属性数据分析

第一章

- 在属性数据分析中**响应变量**为属性数据
 - 。 响应变量 Y 是属性变量
 - 。 解释变量 X 可以是连续也可以是属性
- 分类变量的两种类型:
 - **名义** (Nominal) : 无序的类别
 - **有序**(Ordinal): 有序的类别
- 二项分布:

$$\circ \qquad \qquad P(Y=k) = inom{n}{k} \pi^k (1-\pi)^{n-k}, \quad k=0,1,\ldots,n$$

- 。 该分布为试验次数为n、试验成功概率为 π 的二项分布,均值为 $n\pi$ 、方差为 $n\pi(1-\pi)$ 。当n 足够大时,Y的分布近似为 $N(n\pi,n\pi(1-\pi))$ 。
- 。 Rcode $\emph{dbinom}(0,3,0.6)$ 表示 $P(X=0),~~X\sim B(3,0.6)$ 。
- $\circ \ X \sim B(n,p)$,大n

$$P(X \leq k) pprox \Phi\left(rac{k-np}{\sqrt{np(1-p)}}
ight)$$

。 $X \sim B(n,p)$, Yates(1934),有修正

$$P(X \leq k) pprox \Phi\left(rac{k+1/2-np}{\sqrt{np(1-p)}}
ight)$$

• 多项分布:

$$ho \qquad \qquad P(X_1=n_1,\ldots,X_c=n_c)=rac{n!}{n_1!\cdots n_c!}\pi_1^{n_1}\cdots\pi_c^{n_c}$$

- $\circ \ \ X \sim M(N,p_1,\ldots,p_n)$
- 。 如果记 (X_{i1},\ldots,X_{ic}) 为第i次试验的结果,其中

$$X_{ij} = \left\{ egin{array}{ll} 1, & \hbox{如果第}i {
m 次试验结果为} A_j; \ 0, & \hbox{否则}. \end{array}
ight.$$

显然, X_{i1},\ldots,X_{ic} 中恰好有一个为1而其余的为0,且n次试验中 A_j 发生的总次数为 $X_j=\sum_{i=1}^n X_{ij}$ 。那么易由二项分布的定义知 $X_j\sim B(n,\pi_j), j=1,\ldots,c$ 。从而 X_j 的均值和方差分别为 $n\pi_j$ 和 $n\pi_j(1-\pi_j)$ 。另外,当 $1\leq j_1\leq j_2\leq n$ 时,

$$cov(X_{j_1},X_{j_2}) = cov(\sum_{i=1}^n X_{ij_1},\sum_{i=1}^n X_{ij_2}) = \sum_{i=1}^n cov(X_{ij_1},X_{ij_2}) = -n\pi_{j_1}\pi_{j_2}$$

- 二项分布的显著性检验
 - 。 对于给定的 π_0 ,考虑原检验 $H_0:\pi=\pi_0$,通常采用大样本检验的方法,相应的Z检验统计量为

$$Z=rac{\hat{\pi}-\pi_0}{\sqrt{\pi_0(1-\pi_0)/n}}$$

显然,Z在 H_0 下的极限分布(称为零极限分布)为标准正态分布,检验的P-值近似为 $2[1-\Phi(|z|)]$,其中z为Z的样本观测值。

• P-值定义: 当原假设为真时,比所得到的样本观察结果更极端的结果出现的概率,P值越小越有利于对立假设

$$P$$
-值 $= P_{H_0}(|T| > au)$

- 二项比例的置信区间
 - 。 二项比例的显著性检验统计量可以写成

$$Z^{'}=rac{\hat{\pi}-\pi_{0}}{\mathrm{SE}},$$
其中 $\mathrm{SE}=\sqrt{\hat{\pi}(1-\hat{\pi})/n}$

由Slutsky定理知 $Z^{'}$ 的零极限分布为标准正态分布,故相应的近似水平lpha的检验接受域为

$$\{|Z^{'}|\leq u_{lpha/2}\}$$
 ,

即

$$P_{\pi_0}(|Z^{'}| \leq u_{lpha/2}) pprox 1-lpha,$$

表明 $\hat{\pi}\pm u_{lpha/2}{
m SE}$ 为 π 的近似水平1-lpha的置信区间。该区间是标准的Z-置信区间。

• 离散数据的更多统计推断 对于任意参数eta的显著性检验,针对 $H_0:eta=eta_0$

。 Wald统计量

基于Z-统计量的双边检验等价于基于Z-统计量的平方

$$W:=Z^2=rac{(\hat{eta}-eta_0)^2}{\widehat{var}(\hat{eta})}$$

 Z^2 的零极限分布为 \mathcal{X}_1^2 分布。对于p维的eta,Wald统计量为

$$W = (\hat{\beta} - \beta_0)^T \widehat{cov}(\hat{\beta})^{-1} (\hat{\beta} - \beta_0)$$

当 \hat{eta} 取为极大似然估计时, \hat{eta} 的协方差矩阵可以取为Fisher信息阵的逆

$$W = -(\hat{eta} - eta_0)^T E_{eta_0} \ddot{\ell}(eta_0) (\hat{eta} - eta_0)$$

当Fisher信息阵 $-E_{\beta_0}\ddot{\ell}(\beta_0)$ 不好求时,可以改用样本Fisher信息阵 $-\ddot{\ell}(\beta_0)$ 。 似然比检验统计量

$$LR = 2 \left[\sup_{eta \in B} \ell(eta) - \sup_{eta \in B_0} \ell(eta)
ight]$$

 B_0 维度为s,B维度维t,则LR近似为 \mathcal{X}_{t-s}^2 (这里不一定正确)

。 得分(Score) 检验统计量

$$S := \dot{\ell}^T(eta_0)[-E_{eta_0}\,\ddot{\ell}(eta_0)]^{-1}\dot{\ell}(eta_0)$$

当 $-E_{eta_0}$ $\ddot{\ell}(eta_0)$ 不方便计算时可以使用样本Fisher信息阵 $-\ddot{\ell}(eta_0)$,可以得到

$$S^{'} = \dot{\ell}^{T}(eta_{0})[-\ddot{\ell}(eta_{0})]^{-1}\dot{\ell}(eta_{0})$$

S与S'的零极限分布为 \mathcal{X}_n^2 。

- 二项参数的Wald, 得分和似然比检验
 - 。 Wald检验统计量($\pi=X/n$)

$$W = \frac{(\hat{\pi} - \pi)^2}{\pi_0 (1 - \pi_0)/n}$$

。 似然比检验统计量

$$LR = 2\left[X\lograc{\hat{\pi}}{\pi_0} + (n-X)\lograc{1-\hat{\pi}}{1-\pi_0}
ight]$$

。 得分检验统计量

$$S = rac{(rac{X}{\pi_0} - rac{n-X}{1-\pi_0})^2}{rac{X}{\pi_0^2} - rac{n-X}{(1-\pi_0)^2}}$$

注意当 $\pi_0=0.5$ 时,S=W。

- 小样本二项推断
 - 。 当 $n\pi \geq 5$ 且 $n(1-\pi) \geq 5$ 时,大样本双边Z检验和置信区间有好的效果。对于小样本情形,直接使用二项分布计算P-值更安全。
 - 。 假设检验问题 $H_0:\pi=\pi_0\leftrightarrow H_a:\pi>\pi_0$, 取检验拒绝域为

$$\{\hat{\pi} > \tau\} = \{X \geq \tau^{'}\}$$

记X的观测值为 X_o ,其独立于X,相应的P-值为

$$P_{H_0}(X \geq X_o \mid X_o) = \sum_{i=X_o}^n inom{n}{i} \pi_0^i (1-\pi_0)^{n-i}.$$

对于双边假设检验问题 $H_0:\pi=\pi_0\leftrightarrow H_a:\pi
eq\pi_0$,取双侧拒绝域

$$\{X \le \tau_1$$
或 $X \ge \tau_2\}$

相应的P-值为

第二章

- 列联表的概率结构
 - 。 两个属性变量X和Y,如果都只有有限个取值,则可以用列联表来刻画。
 - 有关属性变量的概率计算及MLE均与其具体取值无关,但是均值、方差等数字特征与X和Y的取值有关。
- $\pi_{ij} = P(X=i, Y=j), \pi_{i+} = P(X=i), \pi_{+j} = P(Y=j)$

- $\pi_{j|i}^{Y|X}=P(Y=j\mid X=i)=\pi_{ij}/\pi_{i+}$ 表示给定X条件下Y=j的概率,如果都是对同一Y=j,可以简记为 π_i 。
- $n_{ij}=\sum_{k=1}^n I(X_k=i,Y_k=j), \;\; n_{ij}\sim B(n_{i+},rac{\pi_{ij}}{\pi_{i+}}),\;\;$ 其中 $rac{\pi_{ij}}{\pi_{i+}}$ 可以由 $rac{n_{ij}}{n_{i+}}$ 估计。
- X为真实疾病状态(1=患某病; 2=未患某病), Y为诊断结果(1=阳性; 2=阴性), 则称
 - \circ 敏感度= $P(Y=1 \mid X=1)$
 - \circ 特异度= $P(Y=2 \mid X=2)$
 - 。 敏感度和特异度越高,则诊断效果越好。
- 独立性
 - 。 两个属性变量X和Y的独立性定义:

$$\pi_{ij}=\pi_{i+}\pi_{+j},\quad i=1,\ldots,I$$
 及 $j=1,\ldots,J$

- 二项抽样和多项抽样
 - 。 对X和Y都是随机的情形, $(n_{11},n_{12},\ldots,n_{IJ})$ 服从参数为n和 $(\pi_{11},\pi_{12},\ldots,\pi_{IJ})$ 的多项分布,特别的, n_{ij} 服从参数为n和 π_{ij} 的二项分布。
 - 。 给定 $\{X=i\}$ (此时 n_{i+} 非随机), (n_{i1},\ldots,n_{iJ}) 服从参数为 n_{i+} 和 π_{ij}/π_{i+} 的二项分布。
- 2×2列联表的比较
 - 。 X和Y均为二分变量(dichotomous variable), $\pi_1:=\pi_{1|1}^{Y|X}$ 和 $\pi_2:=\pi_{1|2}^{Y|X}, n_1=n_{1+}, n_2=n_{2+}$
 - 比例差(proportion difference)或者风险差(risk difference)

$$\delta:=\pi_1-\pi_2$$

比例差的MLE为 $\hat{\pi}_1-\hat{\pi}_2$, 其中 $\hat{\pi}=n_{11}/n_1$ 和 $\hat{\pi}_2=n_{21}/n_2$ 。 $H_0:\delta=0$ 的Z统计量

$$Z = rac{\hat{\pi}_1 - \hat{\pi}_2}{SE}, \;$$
其中 $\mathrm{SE} = \sqrt{\hat{\pi}_1(1 - \hat{\pi}_1)/n_1 + \hat{\pi}_2(1 - \hat{\pi}_2)/n_2}$

$$\operatorname{Var}(\hat{\pi}_1 - \hat{\pi}_2) = \operatorname{Var}(\hat{\pi}_1) + \operatorname{Var}(\hat{\pi}_2) = \hat{\pi}_1(1 - \hat{\pi}_1)/n_1 + \hat{\pi}_2(1 - \hat{\pi}_2)/n_2$$

相应的 δ 的近似水平1-lpha(Wald)置信区间可取为(CLT)

$$[\hat{\pi}_1 - \hat{\pi}_2 - u_{\alpha/2}SE, \hat{\pi}_1 - \hat{\pi}_2 + u_{\alpha/2}SE].$$

○ 相对风险 (relative risk)

$$RR = \frac{\pi_1}{\pi_2}$$

- 疫苗保护率: $\frac{\pi_1 \pi_2}{\pi_1} = 1 \frac{1}{RR}$.
- 当两组比例都很低时,比例差很小,不容易看出差异,这个时候使用相对风险。
- 相对风险的置信区间:先构造 $\log(RR)$ 的置信区间(使用delta方法构造),然后再变回来。
- Delta方法:

$$\sqrt{n}(\hat{\theta} - \theta) \stackrel{d}{\longrightarrow} N(0, \Sigma)$$

则

$$\sqrt{n}[g(\hat{ heta}) - g(heta)] = \sqrt{n}\dot{g}(heta^\star)^T(\hat{ heta} - heta) + o_p(1) \stackrel{d}{\longrightarrow} N(0, \dot{g}(heta)^T\Sigma\dot{g}(heta))$$

■ $\log(RR)$ 的极大似然估计为 $\log(\hat{\pi}_1/\hat{\pi}_2)$,所以方差为

$$egin{split} ext{var}(log\hat{\pi}_1 - \log\hat{\pi}_2) &pprox rac{ ext{var}(\hat{\pi}_1)}{\hat{\pi}_1^2} + rac{ ext{var}(\hat{\pi}_2)}{\hat{\pi}_2^2} \ &pprox rac{\hat{\pi}_1(1 - \hat{\pi}_1)}{n_1\hat{\pi}_1^2} + rac{\hat{\pi}_2(1 - \hat{\pi}_2)}{n_1\hat{\pi}_2^2} \ &= rac{1 - \hat{\pi}_1}{n_1\hat{\pi}_1} + rac{1 - \hat{\pi}_2}{n_1\hat{\pi}_2} := \hat{\sigma}^2 \end{split}$$

因此, $\log(RR)$ 的近似水平 $(1-\alpha)$ 的置信区间为

$$[\log(\hat{\pi}_1/\hat{\pi}_2) - u_{lpha/2}\hat{\sigma}, \log(\hat{\pi}_1/\hat{\pi}_2) + u_{lpha/2}\hat{\sigma}]$$

从而RR的近似水平 $(1-\alpha)$ 的置信区间为

$$[\hat{\pi}_1/\hat{\pi}_2 \exp\{-u_{\alpha/2}\hat{\sigma}\}, \hat{\pi}_1/\hat{\pi}_2 \exp\{u_{\alpha/2}\hat{\sigma}\}].$$

- Rcode, epitools包函数riskratio可以计算相对风险RR。
- 。 优势比
 - 优势或比值(odds):

$$odds = \frac{\pi}{1 - \pi}$$

■ 两个概率 π_1 和 π_2 的优势之比为优势比(odds ratio,OR)

$$heta = \mathrm{OR} = rac{\mathrm{odds_1}}{\mathrm{odds_2}} = rac{\pi_1/(1-\pi_1)}{\pi_2/(1-\pi_2)}$$

■ 优势比与相对风险的关系:

$$OR = 1 \iff RR = 1,$$

$$OR > 1 \iff RR > 1$$
,

$$OR < 1 \iff RR < 1.$$

■ 优势比越偏离1, 代表概率差别越大, 也就是有越强的关联性。

$$heta = rac{\pi_1/(1-\pi_1)}{\pi_2/(1-\pi_2)} = rac{\pi_{11}\pi_{22}}{\pi_{12}\pi_{21}}$$

- 样本优势比 $\hat{\theta} = \frac{n_{11}n_{22}}{n_{12}n_{21}}$.
- 样本对数优势比 $\log(\hat{\theta})$ 的分布更接近钟形分布(即正态分布),由delta法估计得到标准差 $SE = \sqrt{\frac{1}{n_{11}} + \frac{1}{n_{12}} + \frac{1}{n_{21}} + \frac{1}{n_{22}}}$. 证明如下:

$$egin{split} ext{var}[\log n_{11} - \log n_{12}] &= ext{var}[\log n_{11} - \log (n_{1+} - n_{11})] \ &pprox (1/n_{11} + 1/n_{12})^2 ext{var}(n_{11}) \ &= 1/n_{11} + 1/n_{12}. \end{split}$$

同理可以得到

$$\mathrm{var}[\log n_{21} - \log n_{22}] pprox 1/n_{21} + 1/n_{22}$$

再有独立性知

$$egin{split} ext{var}[\log(\hat{ heta})] &= ext{var}[\log n_{11} - \log n_{12}] + ext{var}[\log n_{21} - \log n_{22}] \ &pprox rac{1}{n_{11}} + rac{1}{n_{12}} + rac{1}{n_{21}} + rac{1}{n_{22}} \end{split}$$

■ $\log(\theta)$ 的渐进水平 $1-\alpha$ 的置信区间为

$$[\log(\hat{ heta}) - u_{lpha/2} \mathrm{SE}, \log(\hat{ heta}) + u_{lpha/2} \mathrm{SE}]$$

• θ 的渐进水平 $1-\alpha$ 的置信区间为

$$[\hat{\theta}\exp\{-u_{\alpha/2}\mathrm{SE}\},\hat{\theta}\exp\{u_{\alpha/2}\mathrm{SE}\}]$$

■ Rcode, epitools包oddsratio函数。

$$\mathrm{OR} = \mathrm{RR} imes rac{1-\pi_2}{1-\pi_1}.$$

- 如果 π_1 和 π_2 都很小,则 $OR \approx RR$ 。
- 。 病例-对照研究

在流行病学研究中,有一类回溯性的研究方法。例如先找一些心肌梗死病人,然后找一些与心肌梗死病人年龄性别等潜在混淆因素相当的正常人,通过问卷调查的方式了解受试者的既往吸烟史,这样的回溯性研究称为病例-对照研究。因为抽样一般是严重有偏的,即不能认为疾病状态的抽样是随机的,所以不能使用比例差和相对风险。但是吸烟情况是随机抽样的,因此可以估计患病者吸烟的概率 $P(X=1\mid Y=1)$,和正常者的吸烟概率 $P(X=1\mid Y=2)$ 。所以可以估计优势比。

- Pearson的卡方检验
 - 。 考虑属性变量只有两个类别的情形,其取值为第一个类别的概率记为p,两个类别的观测频数分别记为X和Y。设感兴趣的原检验是:

$$H_0:\pi=\pi_0$$

$$\mathcal{X}^2 = \sum_{i=1}^k rac{(n_i - n\pi_{i0})^2}{n\pi_{i0}} \sim \mathcal{X}_{k-1}^2,$$
 其中 k 为种类数量

如果原假设中概率 π_{i0} 是r个独立参数 θ_1,\ldots,θ_r 的函数:

$$\pi_{i0} = \pi_{i0}(\theta_1, \ldots, \theta_r),$$

记 θ_j 的估计量为 $\hat{\theta}_j = \theta_j(n_1, \dots, n_k)$,代入 π_{i0} 的表达式得到其估计量 $\hat{\pi}_{i0} := \pi_{i0}(\hat{\theta}_1, \dots, \hat{\theta}_r)$,相应的检验统计量改成:

$$\mathcal{X}^2 = \sum_{i=1}^k rac{(n_i - n\hat{\pi}_{i0})^2}{n\hat{\pi}_{i0}}$$

直观上自由度为k-r-1。

- 列联表的独立性检验
 - 。 $I \times J$ 列联表的独立性假设为

$$H_0: \pi_{ij} = \pi_{i+}\pi_{+j}, i = 1, \ldots, I \ \text{If} \ j = 1, \ldots, J.$$

。 Pearson的拟合优度检验统计量

$$\mathcal{X}^2 = rac{(n_{ij} - \hat{\mu}_{ij})^2}{\hat{\mu}_{ij}}$$

其中 $\hat{\mu}_{ij}=n\hat{\pi}_{i+}\hat{\pi}_{+j}=rac{n_{i+}n_{+j}}{n}$,服从 $\mathcal{X}^2_{(I-1)(J-1)}$ 。水平lpha的拒绝域可以取成

$$\{\mathcal{X}^2 \ge \mathcal{X}^2_{(I-1)(J-1)}(\alpha)\}$$

。 似然比检验统计量(P39)

$$G^2 = 2 {\displaystyle \sum_{i,j}} n_{ij} \log rac{n_{ij}}{\hat{\mu}_{ij}}$$

可以证明, G^2 与 X^2 是渐进等价的。在小样本下, X^2 有更好的表现。

。 Pearson残差

$$e_{ij} = rac{n_{ij} - \hat{\mu}_{ij}}{\sqrt{\hat{\mu}_{ij}}}$$

。 标准化残差

$$rac{n_{ij} - \hat{\mu}_{ij}}{\sqrt{\hat{\mu}_{ij}(1 - \hat{\pi}_{i+})(1 - \hat{\pi}_{+j})}}$$

每个单元格的标准化残差近似服从标准正态分布,如果标准化残差绝对值过大(大于2或3), 表明该单元格拟合不佳。

- 卡方统计量的分解(P44或书P33)
- 有序数据的独立性检验(广义线性模型会讲或书P34)
- 小样本的精确推断(课上没讲,书P39)
 - 当样本量较小时,有些理论频数可能低于5,此时卡方检验不太适用,可以改用超几何分布分布的Fisher精确检验法。
 - 。 Rcode, fisher.test函数实现。

• 三项列联表的关联性

- 。 在研究X与Y之间的关联性的研究中,需要控制混淆因素Z的影响,对Z进行分层处理是一种常用的控制其影响的重要方法。
- 。 假设X与Y条件不关联(给定Z),但Z同时与X和Y关联时,X与Y之间会有边际关联性,这种关联性称为伪关联性。 (P49)
- 。 **部分表**: 对Z的每一个类别, X与Y各类别组合计数构成的列联表称为部分表
- 。 边缘表: 各个部分表计数相加得到的表称为XY边缘表。
- 。 辛普森悖论(Simpson Paradox): 边缘关联和条件关联的结论相反的情况称为辛普森悖论。
- 。 **条件优势比**: 部分表相应的优势比称为条件优势比。
- 。 **边缘优势比**:边缘表对应的优势比称为边缘优势比。
- 。 齐次关联性
 - 记Z的类别数为K, 当X和Y均为二分变量时, 如果条件优势比相等:

$$\theta_{(1)} = \theta_{(2)} = \cdots = \theta_{(K)} = \theta$$

则称X与Y是齐次关联的。特别地,如果公共的条件优势比heta等于1,则X与Y是条件独立的。

- 对于 $I \times J \times K$ 表,称X与Y是齐次关联的,如果X与Y的任意类别组合 (i_1,i_2,j_1,j_2) 的条件优势比不依赖于Z的类别。(P58)
- XY有齐次关联性,则ZY和ZX也有齐次关联性。(P59)
- 当XY有齐次关联性的时候,即X对Y的效应不受Z的影响或等价地Z对Y的效应不受X影响, 称Z与X对Y的效应没有交互效应。
- 当没有齐次关联性时,两个变量的条件优势比随第三个变量的改变而改变。

第三章

- 广义线性模型的构成部分
 - 。 **随机部分**:识别响应变量Y并假设其概率分布
 - 系统部分:指定模型线性预测函数中用到的解释变量(自变量)
 - 。 **联系函数**: 指定Y的期望关于X的函数
- 随机部分
 - 。 设 Y_1, \ldots, Y_n 为Y的独立观测
 - 如果Y表示试验成功次数(试验总次数n > 1非随机),可以假定其服从二项分布。
 - 如果Y代表计数,可以假定其服从泊松分布(没有超散布)或者负二项分布(超散布)。
 - 如果Y连续,可以假定服从正态分布。
- 系统部分
 - 。 GLM的系统部分指定公式(线性预测量)

$$\alpha + \beta_1 x_1 + \cdots + \beta_k x_k$$

这里的 x_1, \ldots, x_k 可以是原始变量 z_1, z_2, \ldots 的函数

- 联系函数
 - 。 联系函数(link function)是将 $\mu:=EY$ 与线性预测量联系起来的函数 $g(\cdot)$:

$$g(\mu) = \alpha + \beta_1 x_1 + \cdots + \beta_k x_k.$$

联系函数连接了随机部分和系统部分。

- 常见联系函数
 - 。 **恒等联系**(常用于连续响应变量):

$$\mu = \alpha + \beta_1 x_1 + \cdots + \beta_k x_k$$

如普通的线性回归模型

。 **对数联系**(常用于计数响应变量):

$$\log(\mu) = \alpha + \beta_1 x_1 + \dots + \beta_k x_k$$

相应的模型称为对数线性模型

。 **逻辑联系**(适用于二分响应变量):

$$\log(\mu/(1-\mu)) = \alpha + \beta_1 x_1 + \dots + \beta_k x_k$$

相应的模型称为逻辑回归模型

• 如果响应变量服从指数分布

$$f(y; \theta, \phi) = \exp\{[y\theta - b(\theta)]/a(\phi) + c(y, \phi)\}\$$

则称 θ 为自然参数。

- 。 正态分布的自然参数就是均值本身
- 。 二项分布的自然参数是成功概率的logit变换
- 。 取自然参数等于 $g(\mu)$ 时,相应的联系函数称为典则联系。
- 正态GLM (P7或书P57)
- 二分数据的广义线性模型

- 。 Bernoulli分布是二分响应变量Y(不妨记取值为0或1)的分布,概率 $\pi=P(Y=1)$ 和 $1-\pi=P(Y=0)$ 确定,均值为 $EY=\pi$ 。如果 π 依赖于解释变量的取值x,则用 $\pi(x)$ 来代替 π
- 。 线性概率模型

$$\pi(x) = \alpha + \beta x$$

该模型采用的是恒等联系,尽管可以直接采用最小二乘法估计,但是缺点就是拟合值经常会超出合理的范围。

。 Logistic回归模型 当发现 $\pi(x)$ 与 x非线性关系,实际中采用Logistic回归。

$$logit[\pi(x)] = \alpha + \beta x$$

其中logit函数为联系函数

$$logit = log \frac{t}{1 - t}$$

。 Probit回归模型

$$\operatorname{probit}[\pi(x)] = \alpha + \beta x$$

其中 $\operatorname{probit}(x) = \Phi^{-1}(t)$ 。 主要针对

$$Y = egin{cases} 1, & T \leq X \ 0, & T > X \end{cases}$$

如果 $T \sim N(\mu, \sigma^2)$,则

$$\pi(x) := P(Y = 1 \mid X = x) = \Phi((x - \mu)/\sigma),$$

从而

$$\Phi^{-1}(\pi(x)) = (x - \mu)/\sigma$$

其中
$$\alpha = -\mu/\sigma$$
, $\beta = 1/\sigma$ 。

- 计数数据的广义线性模型
 - 对计数数据,最简单的分布假定是泊松。泊松分布的基本性质:
 - 取值为非负整数;
 - 均值和方差相等;
 - 分布右偏,且µ越小右偏越厉害;
 - 当均值小时,与正态分布差异较大,二当均值较大时差异很小。
 - 。 泊松对数线性模型

$$\log(\mu) = \alpha + \beta x$$

- 。 超散布性: 超出预期的变异性
 - 计数数据的方差大于均值、这种现象称为超散布性。
 - 超散布性是由于个体的异质性造成的。
 - 处理超散布性的一个方法是改用方差大于均值的离散分布,比如负二项分布和广义泊松分布。
- 统计推断和模型检验
 - 。 在GLM中,参数估计采用MLE。记模型参数eta的MLE为 \hat{eta} 。则其(1-lpha)100%的Wald置信区间为

$$\hat{eta} \pm u_{lpha/2} {
m SE},$$

其中SE为 \hat{eta} 的标准差估计(常采用Fisher信息量的逆开方)。

$$H_0 := \beta = \beta_0$$

Wald检验统计量为

$$W = (\hat{\beta} - \beta_0)^2 / \mathrm{SE}^2,$$

其在 H_0 之下的零极限分布为 \mathcal{X}_1^2 ,水平为lpha的检验拒绝域可取为 $\{W \geq \mathcal{X}_1^2(lpha)\}$ 。

。 似然比检验相比于Wald检验在小样本情形下更稳健。检验统计量为

$$\mathrm{LR}(eta_0) = 2[\sup_{lpha,eta} \log L(lpha,eta) - \sup_lpha \log L(lpha,eta_0)],$$

在 H_0 之下的零极限分布为 \mathcal{X}_1^2 ,因此检验的拒绝域为

$$\{\operatorname{LR}(eta_0)>\mathcal{X}_1^2(lpha)\}$$

相应的 $1 - \alpha$ 似然比置信区间为

$$\{\beta: \operatorname{LR}(\beta) \leq \mathcal{X}_1^2(\alpha)\}$$

- 离差(P39或书P72)
- 任意两个嵌套模型都可以通过比较离差看是否有显著差异。
- 比较观测和模型拟合的残差

。
$$ext{Pearson}$$
 $abla E = e_i = rac{y_i - \hat{\mu}_i}{\sqrt{\widehat{ ext{var}}(y_i)}}.$

。 对于泊松GLM,第i各观测的皮尔逊残差等于

$$e_i = rac{y_i - \hat{\mu}_i}{\sqrt{\hat{\mu}_i}}.$$

- 。 Pearson残差在0附近波动,且在 μ_i 很大(大样本)时近似服从正态分布。
- 。 标准化残差

标准化残差
$$=rac{y_i-\hat{\mu}_i}{ ext{SE}}$$

其中SE = $[\widehat{\text{var}}(y_i)(1-h_i)]^{1/2}$ 。标准化残差绝对值大于2或3表示偏离模型假定。

- 指数族Exponential dispersion family
 - N个Y的对立观察值 $(y_1,\ldots,y_N),y_1$ 的密度函数:

$$f(y_i; heta_i, \phi) = \exp\{[y_i heta_i - b) heta_i] / a(\phi + c(y_i, \phi))\}$$

 ϕ 散步参数dispersion parameter。 θ_i 自然参数。如果 ϕ 已知,则上面的参数族称为自然指数族。

- 。 均值 $\mu_i = E(Y_i) = b^{'}(\theta_i)$.
- 。 方差 $\operatorname{var}(Y_i) = b^{''}(\theta_i)a(\phi).$
- 。 具体建模看chapter3, P51

第四章

- 线性近似解释
 - 。 $\pi(x)$ 随x的变化趋势:
 - $\beta=0,\;\pi(x)$ 不随x变化;
 - $\beta > 0$, $\pi(x)$ 随x呈S形增长趋势;

- $\beta < 0$, $\pi(x)$ 随x呈S形递减趋势。
- 。 当 $\beta \neq 0$ 时, $\pi(x)$ 不是线性的,但是因为 $\pi(x)$ 是光滑函数,局部可以用线性逼近,且在x附近的增长速率为 $\pi(x)(1-\pi(x))\beta$ 。
- X根据Y的情况服从不同的正态分布(P20)
 - 。 设 $X\mid Y=j\sim N(\mu_j,\sigma^2)$,其pdf为 $\phi((x-\mu_j)/\sigma)/\sigma(j=0,1)$,则Y服从logistic回归模型:

$$\begin{split} &P(Y=1\mid X=x)\\ &=\frac{P(X=x\mid Y=1)P(Y=1)}{P(X=x\mid Y=1)P(Y=1)+P(X=x\mid Y=0)P(Y=0)}\\ &=\frac{\phi((x-\mu_1)/\sigma)f}{\phi((x-\mu_1)/\sigma)f+\phi((x-\mu_0)/\sigma)(1-f)}\\ &=\frac{\phi((x-\mu_1)/\sigma)f/[\phi((x-\mu_1)/\sigma)(1-f)]}{\phi((x-\mu_1)/\sigma)f/[\phi((x-\mu_1)/\sigma)(1-f)]+1}=\frac{e^{\alpha+\beta x}}{e^{\alpha+\beta x}+1}, \end{split}$$

其中
$$eta=(\mu_1-\mu_0)/\sigma^2, lpha=rac{\mu_0^2-\mu_1^2}{2\sigma^2}+\lograc{f}{1-f}$$
。

- 。 对于非正态的预测变量,可以考虑引进平方项等以便更好地拟合模型。
- Logistic回归的推断
 - 。 **未分组二分数据**:在原始资料(raw data)中,每个个体有一行数据(含响应变量和预测变量值),称为未分组二分数据
 - **分组二分数据**:如果预测变量也是属性数据,可以将原始资料总结成列联表的形式,称为分组二分数据。
 - 。 效应的置信区间:可以构造Wald置信区间和似然比置信区间。(P22)
 - 。 显著性检验
 - 回归系数 β 的显著性检验对应的原假设为 $H_0:\beta=0$ 。可以采用Z检验,等价的可以用Wald检验。对小样本可以改用似然比检验
 - 。 概率的置信区间
 - $\pi(x)$ 的置信区间的构造可以基于估计量 $\hat{\alpha}$ 和 $\hat{\beta}$ 的联合渐近正态性,可以先构造前者的置信区间,再变换得到后者的置信区间。
 - 算法如下:
 - 1. 首先,估计 $\hat{\alpha}+\hat{\beta}x$ 的方差

$$\operatorname{var}(\hat{\alpha} + \hat{\beta}x) = \operatorname{var}(\hat{\alpha}) + x^2 \operatorname{var}(\hat{\beta}) + 2x \operatorname{cov}(\hat{\alpha}, \hat{\beta}),$$

其中涉及到三个方差/协方差可以采用样本Fisher信息阵的逆矩阵中相应分量估计,这

样得到方差的估计 $\widehat{\mathrm{var}}(\hat{\alpha}+\hat{\beta}x)$,进而得到 $\hat{\alpha}+\hat{\beta}x$ 的标准差的估计 $\mathrm{SE}(x):=\sqrt{\hat{\alpha}+\hat{\beta}x}$ 。

- 2. 接着构造lpha+eta x的Wald置信区间 $:(\hat{lpha}+\hat{eta}x)\pm u_{lpha/2}\mathrm{SE}(x)$ 。
- 3. 最后得到 $\pi(x)$ 的Wald置信区间

$$\left[\frac{\exp\{\hat{\alpha}+\hat{\beta}x-u_{\alpha/2}\mathrm{SE}(x)\}}{1+\exp\{\hat{\alpha}+\hat{\beta}x-u_{\alpha/2}\mathrm{SE}(x)\}},\frac{\exp\{\hat{\alpha}+\hat{\beta}x+u_{\alpha/2}\mathrm{SE}(x)\}}{1+\exp\{\hat{\alpha}+\hat{\beta}x+u_{\alpha/2}\mathrm{SE}(x)\}}\right].$$

- 属性预测变量的logistic回归
 - ∘ 对属性预测变量X、可以采用指示变量/哑变量。
 - 。 记属性预测变量X的水平个数为k: $1,\ldots,k$,定义k个哑变量: $X_j=I(X=j),j=1,\ldots,k$ 。在相对的哑变量定义中需要一个基准水平,默认按字母顺序排在最前面的一个作为基准水平,例如k,此时 X_1,\ldots,X_{k-1} 进入模型:

$$P(Y = 1 \mid X_1 = x_1, \dots, X_{k-1} = x_{k-1}) = \operatorname{expit}(\alpha + \beta_1 x_1 + \dots + \beta_{k-1} x_{k-1}).$$

截距项 α 即基准水平相应的对数优势:

$$\frac{P(Y=1 \mid X=k)}{P(Y=0 \mid X=k)} = \frac{P(Y=1 \mid X_1 = \cdots = X_{k-1} = 0)}{P(Y=0 \mid X_1 = \cdots = X_{k-1} = 0)} = \exp(\alpha),$$

而 x_i 的系数 β_i 等于水平j相对于水平k的对数优势比:

$$\frac{P(Y=1 \mid X=1)/P(Y=0 \mid X=1)}{P(Y=1 \mid X=k)/P(Y=0 \mid X=k)} = \frac{\exp(\alpha+\beta_1)}{\exp(\alpha)} = \exp(\beta_1)$$

。 在绝对的哑变量定义中, 所有k个哑变量进入模型(模型没有截距项):

$$P(Y = 1 \mid X_1 = x_1, \dots, X_k = x_k) = \text{expit}(\beta_1 x_1 + \dots + \beta_k x_k),$$

其中 x_i 的系数等于水平j相对应的对数优势 β_i :

$$\frac{P(Y=1 \mid X=1)}{P(Y=0 \mid X=1)} = \exp(\beta_1)$$

。 检验一般的线性假设 $H_0: Heta=eta_0(eta_0$ 可以是多维的),此时的Wald检验统计量为

$$(H\hat{\beta} - \beta_0)^T [H\widehat{\text{cov}}(\hat{\beta})H^T]^{-1} (H\hat{\beta} - \beta_0)$$

更一般的 $H_0: g(\theta) = 0$, Wald统计量为:

$$W_n = n[g(\hat{ heta}_n)]^T \left\{ rac{\partial g(\hat{ heta}_n)}{\partial heta^T} [I(\hat{ heta}_n)]^{-1} \left[rac{\partial g(\hat{ heta}_n)}{\partial heta^T}
ight]^T
ight\}^{-1} g(\hat{ heta}_n)$$

此处 $\hat{\theta}_n$ 为MLE。

• $2 \times 2 \times K$ 列联表的CMH检验

设控制变量Z有K个类别(不妨用Z=k表示Z属于第k个类别),可以引进如下模型:

$$logit[P(Y = 1 \mid X = x, Z = k)] = \alpha_k + \beta x,$$

其中 $\exp(\beta)$ 是给定Z=k之下XY的公共优势比。可以通过检验 $H_0:\beta=0$ 验证条件独立性。下面构造检验 $H_0:\beta=0$ 的Cochran-Mantel-Haenszel(CMH)检验。

$$ho$$
 ho ho $ho = rac{n_{1+k}n_{+1k}}{n_{++k}}$ ho h

- 。 CMH的零极限分布为 \mathcal{X}_1^2 分布。
- 多元logistic回归

考虑k个预测变量的logistic回归模型:

$$logit[P(Y=1)] = \alpha + \beta_1 x_1 + \cdots + \beta_k x_k$$

参数 β_i 是控制其他预测变量时 x_i vs. Y条件对数优势比

$$eta_i = \log \left[rac{P(Y=1 \mid x_i = t+1, x_{(i)}) / P(Y=0 \mid x_i = t+1, x_{(i)})}{P(Y=1 \mid x_i = t, x_{(i)}) / P(Y=0 \mid x_i = t, x_{(i)})}
ight],$$

其中 $x_{(i)}=(x_1,\ldots,x_{i-1},x_{i+1},\ldots,x_k)$ 。上述模型蕴含着齐次关联假定。

- 通过模型比较确认某项是否必要(P44或书P99)
- 有序预测变量的定量化处理(P45或书P100)

- 容许交互效应(P46或书P101)
- Logistic回归效应的概括(P48或书P101)

第六章

• 名义响应变量的logit模型

记J为响应变量Y的类别个数,记 $\pi_j = P(Y=j)(j=1,\ldots,J)$,令 Y_1,\ldots,Y_n 为简单随机样本, $n_j = \sum_{i=1}^n I(Y_i=j)(j=1,\ldots,J)$,则 (n_1,\ldots,n_J) 服从参数为n和 (π_1,\ldots,π_J) 的多项分布。

- 。 基线-类别logit
 - 取最后一个类别(J)作为基线(baseline)时,基线-类别logit为

$$\log rac{\pi_j}{\pi_J}, \quad j=1,\ldots,J-1$$

如果给定响应只落在类别j和J中,则 $\log\{\pi_j/\pi_J\}$ 就是响应为j的对数优势,从而基线-类别 logit是二分情形的推广。事实上,记

则 π_i 的优势(给定Y=j或J时类别为j的条件优势)为

$$rac{\pi_{j}^{'}}{1-\pi_{j}^{'}} = rac{\pi_{j}/(\pi_{j}+\pi_{J})}{\pi_{J}/(\pi_{j}+\pi_{J})} = rac{\pi_{j}}{\pi_{J}}$$

■ 将二分响应变量的logit模型推广到多类别情形:

$$\log rac{\pi_j}{\pi_J} = lpha_j + eta_j x, \quad j = 1, \dots, J-1$$

- 模型不依赖于基线的选取。
- 通过极大似然估计拟合,总共J-1个式子同时拟合。
- 拟合方法可以参考P8
- 拟合优度检验

$$X^2 = \sum rac{(O-E)^2}{E}, \quad G^2 = 2\sum O\lograc{O}{E},$$

O为观测到的计数,而E则是在模型下的期望计数。要检查期望频数要均大于5。

- 离散选择模型 (P13或书P152)
- 有序响应变量的累积logit模型
 - 。 对有序响应变量Y, Y=i表示取值排序第i列的类别, 注意这一表示方式只代表顺序。
 - 。 累计概率

$$P(Y \leq j) = \pi_1 + \cdots + \pi_j, \quad j = 1, \ldots, J$$

累积概率的logit(简称为累积logit)为

$$\operatorname{logit}[P(Y \leq j)] = \log rac{\pi_1 + \dots + \pi_j}{\pi_{j+1} + \dots + \pi_J}, \quad j = 1, \dots, J-1.$$

 \circ 有序变量经常是由一个潜在变量 Y^* 诱导出来的:

$$Y = j$$
 当且仅当 $\tau_{j-1} < Y^* \le \tau_j$,

其中 $-\infty = \tau_0 < \tau_1 < \cdots < \tau_{J-1} = \infty$ 。如果假定 Y^* 与x满足如下的线性模型:

$$Y^{\star} = \alpha^{\star} - \beta x + e,$$

其中误差项e独立于x且服从logistic分布,则Y确实满足模型:

$$P(Y \le j) = P(Y^* \le \tau_j) = P(\alpha^* - \beta x + e \le \tau_j)$$

= $P(e \le \tau_j - \alpha^* + \beta x) = \text{expit}(\tau_j - \alpha^* + \beta x)$

- 。 模型参数的推断
 - 记n个独立观测数据为 (X_i,Y_i) ,其中预测变量 X_i 可以是多维的,而 Y_i 的取值于 $\{1,\ldots,J\}$ 。记模型参数向量为 Θ ,而累积(条件)概率 $P(Y_j\leq X_i)$ 依赖于 X_i 和 Θ ,记为 $p_{ij}(\Theta)$,显然

$$P(Y_i = j \mid X_j) = p_{ij}(\Theta) - p_{i,j-1}(\Theta) =: \pi_{ij}(\Theta), \ \c to \c$$

例如,对政治形态数据,考虑部分成优势比例模型(取类别J=5为基准类别)

$$logit(P(Y \le j)) = \alpha_j + \beta_j x + \gamma z, \quad j = 1, \dots, 4$$

則
$$J=5,\Theta=(lpha_1,\ldots,lpha_4,eta_1,\ldots,eta_4,\gamma)^T,X_i=(x_i,z_i)^T,$$
 $p_{ij}(\Theta)=\mathrm{expit}(lpha_j+eta_jx_i+\gamma z_i)$

将 Y_i 视为随机变量,得到似然函数

$$L(\Theta) = \prod_{i=1}^n P(Y_i \mid X_i) = \prod_{i=1}^n \prod_{j=1}^J \pi_{ij}(\Theta)^{I(Y_i=j)}.$$

- 。 比较累计概率的解释 (P24)
- 。 潜变量诱导 (P26)
- 。 响应类别选择的不变形 (P28)

假设潜变量模型

$$Y = j$$
,如果 $a_{i-1} < Y^* \le a_i$

成立,则合并任意类别所得的模型参数不变。

- 。 成对类比有序logit (P29或书P161)
 - 相邻类别logit
 - 连续比logit

第七章

- 双向表和三向表的对数线性模型
 - 。 考虑两个属性变量X和Y,不妨设它们的取值分别为 $1,\ldots,I$ 和 $1,\ldots,J$,其联合分布为

$$\pi_{ij} = P(X = i, Y = j), i = 1, \dots, I \text{ } 11, \dots, J.$$

令 (X_k,Y_k) , $k=1,\ldots,n$ 为(X,Y)的i.i.d.复制,则这个样本共有最多IJ种取值集合,相应的频数构成一个 $I\times J$ 列联表。

- 。 第(i,j)个单元格频数为 $n_{ij}=\sum_{k=1}^nI(X_k=i,Y_k=j)$,则 $(n_{11},n_{12},\ldots,n_{IJ})$ 服从参数为n和 $(\pi_{11},\pi_{12},\ldots,\pi_{IJ})$ 的多项分布。
- 。 记(i,j)单元格的期望频数为 $\mu_{ij}=n\pi_{ij}$ 。
- 。 假设X 和 Y独立,即

$$\pi_{ij}=\pi_{i+}\pi_{+j},\quad i=1,\ldots,I \ orall \ j=1,\ldots,J,$$

则(i,j)单元格的期望频数为

$$\mu_{ij} = E(n_{ij}) = n\pi_{i+}\pi_{+j}$$
.

• 双向表的独立性对数线性模型

。 在独立性假定下有如下独立性对数线性模型:

$$\log \mu_{ij} = \lambda + \lambda_i^X + \lambda_j^Y$$

其中 λ_i^X 和 λ_j^Y 分别为行效应和列效应

- 。 $\lambda_i^X(\lambda_i^Y)$ 越大,则第i行(j)列的期望频数越大。
- 。 独立检验统计量 X^2 和 G^2 适用于模型的拟合优度检验,通过和饱和模型的拟合优度进行比较。
- 。 模型对单元频数进行建模时把X 和 Y都看作响应变量,把单元频数看作是来自某个分布(比较典型的时泊松分布)的独立观测。
- 。 考虑J=2的情形,第i行概率 $P(Y=1\mid X=i)$ 的 \log it(对数优势)等于

$$egin{aligned} \log[P(Y=1 \mid X=i)/P(Y=2 \mid X=i)] \ &= \log(\pi_{i1}/\pi_{i2}) = \log(\mu_{i1}/\mu_{i2}) \ &= (\lambda + \lambda_i^X + \lambda_1^Y) - (\lambda + \lambda_i^X + \lambda_2^Y) \ &= \lambda_1^Y - \lambda_2^Y \end{aligned}$$

即 $P(Y=1\mid X=i)$ 的logit不依赖于X的水平: $\log it[P(Y=1\mid X=i)]:=\alpha.$ 这表明对于每一行,响应落入第一列的概率的优势都为 $\exp(\alpha)=\exp(\lambda_1^Y-\lambda_2^Y)$ 。

- 。 独立模型中的参数 $\{\lambda_i^X\}$ 中有一个是冗余的,可令其中一个为0,同理可以令 $\{\lambda_i^Y\}$ 其中一个为0,一般是令最后一个为0,独立模型中总共有I+J-1个独立参数。
- 双向表的饱和模型
 - 。 考虑交互效应的对数线性模型

$$\log \mu_{ij} = \lambda + \lambda_i^X + \lambda_j^Y + \lambda_{ij}^{XY},$$

其中交互效应 λ_{ij}^{XY} 度量了偏离独立性的程度。对数优势比与 λ_{ij}^{XY} 有直接联系,比如对2 imes2表模型有

$$\begin{split} \log \theta &= \log \frac{P(Y=1 \mid X=1)/P(Y=2 \mid X=1)}{P(Y=1 \mid X=2)/P(Y=2 \mid X=2)} \\ &= \log \frac{\pi_{11}\pi_{22}}{\pi_{12}\pi_{21}} = \log \frac{\mu_{11}\mu_{2}}{\mu_{12}\mu_{21}} = \log \mu_{11} + \log \mu_{22} - \log \mu_{12} - \log \mu_{21} \\ &= \lambda_{11}^{XY} + \lambda_{22}^{XY} - \lambda_{12}^{XY} - \lambda_{21}^{XY}. \end{split}$$

故优势比由交互效应决定,交互效应全为0则独立性成立。

。 在饱和模型下,每一个计数相应有一个参数,因此总共有IJ个独立参数:

总数 截距项 X主效应 Y主效应 XY交互效应
$$IJ = 1 + (I-1) + (J-1) + (I-1)(J-1).$$

当某个交互效应非零时,关于主效应的解释变得比较复杂,此时需要结合交互效应一起解释。

- 三向表的对数线性模型
 - 。 但愿期望频数频数 μ_{iik} 的对数线性模型

$$\log \mu_{ijk} = \lambda + \lambda_i^X + \lambda_j^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{ik}^{XZ} + \lambda_{jk}^{YZ}$$

XZ项 λ_{ik}^{XZ} 用于描述给定Y时X与Z的关联性。而XY的缺失反应了给定Z时X与Y的条件独立性。

- 。 这类模型可以用它的高阶项来描述,比如上述模型可以记为(XZ,YZ)。
- 。 更一般的模型:

$$\log \mu_{ijk} = \lambda + \lambda_i^X + \lambda_j^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{ij}^{XY} + \lambda_{ik}^{XZ} + \lambda_{jk}^{YZ}.$$

表示没有三阶交互效应,任意一对变量的条件关联性是齐次的,记为(XY,YZ,XZ)。

$$\log \mu_{ijk} = \lambda + \lambda_i^X + \lambda_j^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{ij}^{XY} + \lambda_{ik}^{XZ} + \lambda_{jk}^{YZ} + \lambda_{ijk}^{XYZ}.$$

该模型记为(XYZ)。

。 模型解释与最高项有关。给定Z的XY对数优势比为

$$\begin{split} \log \theta_{ij|k}^{XY|Z} &= \log \frac{P(X=i,Y=j \mid Z=k) / P(X=I,Y=J \mid Z=k)}{P(X=i,Y=J \mid Z=k) / P(X=I,Y=j \mid Z=k)} \\ &= \log \frac{\mu_{ijk} \mu_{IJk}}{\mu_{iJk} \mu_{Ijk}} \\ &= (\lambda + \lambda_i^X + \lambda_j^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{ij}^{XY} + \lambda_{ik}^{XZ} + \lambda_{jk}^{YZ}) \\ &+ (\lambda + \lambda_I^X + \lambda_J^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{IJ}^{XY} + \lambda_{Ik}^{XZ} + \lambda_{Jk}^{YZ}) \\ &- (\lambda + \lambda_i^X + \lambda_J^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{iJ}^{XY} + \lambda_{ik}^{XZ} + \lambda_{Jk}^{YZ}) \\ &- (\lambda + \lambda_I^X + \lambda_J^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{IJ}^{XY} + \lambda_{Ik}^{XZ} + \lambda_{Jk}^{YZ}) \\ &= \lambda_{ij}^{XY} + \lambda_{IJ}^{XY} - \lambda_{iJ}^{XY} - \lambda_{Ij}^{XY}. \end{split}$$

对数条件优势比不依赖于Z的取值,因此X与Y是齐次条件关联的。

。 在饱和模型下给定Z=k时XY的对数条件优势比为

$$\log \theta_{ij|k}^{XY|Z} = \lambda_{ij}^{XY} + \lambda_{IJ}^{XY} - \lambda_{iJ}^{XY} - \lambda_{Ij}^{XY} + \lambda_{ijk}^{XYZ} + \lambda_{IJk}^{XYZ} - \lambda_{iJk}^{XYZ} - \lambda_{Ijk}^{XYZ}.$$

- 一般来说此时条件关联是非齐次的。
- 对数线性模型的推断
 - 。 卡方拟合优度检验

$$G^2 = 2 \sum_i n_i \log rac{n_i}{\hat{\mu}_i},$$

$$X^2 = \sum_i rac{(n_i - \hat{\mu}_u)^2}{\hat{\mu}_i}.$$

- 其中下标i取遍列联表单元格。检验统计量的零极限分布都是卡方分布,其自由度df为单元 个数减模型中独立参数的个数。特别地,饱和模型下df=0。
- 条件关联的检验
 - 。 如果要检验给定M时A和C是否条件关联,可以采用离差(P20)。
 - 。 条件优势比的置信区间(P21或书P182)。
- 高维对数线性模型(书P183)
- 对数线性模型与logistic模型的联系(P23或书P186)
 - 。 区别
 - 对数线性模型:可以描述属性变量之间的关联性;
 - Logistic模型:描述解释变量与属性响应变量之间的关系,但不对解释变量之间的关联性 建模。
 - 。 联系
 - 对数线性模型:可以对其中一个响应变量构造logit来解释模型;
 - Logistic模型:如果解释变量都是属性变量,则它有相对应的对数线性模型(可以对应多个对数线性模型)。
 - 。 利用logistic模型解释对数线性模型
 - 下面通过构造一个变量的logit来理解对数线性模型表达式的含义。以三向列联表的齐次关 联模型为例说明:

$$\log \mu_{ijk} = \lambda + \lambda_i^X + \lambda_i^Y + \lambda_k^Z + \lambda_{ij}^{XY} + \lambda_{ik}^{XZ} + \lambda_{ik}^{YZ}.$$

设Y是二分的,将其看作响应变量,则

$$egin{aligned} & \operatorname{logit}[P(Y=1 \mid x+i, Z=k)] \ & = \log rac{P(Y=1 \mid X=i, Z=k)}{P(Y=2 \mid X=i, Z=k)} = \log rac{\mu_{i1k}}{\mu_{i2k}} \ & = (\lambda_1^Y - \lambda_2^Y) + (\lambda_{i1}^{XY} - \lambda_{i2}^{XY}) + (\lambda_{1k}^{YZ} - \lambda_{2k}^{YZ}) \ & := lpha + eta_i^X + eta_k^Z \,. \end{aligned}$$

■ 参考P24

- 模型选择策略:有多个变量的对数线性模型,通常先拟合只有单因子项的模型,如果拟合够好就停止,否则加入两因子项,依次类推,直到找到最合适的模型。
- 二元分类模型的衡量标准(第八章, model selection 2)
 - 真阳性 (True Positive、TP): 预测为正、实际也为正的样本;
 - 。 真阴性 (True Negative, TN): 预测为负, 实际也为负的样本;
 - 。 假阳性 (False Positive, FP): 预测为正, 实际为负的样本;
 - 。 假阴性 (False Negative, FN): 预测为负, 实际为正的样本。

	实际为正类	实际为负类
预测为正类	真阳性(TP)	假阳性(FP)
预测为负类	假阴性(FN)	真阴性(TN)

- 正确率(Accuaracy): $\frac{TP+TN}{TP+FP+FN+TN}$,即预测正确的样本数量占全部样本数的比例。(注意数据非平衡情况)。
- 精确率(Precision): $\frac{TP}{TP+FP}$,即预测为正类的样本中实际也为正类预测正确的比例,又叫查准率。
- 召回率(Recall): $\frac{TP}{TP+FN}$,即实际为正类的样本中正确预测为正类的比例,又叫查全率。
- 真正率(True Positive Rate, TPR): $\frac{TP}{TP+FN}$,
- 假正率(False Positive Rate, FPR): $\frac{FP}{FP+TN}$ 。
- ROC曲线: 横坐标为FPR,纵坐标为TPR,通过遍历0到1之间所有阈值计算相应的混淆矩阵从而绘制而成。
- AUC: ROC曲线下的面积, 越大越好。
- KS统计量:
 - 。 零假设 H_0 为两组数据的分布一致

$$O_{n,m} = \sup_x |F_{1,n}(x) - F_{2,m}(x)|,$$

其中 $F_{1,n}(x)$ 和 $F_{2,m}(x)$ 分别为两组数据的经验分布函数,样本数为n和m,当 $D_{n,m}>c(lpha)\sqrt{rac{n+m}{n\cdot m}}$ 时拒绝零假设。

$$\circ \qquad \qquad \mathrm{KS}_n = \sup_{-\infty < t < \infty} \left\{ \frac{1}{n_0} \sum_{y_i = 0} I(S(x_i) \leq t) - \frac{1}{n_1} \sum_{y_i = 1} I(S(x_i) \leq t) \right\}$$

其中 $n_0 = \sum_{i=1}^n I(y_i = 0), n_1 = \sum_{i=1}^n I(y_i = 1), S(x_i)$ 表示第i个客户的信用评分估计,一般认为和不会违约的条件概率 $P(Y = 1 \mid X)$ 是正相关的。

牛顿迭代法

$$ullet eta_{k+1} = eta_k + \Delta, 0 = S_n(eta_{k+1}) = S_n(eta_k + \Delta) pprox S_n(eta_k) + \dot{S}_n(eta_k) \Delta$$

$$ullet \ \Delta = -\left(\dot{S}_n(eta_k)
ight)^{-1} S_n(eta_k)$$

- 每次迭代修正 $eta_{k+1}=eta_k+c\Delta$,选c使得 $\|S_n(eta_{k+1})\|<\|S_n(eta_k)\|$.
- 停止条件 $\|\beta_{k+1} \beta_k\| \le \epsilon \|\beta_k\|$.
- 高等数理统计上的方法
 - 。 Newton-Raphson算法
 - 记负对数似然函数的Hessian矩阵为 $H(heta) = -rac{\partial^2 l(heta)}{\partial heta \partial heta'} = -rac{\partial s(heta)}{\partial heta'}$ 。
 - 第0步:令k=0,选初始值 $\hat{\theta}^{(k)}$;
 - 第1步: $\hat{ heta}^{(k+1)}=\hat{ heta}^{(k)}+\left[H(\hat{ heta}^{(k)})
 ight]^{-1}s(\hat{ heta}^{(k)});$
 - 第2步: 若 $|s(\hat{\theta}^{(k)})|$ 或 $|\hat{\theta}^{(k+1)} \hat{\theta}^{(k)}|$ 充分小,则停止;否则k=k+1,转到第1步。
 - 。 Fisher得分算法
 - 将Newton-Raphson算法中 $H(\theta) = -\frac{\partial^2 l(\theta)}{\partial \theta \partial \theta'}$ 换成 $H^*(\theta) = E_\theta H(\theta) = -E_\theta \frac{\partial^2 l(\theta)}{\partial \theta \partial \theta'}$ 就得到Fisher得分算法,即

$$\hat{ heta}^{(k+1)} = \hat{ heta}^{(k)} + \left[H^*(\hat{ heta}^{(k)})
ight]^{-1} s(\hat{ heta}^{(k)}).$$

即在迭代算法中,Newton-Raphson算法用的是观测Fisher信息矩阵而在Fisher得分算法中用的是期望Fisher信息矩阵。

Model Selection

- Model uncertainty:we are uncertain on many aspects of model.
 - o uncertainty consists of three main types (Amini, 2012):
 - theory uncertainty: focusing on which principal determinants should be included in a model;
 - heterogeneity uncertainty: relating to whether or not the parameters are identical across countries;

- functional form uncertainty: relating to which regressors enter the model linearly and which ones enter nonlinearly.
- Akaike Information Criterion(AIC)
 - $\circ \ \operatorname{AIC} = -2 \log L(\hat{ heta} \mid y) + 2 \dim(heta)$
 - AIC estimates the expected Kullback-Leibler between the model generating the data and a fitted candidate model.
 - Kullback-Leibler (1951) information:
 K-L information between models f and g is defined as the intergral

$$I(f,g) = \int f(x) \log rac{f(x)}{g(x\mid heta)} dx.$$

The notation I(f,g) denotes the "information lost when g is used to approximate f".

 \circ An estiamte of $I(f,g(x\mid heta_o))$:

$$I(f,g(x\mid \hat{ heta}(y))) = \int f(x) \log rac{f(x)}{g(x\mid \hat{ heta}(y))} dx.$$

Ignoring constant, the expected Kullback-Leibler is

$$-E_y E_x \log g(x \mid \hat{ heta}(y)).$$

K-L information of the best approximating model in the class of models $g(x \mid \theta)$:

$$I(f,g(x\mid heta_o)) = \int f(x) \log rac{f(x)}{g(x\mid heta_o)} dx.$$

- \circ Fisher information matrix $J=-Erac{\partial^2\log g(x| heta)}{\partial heta\partial heta'}|_{ heta= heta_0}$.
- · Considering candidate model k,

$$\sqrt{n}(\hat{ heta}_k- heta_o) o N(0,J^{-1}), ext{ as } n o\infty.$$

AIC in Normal Linear Regression Model:

AIC =
$$n \log \hat{\sigma}^2 + 2 \dim(\theta)$$
, $\hat{\sigma}^2 = ||\hat{y} - y||^2 / n$

- Bayesian Information Criterion
 - BIC = $-2 \log L(\hat{\theta} \mid y) + \dim(\theta) \log n$
 - Under linear model.

$$BIC = n \log \hat{\sigma}^2 + \dim(\theta) \log n$$

Mallows Criterion

0

$$C_I = \|y-\hat{\mu}\|^2 + 2\hat{\sigma}^2 k_m.$$

各种分布

- Binomial
 - ∘ B(n,p)

$$\circ \text{ p.d.f: P(X=x)=} \binom{n}{x} p^x (1-p)^{n-x}$$

- · Expectation: np
- Variance: np(1-p)
- Poisson
 - $\circ P(\theta)$
 - \circ p.d.f: $P(X=x)= heta^x e^{- heta}/x!$
 - \circ Expectation: θ
 - \circ Variance: θ
- Geometric
 - G(p)
 - p.d.f: $P(X = x) = (1 p)^{x-1}p$
 - Expectation: 1/p
 - ∘ Variance: (1-p)/p²
- Hypergeometric
 - HG(r,n,m)

$$\circ$$
 p.d.f: $P(X=x)=inom{n}{x}inom{m}{r-x}/inom{N}{r},\quad x=0,1,\ldots,min\{r,n\},\quad r-x\leq m$

- Expectation: rn/N
- Variance: rnm(N-r)/[N²(N-1)]
- Negative binomial
 - ∘ NB(p,r)

$$\circ$$
 p.d.f: $inom{x-1}{p-1} p^r (1-p)^{x-r}, \quad x=r,r+1,\ldots$

- Expectation: r/p
- Variance: r(1-p)/p²
- Exponential
 - $\circ E(a,\theta)$

$$\circ \;$$
 p.d.f: $heta^{-1}e^{-(x-a)/ heta}I_{(a,\infty)}(x)$

 \circ Expectation: $\theta + a$

 \circ Variance: θ^2

• Chi-square

$$\circ$$
 \mathcal{X}_k^2

$$\circ$$
 p.d.f: $rac{1}{\Gamma(k/2)2^{k/2}}x^{k/2-1}e^{-x/2}I_{(0,\infty)}(x)$

o Expectation: k

o Variance: 2k

• Gamma

$$\circ \Gamma(\alpha, \gamma)$$

$$\stackrel{\circ}{\circ} \Gamma(\alpha,\gamma) \\ \stackrel{\circ}{\circ} \text{ p.d.f: } \tfrac{1}{\Gamma(\alpha)\gamma^{\alpha}} x^{\alpha-1} e^{-x/\gamma} I_{(0,\infty)}(x)$$

 \circ Expectation: $\alpha\gamma$

 \circ Variance: $\alpha \gamma^2$

• Logistic

$$\circ LG(\mu, \sigma)$$

$$\circ \ \, \mathrm{p.d.f:} \, \sigma^{-1} e^{-(x-\mu)/\sigma}/[1+e^{-(x-\mu)/\sigma}]^2$$

 \circ Expectation: μ

 \circ Variance: $\sigma^2\pi^2/3$