e a estrutura das conexões na rede pode permitir a reidentificação de indivíduos
- Mesmo quando os dados são anonimizados, o contexto local em que o nó está inserido pode revelar quem é a pessoa
 - Exemplo: em redes sociais, o padrão de interação de um usuário e as características associadas ao seu perfil podem ser suficientes para identificálo.

Identificação Explícita de Grupos

- Subgrupos "excepcionais" podem ser usados para:
 - Vigilância sem consentimento
 - Campanhas de marketing predatório
 - o Negação de acesso a serviços com base em padrões de comportamento

Problemas de Privacidade no uso do LSD

- O comportamento de um grupo pequeno pode implicar diretamente seus membros
 - Exemplo: imagine um fórum de mães de primeira viagem. Um pequeno grupo começa a postar com mais frequência sobre ansiedade pós-parto. O sistema pode rotular esse grupo como "de risco", mesmo que estejam apenas buscando apoio. Isso pode levar a bloqueios, alertas automáticos ou vigilância desnecessária.
- Ferramentas externas (cookies, redes sociais, logs) podem combinar dados de LSD para tracking avançado
 - Exemplo: Um site de compras online identifica um subgrupo de clientes com interesse fora do padrão em produtos de saúde mental. Ao cruzar essas informações com cookies de redes sociais, esses clientes passam a receber anúncios específicos em outras plataformas, mesmo sem nunca terem pesquisado o tema diretamente nesses espaços.

Equidade, Discriminação e Igualdade

Discriminação Algorítmica

- Atributos como raça, gênero ou status socioeconômico podem estar embutidos nos dados
- O LSD pode destacar subgrupos "anômalos" que, na prática, são grupos historicamente marginalizados
 - Exemplo: Um subgrupo de candidatos a empregos de uma determinada faixa etária, com um histórico de carreira não-linear, pode ser automaticamente desconsiderado em sistemas automatizados.

Estigmatização e Exclusão Social

- Rótulos como "excepcional", "fora do padrão" ou "desviante" podem ser mal interpretados
- Isso pode gerar exclusão de oportunidades, tratamentos ou políticas públicas
 - Exemplo: pacientes com doenças raras classificados como "fora do perfil" e não elegíveis para determinado tratamento

Equidade, Discriminação e Igualdade

Desigualdade no acesso ou tratamento

- Subgrupos identificados como "exceções" podem ser tratados de forma desigual por sistemas automáticos
 - Exemplo: em serviços sociais, famílias com perfis atípicos em relação à vizinhança podem ser priorizadas negativamente ou até ignoradas.

Falha ao Reconhecer Desigualdades Estruturais

- O método pode "marcar" comportamentos causados por falta de acesso a recursos, não por desvio real
 - Exemplo: alunos com notas baixas em uma escola vulnerável podem ser vistos como "casos extremos", quando na verdade refletem problemas sistêmicos

Boas práticas recomendadas...

- Adoção de critérios éticos e transparentes no uso do método
- Garantia de supervisão humana e contextualização dos resultados
- Implementação de salvaguardas contra uso indevido, manipulação ou exclusão social

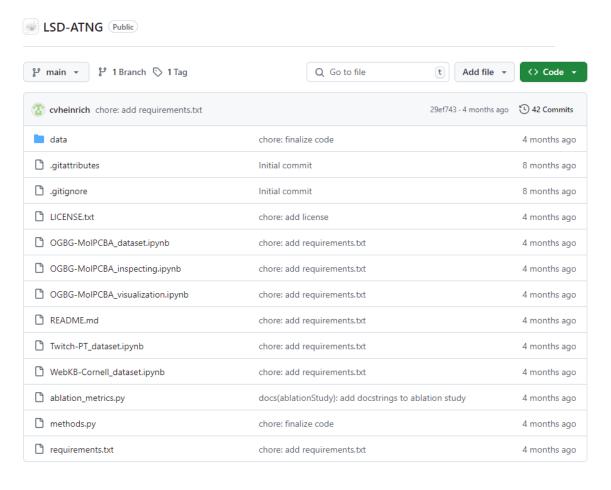
Hacker

Gabriel Tonioni Duarte

Enilda Alves Coelho Fábio César Marra Filho Iasmin Correa Araujo Jose Vinicius de Lima Massarico Larissa Duarte Santana Marcelo Lommez Rodrigues de Jesus



Repositório 👉 https://github.com/TUeEMM/LSD-ATNG



methods.py



func top k func

func get_attributes

func ranking

func q func

func discovery

func process_node

func find groups

*.ipynb



ablation_metrics.py



func compare_subgroups

func evaluate_pattern_subgroups

requirements.txt



numpv == 1.26.4pandas==2.2.3tqdm==4.67.1 networkx==3.4.2 gower==0.1.2 matplotlib==3.10.0 ogb == 1.3.6torch_geometric==2.6.1 notebook==7.3.2

Languages

Jupyter Notebook 99.1% Python 0.9%



Dados de Entrada find_groups(G, 20, lu, ablation_mode=False)



import networkx as nx

```
edge index = data.edge index
num nodes = data.num nodes
G = nx.Graph()
G.add nodes from(range(num nodes))
edges = list(zip(edge_index[0].tolist(), edge_index[1].tolist()))
G.add edges from(edges)
```

20

O método irá retornar os 20 melhores grupos encontrados.

Lookup Table (lu) -Atributos dos Nós



```
attributes = graph['node_feat']
  lu = pd.DataFrame(attributes)
  lu['target'] = binary target == 1
  lu.head()
0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 ...
0.0
                                           0.0
                                                0.0
                                                    0.0
                                                        0.0
                                                            0.0
                                                                0.0
                                                                    0.0
                                                                        False
2 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 ...
                                      1.0
                                           0.0
                                                0.0
                                                                0.0
                                                                    0.0
                                                                        True
0.0
                                           0.0
                                                0.0
                                                    0.0
                                                        0.0
                                                            0.0
                                                                0.0
                                                                    0.0
                                                                        False
1.0
                                               0.0
                                                                        False
5 rows × 1704 columns
```

Dados de Saída find_groups(G, 20, lu, ablation_mode=False)

Melhores Grupos Encontrados



	rho	sigma	q	ranks	reference	subgroup
node						
78	22	4	0.242274	[(78, True), (26, False), (143, True), (57, Tr	[78, 26, 143, 57, 170, 119, 14, 59, 168, 18, 5	[78, 26, 143, 57]
60	24	4	0.238145	[(60, True), (57, True), (119, False), (59, Tr	[60, 57, 119, 59, 168, 18, 132, 174, 157, 131,	[60, 57, 119, 59]
76	36	4	0.231481	[(76, True), (57, True), (60, True), (127, Tru	[76, 57, 60, 127, 119, 168, 174, 59, 45, 14, 1	[76, 57, 60, 127]
135	36	11	0.228925	[(135, True), (64, True), (5, False), (57, Tru	[135, 64, 5, 57, 22, 110, 18, 103, 45, 92, 59,	[135, 64, 5, 57, 22, 110, 18, 103, 45, 92, 59]
165	36	5	0.225677	[(165, False), (149, True), (67, True), (97, T	[165, 149, 67, 97, 57, 174, 110, 119, 144, 157	[165, 149, 67, 97, 57]
30	43	6	0.224416	[(30, False), (25, True), (67, True), (146, Tr	[30, 25, 67, 146, 57, 66, 110, 13, 144, 174, 1	[30, 25, 67, 146, 57, 66]
113	33	3	0.219281	[(113, True), (57, True), (60, True), (119, Fa	[113, 57, 60, 119, 59, 168, 40, 157, 174, 18,	[113, 57, 60]
157	19	3	0.202165	[(157, False), (48, True), (57, True), (119, F	[157, 48, 57, 119, 174, 18, 168, 59, 131, 170,	[157, 48, 57]
59	20	3	0.200104	[(59, True), (57, True), (119, False), (168, F	[59, 57, 119, 168, 18, 131, 170, 98, 157, 174,	[59, 57, 119]
133	40	3	0.198549	[(133, True), (146, True), (66, True), (39, Fa	[133, 146, 66, 39, 144, 49, 75, 3, 130, 41, 30	[133, 146, 66]
79	28	5	0.193178	[(79, False), (35, True), (104, True), (56, Fa	[79, 35, 104, 56, 57, 43, 174, 119, 144, 124,	[79, 35, 104, 56, 57]

Roteiro de Execução

- 1. Clonar o repositório ou baixar o código fonte em releases.
- 2. Criar um grafo a partir de um conjunto de dados.
- 3. Criar uma tabela com os atributos e o rótulo binário de cada nó.
- 4. Executar o método find_groups(...).

Recursos Gastos 👉 Ryzen 5 1600x 3.6GHz • 16 GB RAM DDR4 2666MHz • Twitch Dataset

- 1912 nós com 128 atributos e 1 rótulo.
- 64510 arestas.





Referências

Referências bibliográficas