
[Database and Motifs](#) [High-scoring Motif Occurrences](#) [Debugging Information](#) [Results in TSV Format](#) [Results in GFF3 Format](#)

FIMO - Motif search tool

FIMO version 5.5.1, (Release date: Sun Jan 29 10:33:12 2023 -0800)

For further information on how to interpret these results please access <https://meme-suite.org/meme/doc/fimo-output-format.html>.
To get a copy of the FIMO software please access <https://meme-suite.org>

If you use FIMO in your research, please cite the following paper:

Charles E. Grant, Timothy L. Bailey, and William Stafford Noble, "FIMO: Scanning for occurrences of a given motif", *Bioinformatics*, 27(7):1017-1018, 2011. [\[full text\]](#)

DATABASE AND MOTIFS

DATABASE ./Galaxy7-hypoacetylation.fasta.fasta
Database contains 1148 sequences, 6109142 residues

MOTIFS meme_out/meme.xml (DNA)

MOTIF	WIDTH	BEST POSSIBLE MATCH
AAWAAAAAWAAAAAA	15	AAAAAAAAAAAAAAA
GCTGGGATTACAGGC	15	GCTGGGATTACAGGC
CCTYRGCCCTCCRAR	15	CCTCAGCCTCCAAA

Random model letter frequencies (./background):
A 0.228 C 0.272 G 0.272 T 0.228

SECTION I: HIGH-SCORING MOTIF OCCURENCES

- There were 5711 motif occurrences with a p-value less than 0.0001. **Only the most significant 1000 matches are shown here.** The full set of motif occurrences can be seen in the TSV (tab-delimited values) output file [fimo.tsv](#), the GFF3 file [fimo.gff](#) which may be suitable for uploading to the [UCSC Genome Table Browser](#) (assuming the FASTA input sequences included genomic coordinates in UCSC or Galaxy format), or the XML file [fimo.xml](#).
- The *p*-value of a motif occurrence is defined as the probability of a random sequence of the same length as the motif matching that position of the sequence with as good or better a score.
- The score for the match of a position in a sequence to a motif is computed by summing the appropriate entries from each column of the position-dependent scoring matrix that represents the motif.
- The q-value of a motif occurrence is defined as the false discovery rate if the occurrence is accepted as significant.
- The table is sorted by increasing *p*-value.

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	271091	271105	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	430496	430510	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	547469	547483	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	550234	550248	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	557928	557942	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	569058	569072	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	689543	689557	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	694211	694225	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	694345	694359	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	699260	699274	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	701738	701752	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	726767	726781	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	790287	790301	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	790421	790435	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	805838	805852	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	807064	807078	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	818115	818129	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	818269	818283	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	822137	822151	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	823509	823523	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	823679	823693	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	824334	824348	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	826372	826386	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	829165	829179	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	924916	924930	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	925136	925150	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	938151	938165	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	978058	978072	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	979019	979033	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	1093335	1093349	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	1125777	1125791	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	1125912	1125926	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	1126332	1126346	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	1126468	1126482	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	1127392	1127406	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	1149966	1149980	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	1209319	1209333	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	1209454	1209468	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	1210606	1210620	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	1210733	1210747	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	1210899	1210913	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	1308114	1308128	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	1311100	1311114	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	1311235	1311249	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	1328168	1328182	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	1387075	1387089	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	1387208	1387222	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	1389939	1389953	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	1390949	1390963	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	1393069	1393083	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	1393529	1393543	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	1469576	1469590	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	1471552	1471566	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	1471905	1471919	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	1555182	1555196	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	1779127	1779141	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	1839413	1839427	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	1840867	1840881	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	1841002	1841016	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	1904804	1904818	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	1966321	1966335	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	1987455	1987469	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	1987590	1987604	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	2016715	2016729	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	2016993	2017007	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	2020741	2020755	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	2021361	2021375	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	2023180	2023194	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	2124303	2124317	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	2126392	2126406	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	2133765	2133779	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	2133846	2133860	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	2242090	2242104	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	2242225	2242239	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	2242459	2242473	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	2266205	2266219	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	2302531	2302545	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	2514453	2514467	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	2667650	2667664	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	2669360	2669374	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	2718948	2718962	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	2787823	2787837	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	2932224	2932238	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	2932356	2932370	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	3153847	3153861	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	3185626	3185640	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	3185760	3185774	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	3198136	3198150	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	3718387	3718401	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	3798467	3798481	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	3802278	3802292	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	3881557	3881571	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	3930822	3930836	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	3931954	3931968	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	3932389	3932403	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	3932803	3932817	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	4265033	4265047	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	4267517	4267531	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	4355355	4355369	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	4368806	4368820	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	4574498	4574512	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	4577896	4577910	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	4638142	4638156	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	4875113	4875127	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	4875248	4875262	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	4875917	4875931	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	4888848	4888862	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	4888983	4888997	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	4893914	4893928	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	6518006	6518020	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	6718921	6718935	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	6719729	6719743	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	6719863	6719877	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	6724614	6724628	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	6741267	6741281	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	6742843	6742857	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	7105808	7105822	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	7105942	7105956	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	8407007	8407021	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	8409370	8409384	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	8409505	8409519	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9648272	9648286	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	9884705	9884719	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	9936412	9936426	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	9947633	9947647	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9948011	9948025	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	9948377	9948391	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	9951737	9951751	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9963087	9963101	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9967358	9967372	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9968379	9968393	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	9971967	9971981	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9973160	9973174	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	9973527	9973541	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	10166833	10166847	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	10171059	10171073	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	10540278	10540292	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	10544644	10544658	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	10779239	10779253	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	10792119	10792133	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	10817582	10817596	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	10872978	10872992	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	10875898	10875912	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	10878319	10878333	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	10882021	10882035	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	10883019	10883033	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	11247823	11247837	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	11248181	11248195	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	11251001	11251015	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	11251216	11251230	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	11255702	11255716	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	11545081	11545095	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	11545122	11545136	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	11801117	11801131	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	12038304	12038318	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	12043392	12043406	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	12045789	12045803	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	12048424	12048438	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	12078885	12078899	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	12080870	12080884	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	12081189	12081203	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	12607219	12607233	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	12636922	12636936	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	12638090	12638104	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	12640444	12640458	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	13867860	13867874	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	13869840	13869854	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	14096253	14096267	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14101367	14101381	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	14115982	14115996	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14141209	14141223	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	14144038	14144052	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14217338	14217352	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	14219486	14219500	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	14219804	14219818	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14485581	14485595	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14487507	14487521	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14488002	14488016	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	14670471	14670485	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	16307982	16307996	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	16467360	16467374	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	16467492	16467506	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	16474635	16474649	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	16485035	16485049	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	17417794	17417808	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	17417928	17417942	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	17438488	17438502	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	17648841	17648855	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	17649514	17649528	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	17651341	17651355	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	17653773	17653787	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	17653907	17653921	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	17654214	17654228	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	17657680	17657694	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	17668373	17668387	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	18292272	18292286	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	18293228	18293242	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	18333307	18333321	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	18392027	18392041	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	18392163	18392177	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	18394336	18394350	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18400189	18400203	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18400537	18400551	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18401808	18401822	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18401942	18401956	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	18404384	18404398	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18407400	18407414	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18407903	18407917	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18411339	18411353	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18412842	18412856	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18413161	18413175	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18413297	18413311	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18413699	18413713	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18414050	18414064	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18416454	18416468	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18479121	18479135	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18481103	18481117	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18481385	18481399	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18482965	18482979	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18566646	18566660	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	18566779	18566793	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	18570600	18570614	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	18599406	18599420	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	18599638	18599652	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	18702029	18702043	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	18727222	18727236	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	18730071	18730085	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	18730206	18730220	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	18731493	18731507	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	18731626	18731640	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	18757792	18757806	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	18760107	18760121	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	18761430	18761444	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	18943044	18943058	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	18944505	18944519	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	18945611	18945625	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	18945985	18945999	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	19146448	19146462	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	19146583	19146597	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	19279823	19279837	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	19508888	19508902	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	19509020	19509034	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	19557154	19557168	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	19728429	19728443	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	19731125	19731139	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	-	19841894	19841908	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	+	19844197	19844211	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	-	19846703	19846717	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	+	19848376	19848390	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	+	19850005	19850019	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	+	19850475	19850489	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	+	19854234	19854248	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	-	19855251	19855265	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	19917930	19917944	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	20011115	20011129	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	20012745	20012759	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	20021600	20021614	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	+	20700584	20700598	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	20833412	20833426	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	20833547	20833561	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	20989589	20989603	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	21009885	21009899	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	23691467	23691481	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	23804695	23804709	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	23804830	23804844	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	23809179	23809193	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	25002869	25002883	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	25076131	25076145	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	25199781	25199795	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	25209015	25209029	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	25209662	25209676	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	25211752	25211766	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	25212101	25212115	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	25532660	25532674	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	26067735	26067749	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	26464225	26464239	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	26464391	26464405	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	26465883	26465897	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	26486849	26486863	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	26489370	26489384	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	26489493	26489507	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	26490099	26490113	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	26493072	26493086	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	26942868	26942882	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	27127548	27127562	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	27128301	27128315	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	27526503	27526517	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	27531565	27531579	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	27531700	27531714	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	27532169	27532183	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	27536212	27536226	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	27538632	27538646	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	27539060	27539074	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	27578127	27578141	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	27580618	27580632	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	27699398	27699412	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	27951333	27951347	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	28058603	28058617	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	28064130	28064144	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	28068198	28068212	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	29277743	29277757	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	29622637	29622651	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	29622772	29622786	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	29701004	29701018	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	29706104	29706118	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	+	30162307	30162321	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	30384507	30384521	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	30384654	30384668	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	30550171	30550185	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	30551491	30551505	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	30551921	30551935	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	30597321	30597335	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	30599280	30599294	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	30787981	30787995	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	30799964	30799978	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	30800103	30800117	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	30957871	30957885	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	31125663	31125677	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	31831981	31831995	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	32033230	32033244	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	32038242	32038256	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	32039260	32039274	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	32055287	32055301	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	32055420	32055434	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	32056084	32056098	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	32375960	32375974	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	33241956	33241970	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	33389772	33389786	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	33389898	33389912	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	33390847	33390861	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	33390981	33390995	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	33392049	33392063	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	33548569	33548583	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	34007321	34007335	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	34177360	34177374	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	34178724	34178738	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	34179424	34179438	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	34182746	34182760	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	34362560	34362574	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	34854464	34854478	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	35299958	35299972	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	35300092	35300106	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	35302270	35302284	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	35302406	35302420	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	35302793	35302807	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	35304446	35304460	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	35706285	35706299	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	35707985	35707999	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	35708110	35708124	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	35713445	35713459	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	36008633	36008647	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	36016120	36016134	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	36019839	36019853	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	36074545	36074559	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	36077440	36077454	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	36078664	36078678	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	36603423	36603437	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	36603558	36603572	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	36613283	36613297	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	36804506	36804520	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	36836890	36836904	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	36838664	36838678	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	36964840	36964854	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	37061478	37061492	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	37825463	37825477	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	37835328	37835342	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	37940675	37940689	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	37943939	37943953	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	37944454	37944468	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	37944591	37944605	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	38269697	38269711	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	38269832	38269846	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	38330867	38330881	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	38576781	38576795	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	38651257	38651271	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	38666585	38666599	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	39129416	39129430	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	39129952	39129966	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	39134403	39134417	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	39134561	39134575	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	39135326	39135340	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	39136120	39136134	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	39136247	39136261	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	39136559	39136573	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	39223101	39223115	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	39851266	39851280	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	39855343	39855357	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	39858168	39858182	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	40333472	40333486	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	40335819	40335833	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	40336657	40336671	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	41515653	41515667	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	41516149	41516163	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	41516284	41516298	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	41519647	41519661	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	41797573	41797587	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	41798984	41798998	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	41799308	41799322	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	41800557	41800571	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	41801023	41801037	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	41904648	41904662	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	41940516	41940530	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	42050206	42050220	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	42051657	42051671	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	42052330	42052344	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	42052465	42052479	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	42053460	42053474	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	42053595	42053609	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	42055644	42055658	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	42056898	42056912	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	42057843	42057857	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	42058563	42058577	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	42248671	42248685	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	42250249	42250263	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	42278924	42278938	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	42855797	42855811	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	42990633	42990647	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	43092001	43092015	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	43092164	43092178	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	43092298	43092312	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	43095219	43095233	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	43095355	43095369	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	43098607	43098621	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	43203677	43203691	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	43211162	43211176	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	43275007	43275021	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	43362730	43362744	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	43450351	43450365	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	43451814	43451828	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	43481717	43481731	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	43490609	43490623	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	+	44203491	44203505	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	+	44203627	44203641	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	44411313	44411327	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	44691290	44691304	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	44691424	44691438	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	44691837	44691851	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	44693389	44693403	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	-	44895468	44895482	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	-	44895603	44895617	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	-	44901976	44901990	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	45156169	45156183	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	45310865	45310879	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	45314881	45314895	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	45315014	45315028	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	+	45344170	45344184	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	-	45346578	45346592	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	+	45346953	45346967	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	45928303	45928317	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	45928776	45928790	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	45952960	45952974	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	45953094	45953108	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	46068222	46068236	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	46068625	46068639	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	46071577	46071591	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	46072454	46072468	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	46073678	46073692	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	46339506	46339520	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr21	-	46381231	46381245	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	46382208	46382222	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46425101	46425115	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46427342	46427356	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	46528298	46528312	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46687589	46687603	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	46714368	46714382	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	46733312	46733326	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	46776206	46776220	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	46778518	46778532	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	46784639	46784653	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	46784777	46784791	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	46943005	46943019	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	46944224	46944238	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	46944675	46944689	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46946898	46946912	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46947031	46947045	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46986829	46986843	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46987469	46987483	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	46987602	46987616	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	47006849	47006863	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	47006985	47006999	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	47015455	47015469	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	47017465	47017479	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	47018548	47018562	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	47018702	47018716	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	47018835	47018849	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	47022804	47022818	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	47025528	47025542	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	47067177	47067191	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	47079036	47079050	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	47079670	47079684	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	47081232	47081246	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	+	47085397	47085411	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	47203441	47203455	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	47203575	47203589	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	47210228	47210242	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	47210363	47210377	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	47211829	47211843	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	47258158	47258172	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	47359044	47359058	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	47360640	47360654	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	47434821	47434835	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	47553762	47553776	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	48176895	48176909	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	48181744	48181758	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	48406141	48406155	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	48645387	48645401	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	48779957	48779971	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	48780091	48780105	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	48781851	48781865	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	48784511	48784525	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	48784868	48784882	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	48922276	48922290	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	48922411	48922425	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	48924702	48924716	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	48934073	48934087	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	48937301	48937315	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	48993017	48993031	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	48997977	48997991	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	49008159	49008173	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	49010842	49010856	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	49011434	49011448	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	49028523	49028537	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	49028874	49028888	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	49132877	49132891	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	49142962	49142976	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	49164683	49164697	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	49171880	49171894	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	49173945	49173959	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	49174374	49174388	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	49210021	49210035	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	49217443	49217457	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	49263583	49263597	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49266568	49266582	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49266701	49266715	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49314927	49314941	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49315060	49315074	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49315254	49315268	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49317324	49317338	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	49317514	49317528	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	49493683	49493697	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	49839872	49839886	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	49920534	49920548	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	50210644	50210658	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	50210947	50210961	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	50313669	50313683	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	50328573	50328587	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	50339121	50339135	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	50341570	50341584	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr22	-	51022666	51022680	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	51145498	51145512	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	52068218	52068232	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	52217400	52217414	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	52217536	52217550	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	52288369	52288383	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	52288504	52288518	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	52445969	52445983	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	52590126	52590140	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	53495421	53495435	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	53543382	53543396	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	53543516	53543530	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	55581830	55581844	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	55584188	55584202	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	+	55591438	55591452	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	55593397	55593411	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	55593523	55593537	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	55920373	55920387	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	55921858	55921872	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	55922004	55922018	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	-	55988866	55988880	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	55991917	55991931	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	55992052	55992066	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	56012198	56012212	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	56012333	56012347	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	56016153	56016167	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	56016286	56016300	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	56020127	56020141	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	56030738	56030752	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	56033403	56033417	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr19	+	56163292	56163306	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	-	56260668	56260682	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	-	56260982	56260996	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	+	56430911	56430925	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr18	-	56431310	56431324	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	56501857	56501871	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	56504746	56504760	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	56975383	56975397	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	57823913	57823927	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	57826936	57826950	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	57827377	57827391	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	57935234	57935248	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	58067544	58067558	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	58504683	58504697	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	58507332	58507346	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	58508211	58508225	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	58509965	58509979	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	58514289	58514303	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	58514784	58514798	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	58528608	58528622	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	61426262	61426276	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	61427383	61427397	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	62063587	62063601	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62316505	62316519	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	62464682	62464696	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62469973	62469987	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62481918	62481932	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	62483022	62483036	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	62484442	62484456	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	62491172	62491186	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62603032	62603046	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62603307	62603321	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	62686214	62686228	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62890871	62890885	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	+	62892311	62892325	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr20	-	62892800	62892814	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	63707652	63707666	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	63707785	63707799	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64087489	64087503	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64123586	64123600	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	+	64280969	64280983	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	-	64281251	64281265	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64515248	64515262	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64515385	64515399	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64516393	64516407	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64516852	64516866	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64613910	64613924	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64614207	64614221	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64624634	64624648	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64625610	64625624	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64625783	64625797	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64634763	64634777	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64657151	64657165	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	64666308	64666322	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64685960	64685974	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64686550	64686564	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64862469	64862483	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	64862985	64862999	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64865060	64865074	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	64865391	64865405	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	65136298	65136312	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	65137241	65137255	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	65137910	65137924	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	65138044	65138058	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	65406844	65406858	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	65641457	65641471	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	66468071	66468085	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	66640768	66640782	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	66967156	66967170	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67158109	67158123	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67158243	67158257	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67160490	67160504	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67160623	67160637	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	-	67175375	67175389	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67182047	67182061	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	67182327	67182341	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67276900	67276914	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67277032	67277046	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67375435	67375449	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	67375570	67375584	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	67561064	67561078	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	67561517	67561531	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	67566066	67566080	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	68018027	68018041	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	68018630	68018644	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	68019629	68019643	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	68166449	68166463	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	68277828	68277842	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	68282554	68282568	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	+	68994087	68994101	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	69262925	69262939	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	70730288	70730302	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	70740535	70740549	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	71222355	71222369	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	71231613	71231627	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	71697540	71697554	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	71698051	71698065	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	72873726	72873740	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	72900058	72900072	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	73230512	73230526	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73293228	73293242	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73293529	73293543	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	73338379	73338393	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	73484487	73484501	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	73683290	73683304	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	73683690	73683704	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	73687386	73687400	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73689364	73689378	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73689678	73689692	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73693637	73693651	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73701601	73701615	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73703221	73703235	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	73891431	73891445	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73892915	73892929	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	73917234	73917248	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	73927765	73927779	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	74403044	74403058	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	74405314	74405328	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	74405740	74405754	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	74440040	74440054	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	74440175	74440189	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	74445738	74445752	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	74445874	74445888	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	74446966	74446980	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	75348217	75348231	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	75394008	75394022	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	75394185	75394199	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	75397565	75397579	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	75412164	75412178	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	75427162	75427176	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	75454640	75454654	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	75620986	75621000	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	75622384	75622398	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	75624666	75624680	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	76023857	76023871	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	76024009	76024023	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	76025138	76025152	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76142006	76142020	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76250983	76250997	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76251128	76251142	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76252078	76252092	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76261789	76261803	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76870789	76870803	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76873915	76873929	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76874052	76874066	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	76878318	76878332	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	76922515	76922529	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	76922833	76922847	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	76975705	76975719	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	-	77802121	77802135	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	79792107	79792121	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	79792224	79792238	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	79933453	79933467	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	+	79933592	79933606	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr17	-	80057846	80057860	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	83939729	83939743	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	83947172	83947186	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	84144882	84144896	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	84145679	84145693	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	84174134	84174148	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	84177480	84177494	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	-	85186634	85186648	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	85477689	85477703	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	89590981	89590995	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr16	+	89591117	89591131	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	90080707	90080721	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	90307509	90307523	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	91274527	91274541	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	95433206	95433220	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	95433341	95433355	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	95433844	95433858	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	96493653	96493667	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	96772708	96772722	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	97453789	97453803	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	97453924	97453938	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	97455559	97455573	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	97537804	97537818	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	-	99968724	99968738	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	-	99970841	99970855	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	+	99983855	99983869	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	+	99984691	99984705	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	+	99989307	99989321	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr15	-	99990320	99990334	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	100006221	100006235	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	100048855	100048869	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	100202495	100202509	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	-	100202816	100202830	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	100226108	100226122	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	100226240	100226254	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	101589556	101589570	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	101593076	101593090	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	101593419	101593433	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	101594095	101594109	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	101600738	101600752	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	101602024	101602038	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	101604898	101604912	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	+	103586910	103586924	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	+	105149394	105149408	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	+	105530440	105530454	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	+	105530935	105530949	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr14	+	105889818	105889832	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	107783270	107783284	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	110002461	110002475	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	-	111157435	111157449	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	111802023	111802037	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	111802311	111802325	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	112441914	112441928	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	112443890	112443904	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	+	113377715	113377729	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	+	113377850	113377864	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	+	113381491	113381505	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	+	113385547	113385561	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	113592075	113592089	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr13	+	113638816	113638830	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	116247633	116247647	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	116249655	116249669	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	116333180	116333194	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	116590215	116590229	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	117467544	117467558	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	117479267	117479281	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	117479402	117479416	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	117514378	117514392	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	117526223	117526237	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	117526358	117526372	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	117533009	117533023	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	-	119192663	119192677	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	121090270	121090284	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	121090405	121090419	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	121091883	121091897	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	121095139	121095153	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	121097261	121097275	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	121104744	121104758	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	121122529	121122543	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	121122665	121122679	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	122490718	122490732	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	122490860	122490874	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	122699045	122699059	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	122699179	122699193	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123328650	123328664	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123348541	123348555	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	123430162	123430176	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123538379	123538393	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	123539348	123539362	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	123551741	123551755	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	123552752	123552766	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123571929	123571943	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123581719	123581733	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123581854	123581868	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	123584910	123584924	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123588742	123588756	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	-	123598120	123598134	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	123604169	123604183	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	123893958	123893972	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	123896198	123896212	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	+	123896333	123896347	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	124368515	124368529	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	124374128	124374142	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	124376749	124376763	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	124376882	124376896	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	124379350	124379364	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	124379476	124379490	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	125685496	125685510	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	125687092	125687106	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	125687227	125687241	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	126458910	126458924	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	126462224	126462238	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	126462359	126462373	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	126463748	126463762	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	126467175	126467189	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	126766587	126766601	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	127873422	127873436	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	128501675	128501689	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	129185610	129185624	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	129189372	129189386	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	129189543	129189557	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	129189677	129189691	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	130563945	130563959	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	130564078	130564092	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr11	+	130762003	130762017	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	131126696	131126710	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	131126830	131126844	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	131128900	131128914	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	131399851	131399865	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	131467069	131467083	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr12	+	132390768	132390782	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	133770544	133770558	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	133770678	133770692	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	133888925	133888939	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	134108598	134108612	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	134161231	134161245	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	134170296	134170310	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	134173037	134173051	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	134249184	134249198	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr10	-	135187692	135187706	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	135851004	135851018	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	135998355	135998369	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	136114884	136114898	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	136115516	136115530	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	137297979	137297993	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	138708403	138708417	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	138998182	138998196	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	139369200	139369214	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	139389755	139389769	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	139542191	139542205	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	139542418	139542432	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	139542734	139542748	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	139542868	139542882	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	139543904	139543918	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	139584281	139584295	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	139610096	139610110	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	139813877	139813891	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	139814011	139814025	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	139843073	139843087	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	+	139886274	139886288	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	140090776	140090790	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	140118907	140118921	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	140119043	140119057	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	140300409	140300423	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr9	-	140302738	140302752	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	140338889	140338903	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	140339024	140339038	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	140342692	140342706	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	140343005	140343019	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	141684710	141684724	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	141686213	141686227	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	141686764	141686778	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	142104144	142104158	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	142105193	142105207	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	142107255	142107269	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	142108905	142108919	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	142120874	142120888	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	142130198	142130212	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	142130334	142130348	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	142185924	142185938	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	142187538	142187552	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	142418456	142418470	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	142429801	142429815	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	144291015	144291029	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	144616110	144616124	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	145056375	145056389	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	145061798	145061812	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	145116663	145116677	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	+	145657160	145657174	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr8	-	146019652	146019666	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	146074151	146074165	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	149062872	149062886	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	150227737	150227751	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	150233423	150233437	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	151156134	151156148	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	151334055	151334069	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	-	151335458	151335472	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	151343597	151343611	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	151345511	151345525	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	-	152606937	152606951	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	-	152958533	152958547	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	153610384	153610398	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	153922061	153922075	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	154913079	154913093	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr7	+	158680978	158680992	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	159548463	159548477	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	159972811	159972825	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	159974172	159974186	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	-	163752986	163753000	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	164382525	164382539	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr6	+	164518054	164518068	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	170215092	170215106	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	172021422	172021436	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	172172326	172172340	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	172177930	172177944	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	172407301	172407315	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	172407372	172407386	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	172691808	172691822	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	172697736	172697750	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	172697871	172697885	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	175001615	175001629	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	-	175001749	175001763	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	175971703	175971717	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	176890302	176890316	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	177970372	177970386	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr5	+	177976259	177976273	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	183736617	183736631	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	183736754	183736768	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	-	184794471	184794485	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	184910485	184910499	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	184910619	184910633	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	-	185310311	185310325	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186701299	186701313	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186701433	186701447	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	-	186707853	186707867	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	-	186763828	186763842	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186782889	186782903	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186783015	186783029	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186789440	186789454	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186789574	186789588	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr4	+	186937198	186937212	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	192212912	192212926	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	192371779	192371793	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	194304277	194304291	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	194306156	194306170	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	194803319	194803333	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	-	194819020	194819034	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr3	+	196668225	196668239	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	205476497	205476511	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	205489564	205489578	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	205489700	205489714	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	208365146	208365160	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	208365914	208365928	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	214449687	214449701	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	214450120	214450134	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	214452800	214452814	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

Motif ID	Alt ID	Sequence Name	Strand	Start	End	p-value	q-value	Matched Sequence
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	214452934	214452948	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	214457843	214457857	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	219268521	219268535	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	-	220081818	220081832	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	220286518	220286532	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	220287316	220287330	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	220490802	220490816	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	+	223214236	223214250	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr1	-	226495071	226495085	1.15e-09	1.38e-05	GCTGGGATTACAGGC
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	232529262	232529276	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	232532834	232532848	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc
GCTGGGATTACAGGC	MEME-2	chr2	+	232535574	232535588	1.15e-09	1.38e-05	gctgggattacaggc

DEBUGGING INFORMATION

Command line:

```
fimo --parse-genomic-coord --verbosity 1 --oc fimo_out_3 --bgfile ./background --motif GCTGGGATTACAGGC meme_out/meme.xml ./Galaxy7-hypoacetylation_fasta.fasta
```

Settings:

```
output_directory = fimo_out_3
background file name = ./background
allow clobber = true
text only = false
threshold type = p-value
alpha = 1
```

```
MEME file name = meme_out/meme.xml
alphabet = DNA
compute q-values = true
scan both strands = true
output threshold = 0.0001
verbosity = 1
```

```
sequence file name = ./Galaxy7-hypoacetylation_fasta.fasta
max stored scores = 100000
parse genomic coord. = true
max strand = false
pseudocount = 0.1
```

This information can be useful in the event you wish to report a problem with the FIMO software.

[Go to top](#)