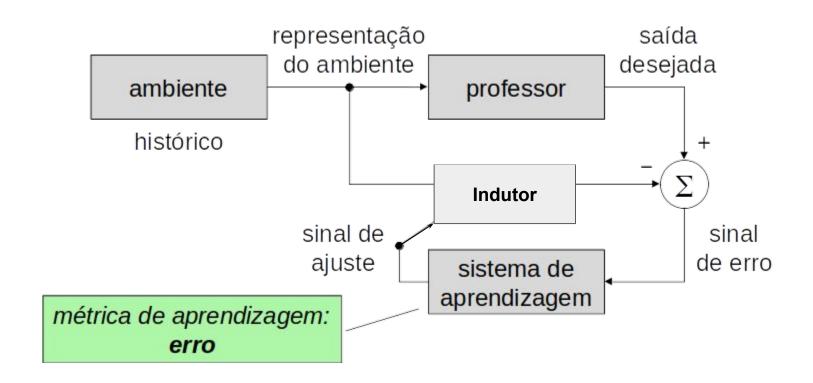
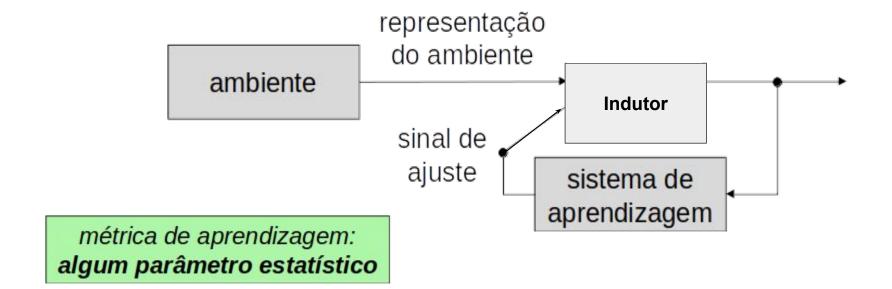


Aprendizado Supervisionado (revisão)



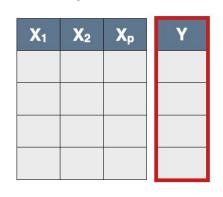
Aprendizado Não-supervisionado



Aprendizado Não-supervisionado

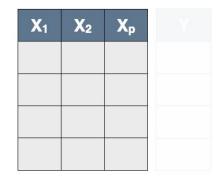
Entradas do modelo. Ex.: peso, altura, idade, volume, etc

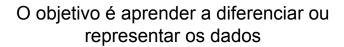
Supervisionado



O alvo é aprender a prever Y

Não Supervisionado





Aprendizado Não Supervisionado

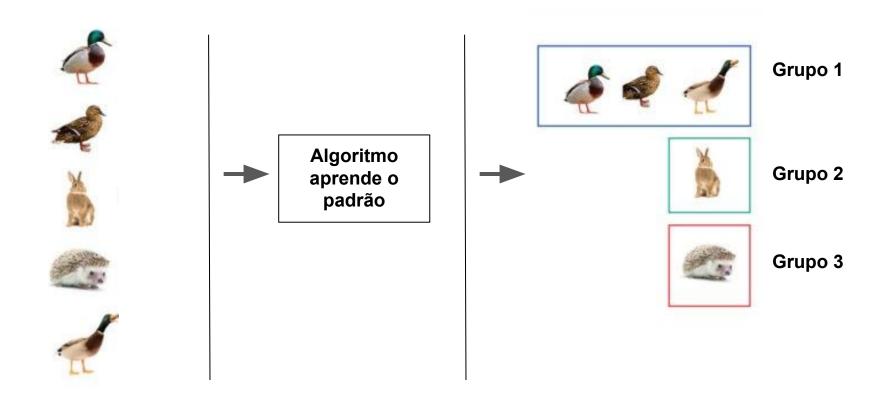
- Não exige classificação prévia dos dados em diferentes categorias;
- Depende apenas dos atributos descritivos (não do alvo);
- Não há exemplos rotulados da função a ser induzida;

Metodologia baseada em Aprendizado de Máquina, na qual o algoritmo de aprendizado não recebe *feedback* do ambiente a respeito da saída desejada para o atributo-alvo.

Tarefas do Aprendizado Não-supervisionado

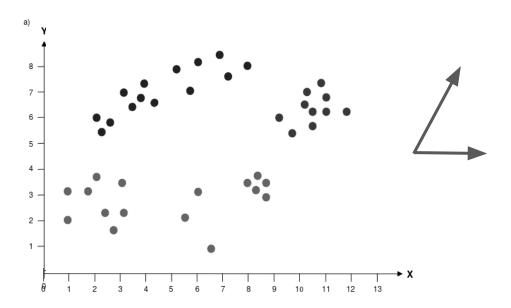
- Associação: avalia o nível de associação entre dados ou conjuntos de dados.
 - Exemplos de algoritmos incluem o Apriori, FP-Growth, Eclat, entre outros;
- Exemplos de aplicação: Sistemas de recomendação, e-commerce, plataformas de streaming, etc.;
- **Sumarização:** Geração automática de sumários a partir de textos densos:
 - Medicina: análise de prontuários médicos;
 - Educação: aprendizado online;
 - Pesquisa: resumo de artigos científicos;
 - Mídias audiovisuais, literatura, mercado financeiro, etc;
- Agrupamento: Particiona o conjunto de dados em grupos de características semelhantes.
 - Itens em um mesmo grupo devem ser mais semelhantes (em geral) do que itens em grupos diferentes.

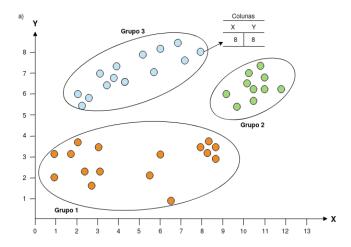
Tarefas do Aprendizado Não-supervisionado

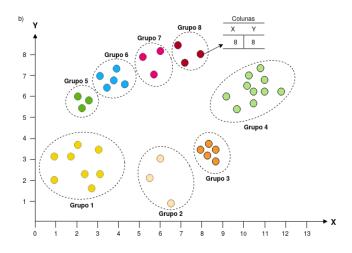


Agrupamento (clustering)

 Agrupamento: um mesmo conjunto de dados pode ser particionado em grupos diferentes.

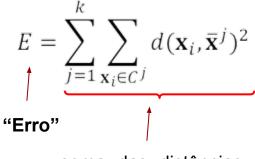




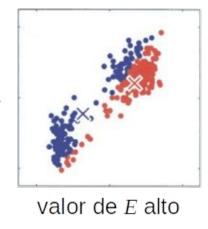


- Algoritmo de agrupamento particional mais simples;
- Particiona o conjunto de dados em k > 0 grupos, onde k é um parâmetro fornecido como entrada;
- Utiliza um processo iterativo para encontrar uma partição com k grupos que minimize um critério de agrupamento;
- O resultado é uma partição com grupos compactos, ou seja, com variância mínima.

O critério de agrupamento é dado pelo erro quadrático.



soma das distâncias de cada objeto até o respectivo centroide.



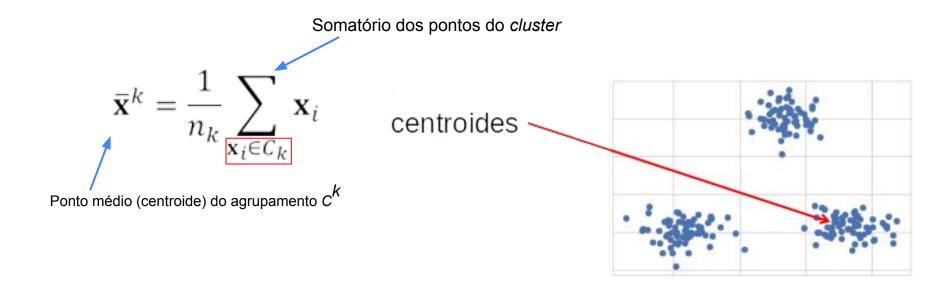




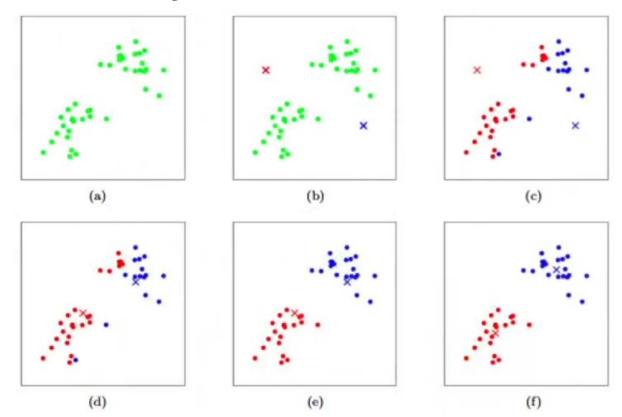
variância mínima nos grupos

```
Entrada: Um conjunto de dados X_{n\times d}
Número de clusters k
Saída: Uma partição de X em k clusters
Escolher aleatoriamente k valores para centroides dos clusters
repita
   para cada objeto \mathbf{x}_i \in \mathbf{X} e cluster \mathbf{C}_i, j = 1, \dots k faça
       Calcular a distância entre \mathbf{x}_i e o centroide do cluster \bar{\mathbf{x}}^{(j)}: d(\mathbf{x}_i, \bar{\mathbf{x}}^{(j)}),
       utilizando uma medida de distância
   fim
   para cada objeto x_i faça
       Associar \mathbf{x}_i ao cluster com centroide mais próximo
   fim
                                                                               erro quadrático
   para cada cluster C_i, j = 1, ...k faça
                                                                                    mínimo
       Recalcular o centroide
                                     Como recalcular o centroide?
   fim
até não haver mais alteração na associação dos objetos aos clusters;
```

Como recalcular o centroide?



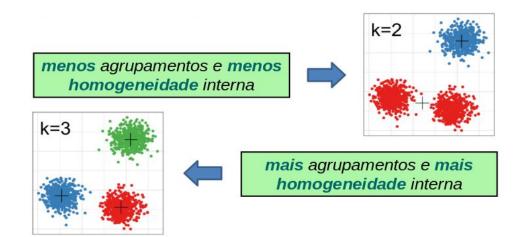
O Algoritmo k-Means: Exemplo de execução



O Algoritmo *k-Means: Validação do resultado*

O que é melhor?

"diferentes agrupamentos são corretos para diferentes propósitos, assim, não podemos dizer que um agrupamento é melhor" (Hartigan, 1985)



O Algoritmo *k-Means: Validação do resultado*

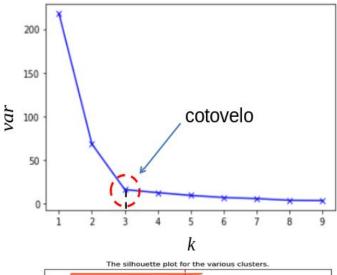
- Validação Como obter o valor ideal de k?
- Variância *Intracluster* (ou inércia):

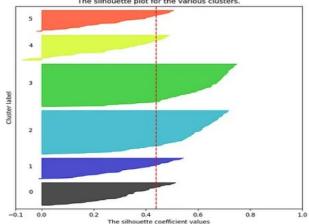
$$var(\pi) = \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{C_k \in \pi} \sum_{x_i \in C_k} d(\mathbf{x}_i, \bar{\mathbf{x}}^k)}$$
 onde:
 π : partição

- Agrupamentos melhores tem grupos mais compactos;
- Quanto menor a variância, menor a partição.

O Algoritmo *k-Means:* Validação do resultado

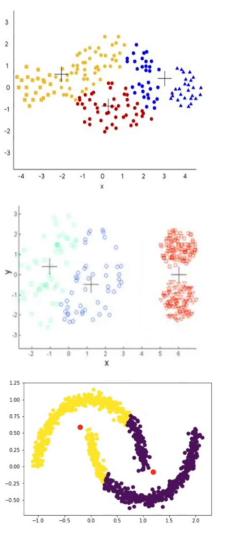
- Como obter o valor ideal de k?
 - Método do cotovelo: Calcula-se a variância intracluster (ou inércia) para cada valor de k; calcula-se o gráfico entre k e o índice. Identifica-se o "cotovelo" quando o aumento de k não produz efeito significativo no índice; o k encontrado tende a ser o melhor;
 - Coeficiente da silhueta: mede o quão similar cada ponto em um *cluster* é dos pontos pertencentes aos clusters vizinhos. Varia de -1 (pior) a 1 (melhor).





O Algoritmo *k-Means:*Pontos Negativos

- k-Means é bastante suscetível a problemas quando os clusters são de diferentes tamanhos.
- k-Means é também bastante suscetível a problemas quando os clusters têm formatos globulares ou diferentes densidades.

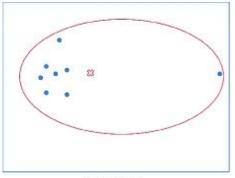


O Algoritmo *k-Means:*Pontos Positivos

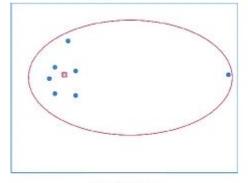
- Relativamente fácil de implementar;
- Possui boa interpretabilidade;
- Pode ser utilizado em grandes bancos de dados;
- Adaptável a novos exemplos;
- A versões aprimoradas que buscam resolver as suas limitações, como número de *clusters*, inicialização, etc). Exemplo: *K-Means++*.

O Algoritmo *k-Medoids:* Diferenças para o *k-Means*

- No K-Means, cada grupo é representado pelo seu centroide, que é a média de todos os pontos de dados nesse grupo;
 - Isso torna o algoritmo suscetível a outliers;
- No K-Medoids, cada grupo é representado por um dos pontos de dados reais dentro desse grupo, chamado de medoide.
 - O medoide é o ponto de dados que minimiza a soma das distâncias para todos os outros pontos no mesmo grupo.
 - Isso torna o k-Medoids menos suscetível a *outliers* que o k-Means.



(a) Mean



(b) Medoid

Clusterização k-Medoids: O algoritmo PAM (Partitioning Around Medoids) - Parte 1

• Inicialização:

 Selecione aleatoriamente, ou por meio de alguma estratégia de inicialização, k medoides iniciais;

• Atribuição:

 Atribua cada ponto de dados ao medoide mais próximo com base em uma métrica de distância (por exemplo, distância euclidiana, distância de Manhattan);

Clusterização k-Medoids: O algoritmo PAM - Parte 2

Atualização dos medoides:

- Para cada medoide, calcule a dissimilaridade total (frequentemente chamada de custo) somando as distâncias entre o medoide e todos os pontos de dados atribuídos a ele;
- Para cada ponto de dados que não esteja atualmente servindo como medoide, troque-o por um dos medoides e calcule a dissimilaridade total após a troca;
- Selecione a troca de medoide que resulta na menor dissimilaridade total para cada cluster.
- Atualize os medoides com os pontos de dados selecionados.

Clusterização k-Medoids: O algoritmo PAM - Parte 3

• Convergência:

 Repita as etapas de atribuição e atualização até que critérios de convergência sejam atendidos. Critérios comuns de convergência incluem nenhuma ou mínima mudança nos medoides e mínima mudança na dissimilaridade total;

Clusterização Final:

 A clusterização final é determinada pelos medoides selecionados no final do processo de otimização;

Saída:

 Retorne os clusters e seus respectivos medoides como resultado da clusterização K-Medoids.

Passo 1

Selecione dois medoides

- C1=(3, 4)
- C2=(7, 4)
- Manhattan Dist = $|x_1 x_2| + |y_1 y_2|$ Mdist[(2,6),(3,4)] = |2-3| + |6-4| = 3
- Mdist[(3,4),(3,4)] = |3-3| + |4-4| = 0

i	х	у	C1	C2	Cluster
X1	2	6	, 3	7	C1
X2	3	4/	0	4	C1
Х3	3	8	4	8	C1
X4	A	7	4	6	C1
X5	6	2	5	3	C2
Х6	6	4	3	1	C2
X7	7	3	5	1	C2
X8	7	4	4	0	C2
Х9	8	5	6	2	C2
X10	7	6	6	2	C2

Passo 2

Os clusters são:

- C1: {(2,6), (3,4), (3,8), (4,7)}
- C2: {(6, 2), (6, 4), (7, 3), (7, 4), (8, 5), (7,6)}

i	х	у	C1	C2	Cluster
X1	2	6	3	7	C1
X2	3	4	0	4	C1
Х3	3	8	4	8	C1
X4	4	7	4	6	C1
X5	6	2	5	3	C2
Х6	6	4	3	1	C2
X7	7	3	5	1	C2
Х8	7	4	4	0	C2
Х9	8	5	6	2	C2
X10	7	6	6	2	C2

- C1: {(2,6), (3,4), (3,8), (4,7)}
- C2: {(6, 2), (6, 4), (7, 3), (7, 4), (8, 5), (7,6)}
- · Calcule o custo total

- medoides
- $Cost(c,x) = \sum_{i} |c_i x_i|$
- Custo Total = {Cost((3,4), (2,6)) + Cost((3,4), (3,8)) + Cost((3,4), (4,7)) +
 Cost((7,4), (6,2)) + Cost((7,4), (6,4)) + Cost((7,4), (7,3)) + Cost((7,4), (8,5)) +
 Cost((7,4), (7,6))}
- Custo Total = 3 + 4 + 4 + 2 + 3 + 1 + 1 + 2 = 20

Passo 3

- Escolhe aleatoriamente um ponto não-medoide e recalcule o custo.
- C1=(3, 4) and C2=(7, 4)
- O=(7, 3)
- Troca C2 por O
- Novos medoides
- C1=(3, 4) and O=(7, 3)

i	х	у	C1	0	Cluster
X1	2	6			
X2	3	4			
Х3	3	8			
X4	4	7			
X5	6	2			
Х6	6	4			
Х7	7	3			
X8	7	4			
Х9	8	5			
X10	7	6			

Passo 3

- Novos medoides
- C1=(3, 4) and O=(7, 3)
- $Manhattan \, Dist = |x_1 x_2| + |y_1 y_2|$
- Mdist[(2,6),(7,3)] = |2-7| + |6-3| = 8

i	х	у	C1	0	Cluster
X1	2	6	3	8	C1
X2	3	4	0	5	C1
ХЗ	3	8	4	9	C1
Х4	4	7	4	7	C1
X5	6	2	5	2	0
Х6	6	4	3	2	0
X7	7	3	5	0	0
X8	7	4	4	1	О
Х9	8	5	6	3	0
X10	7	6	6	3	0

- C1: {(2,6), (3,4), (3,8), (4,7)}
- O: {(6, 2), (6, 4), (7, 3), (7, 4), (8, 5), (7,6)}
- · Calcula o custo total
- $Cost(c,x) = \sum_{i} |c_i x_i|$
- Custo Total Atual = $\{Cost((3,4),(2,6)) + Cost((3,4),(3,8)) + Cost((3,4),(4,7)) + Cost((7,3),(6,2)) + Cost((7,3),(6,4)) + Cost((7,3),(7,4)) + Cost((7,3),(8,5)) + Cost((7,3),(7,6))\}$
- Custo Total Atual = 3 + 4 + 4 + 2 + 2 + 1 + 3 + 3 = 22

Passo 4

- Custo de trocar o medoide C2 por O
- S = Total do Custo Atual Total do Custo Anterior
- S = 22 20 = 2 > 0
- Portanto, os resultados pioraram após trocar C2 por O
- Medoides finais são C1 =(3, 4) and C2=(7, 4)
- Os clusters são
- C1: {(2,6), (3,4), (3,8), (4,7)}
- C2: {(6, 2), (6, 4), (7, 3), (7, 4), (8, 5), (7,6)}

Trabalho 3 - Entrega dia 23/10

Utilize o algoritmo *k-Means* para agrupar os atacadistas em grupos de venda. Utilize o gráfico do cotovelo e da silhueta para definir o "melhor" *k*. Por fim, utilize um gráfico de colunas empilhadas para exibir o quanto cada agrupamento gastou em cada categoria de produto.



