Algorithmique et structures de données

Julien BERNARD

Université de Franche-Comté – UFR Sciences et Technique

Licence Informatique – 2^e année

Première partie

Introduction et généralités

Plan de ce cours

1 Introduction

- À propos de votre enseignant
- À propos du cours Algorithmique

2 Complexité et Algorithmique

- Définitions
- Outils mathématiques
- Rappels mathématiques

Plan

- 1 Introduction
 - À propos de votre enseignant
 - À propos du cours Algorithmique

- 2 Complexité et Algorithmique
 - Définitions
 - Outils mathématiques
 - Rappels mathématiques

Votre enseignant

Qui suis-je?

Qui suis-je?

Julien BERNARD, Maître de Conférence (enseignant-chercheur) julien.bernard@univ-fcomte.fr, Bureau 426C

Enseignement

- Responsable de la licence Informatique,
 Responsable du semestre 1 (Starter) de la licence Informatique
- Cours: Algorithmique et structures de données (L2), Théorie des Langages (L3), Analyse Syntaxique (L3), Programmation multi-paradigme (L3)

Recherche

Optimisation, ordonnancement



Plan

- 1 Introduction
 - À propos de votre enseignant
 - À propos du cours Algorithmique

- 2 Complexité et Algorithmique
 - Définitions
 - Outils mathématiques
 - Rappels mathématiques

UE Algorithmique Organisation

Équipe pédagogique

- Julien Bernard: CM, TD (julien.bernard@univ-fcomte.fr)
- Éric Merlet, Louis-Claude Canon, Julien Bernard : TP

Volume

■ Cours: 12 x 1h30

■ TD: 14 x 1h30

■ TP: 14 x 1h30

Calendrier

Évaluation

- Bibliothèque stringlib : vendredi 22 septembre 2023, 18h00
- Devoir surveillé #1 : jeudi 19 octobre 2023, 11h00-12h30
- QCM : jeudi 9 décembre 2023, 11h00-12h30
- Devoir surveillé #2 : jeudi 14 décembre 2023, 11h00-12h30

Évaluation

- Deux devoirs surveillés : d_1 , d_2
- Deux projet en TP : p_1 , p_2
- Deux bibliothèques : *b*₁, *b*₂
- Un QCM (optionnel) : q
- Une bibliothèque supplémentaire (optionnelle) : *b*₃



UE Algorithmique

Calcul de la moyenne

Calcul de la moyenne

■ Première chance :

$$B_1 = \frac{b_1 + b_2}{2}, T_1 = \frac{p_1 + p_2 + B_1}{3}, D_1 = \frac{d_1 + d_2}{2}, N_1 = \frac{2 \times D_1 + T_1}{3}$$

Seconde chance :

$$B_2 = rac{b_1 + b_2 + b_3}{3}, \, T_2 = \max\left(T_1, rac{p_1 + p_2 + B_2}{3}
ight),$$

$$D_2 = \max\left(D_1, \frac{2 \times d_1 + 2 \times d_2 + q}{5}\right), N_2 = \frac{2 \times D_2 + T_2}{3}$$

■ Moyenne :

$$N = \max(N_1, N_2)$$



UE Algorithmique

Comment ça marche?

Mode d'emploi

- Prenez des notes! Posez des questions! N'attendez pas du tout-cuit!
- Comprendre plutôt qu'apprendre
- 3 Le but de cette UE n'est pas d'avoir une note!

Niveau d'importance des transparents

	trivial	pour votre culture
*	intéressant	pour votre compréhension
**	important	pour votre savoir
***	vital	pour votre survie

Note : les contrôles portent sur tous les transparents!

Contenu pédagogique

Objectif

Acquérir les notions d'algorithmique liées aux structures de données récursives ainsi que les bases de l'analyse d'algorithmes

- Complexité algorithmique
- Pointeurs et tableaux
- Listes chaînées
- Tris
- Arbres
- Graphes



UE Algorithmique

Bibliographie



Thomas Cormen, Charles Leiserson, Ronald Rivest, Clifford Stein. Algorithmique.

3è édition, 2010, Dunod



Donald Knuth.

The Art of Computer Programming.

Plan

1 Introduction

- À propos de votre enseignant
- À propos du cours Algorithmique

2 Complexité et Algorithmique

- Définitions
- Outils mathématiques
- Rappels mathématiques

Qu'est-ce qui est calculable?

- Première moitié du XX^e siècle : recherche de la définition de calcul
- K. Gödel, A. Church, A. Turing
- Existence d'une solution ⇒ calcul effectif d'une solution
- → Qu'est-ce qui est calculable?

Exemple (Existence sans calcul effectif)

■ Racines d'un polynôme quelconque

Qu'est-ce qu'un problème?



Définition (Problème)

Un **problème** en informatique est constitué de données sous une certaine forme et d'une question portant sur ces données.

Exemples

Problème Pâte à crêpes

Données : 250g de farine, 0,5L de lait, 2 œufs, 2g de sel.

Question : Comment faire une pâte à crêpes?

Problème Divisibilité par 10

Données : $n \in \mathbb{N}$

Question: *n* est-il divisible par 10?

Instance d'un problème



Définition (Instance d'un problème)

Une **instance d'un problème** est composée d'une valeur pour chaque donnée du problème.

Exemple

- 10 est une instance du problème «Divisibilité»
- 2 $(5 \times 3 + 4)$ est une autre instance du même problème

Définition

Un **algorithme** est une méthode indiquant sans ambiguïté une suite finie d'actions mécaniques à effectuer pour trouver la réponse à un problème.

Précisions sur cette définition

- «sans ambiguïté» exprime le fait que tout le monde comprend la méthode de la même façon.
 - Contre-exemple : «Saler à votre convenance»
- «mécanique» signifie qu'il ne fait pas appel à l'intelligence ou à la réflexion.

Exemple (Un algorithme pour le problème «Divisibilité»)

- 1 Déterminer le reste r de la division de n par 10.
- 2 Si r = 0, n est divisble par 10 sinon n n'est pas divisible par 10.



Définition

Un programme désigne la traduction d'un algorithme dans un langage de programmation.

Exemple (Une fonction pour le problème «Divisibilité»)

```
public class DivisiblePar10 {
  public static void main(String[] args) {
    int n = Clavier.saisirInt();
    int r = n \% 10:
    if (r = 0) {
      Ecran.afficher(n, " est divisible par 10\n");
   } else {
      Ecran.afficher(n, " n'est pas divisible par 10\n");
```

Existe-il un algorithme pour chaque problème?

La réponse est **non**! Quelques exemples :

- Trouver les prochains numéros du Loto
- Trouver un pavage

Exemple (Définition du problème de pavage)

Problème Pavage

Données : un ensemble \mathcal{T} fini de tuiles carrées dont les bords sont colorés et dont l'orientation est fixée.

Question: Peut-on paver n'importe quelle surface avec des tuiles ayant uniquement des motifs appartenant à \mathcal{T} de façon à ce que les couleurs de deux arrêtes de tuiles qui se touchent soient les mêmes?



Problème de pavage



Exemple (Une instance avec une solution)







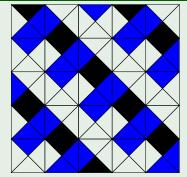
Exemple (Une instance sans solution)







Exemple (Solution pour la première instance)



Problème indécidable



Inexistence d'algorithme pour un problème

Que signifie exactement qu'aucun algorithme n'existe pour un problème donné? Cela veut dire qu'il n'existe pas d'algorithme qui réponde à la question pour **n'importe quelle instance** du problème, c'est-à-dire que pour tout algorithme, il existe une donnée du problème telle que :

- soit l'algorithme ne s'arrête pas;
- soit il donne une réponse fausse.

Définition (Indécidabilité)

Un problème pour lequel aucun algorithme n'existe est dit indécidable.

Tous les algorithmes sont-ils utilisables?



Exemple

Problème Puzzle des singes

Données : un ensemble de cartes carrées dont l'orientation est donnée et dont les cotés représentent le bas ou le haut d'un singe

Question: Peut-on arranger ces cartes afin de faire un grand carré tel que les moitiés se correspondent?

Exemple (Une instance du problème des singes)



Exemple (Algorithme naïf pour résoudre le puzzle des singes)

- Tester toutes les combinaisons de cartes jusqu'à en trouver une qui convienne ou à avoir épuisé toutes les possibilités.
- → Étant donné que le nombre de combinaisons de cartes est fini, cet algorithme s'arrête.

Analyse de l'algorithme

Supposons qu'on ait 25 cartes (soit un carré de 5×5), on a donc 25! combinaisons possibles. Si un ordinateur teste un milliard de combinaisons à la seconde, il faudra 490 millions d'années!

→ Cet algorithme est inutilisable!

Problème traitable



Définition (Problème traitable)

Un problème est dit **traitable** s'il existe un algorithme utilisable pour le résoudre.

Traitable et non-traitable

Un problème peut être non-traitable si les algorithmes pour le résoudre :

- prennent trop de temps;
- utilisent trop de mémoire.

Si un problème est non-traitable, on peut chercher des algorithmes :

- qui donnent une réponse approchée de la question;
- qui ne répondent pas toujours.

Complexité et algorithmique



Définition (Complexité algorithmique)

La **complexité algorithmique** (ou **coût**) est la mesure de l'efficacité d'un algorithme, c'est-à-dire :

- son temps d'exécution;
- la place mémoire utilisée.

La complexité algorithmique permet de comparer deux algorithmes qui résolvent le même problème.

Définition (Algorithmique)

L'algorithmique est l'étude des méthodes pour améliorer la complexité des algorithmes.



Plan

1 Introduction

- À propos de votre enseignant
- À propos du cours Algorithmique

2 Complexité et Algorithmique

- Définitions
- Outils mathématiques
- Rappels mathématiques





Notations de Landau

Généralités

Les notations de Landau permettent de comparer des fonctions asymptotiquement, c'est-à-dire connaître leur comportement pour des n très grand.

Notation	Signification
f = O(g)	f est bornée par g
$f = \Theta(g)$	f est du même ordre que g
f = o(g)	f est dominée par g



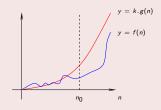
f est bornée par g

Définition (f est bornée par g)

Notations de Landau

On dit que f est **bornée** par g, et on note f = O(g) si :

$$\exists k > 0, \exists n_0 \in \mathbb{N}, \forall n > n_0, |f(n)| \leq k \cdot |g(n)|$$



Définition intuitive

Pour les grandes valeurs de n, f(n) ne dépasse pas $k \cdot g(n)$.



Notations de Landau

f est bornée par g

Exemples

- \blacksquare n = O(n) avec $n_0 = 0$ et k = 1
- 42n = O(n) avec $n_0 = 0$ et k = 42
- $n = O(n^2)$ avec $n_0 = 0$ et k = 1
- $\blacksquare 4n^5 + 3n^2 + n = O(n^5)$
- \blacksquare 42 = O(1)
- sin(n) = O(1)



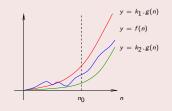
f est du même ordre que g

Notations de Landau

Définition (f est du même ordre que g)

On dit que f est **du même ordre** que g, et on note $f = \Theta(g)$ si :

$$\exists k_1, k_2 > 0, \exists n_0 \in \mathbb{N}, \forall n > n_0, k_1 \cdot |g(n)| \le |f(n)| \le k_2 \cdot |g(n)|$$



Définition intuitive

Pour les grandes valeurs de n, f(n) est encadrée par $k_1 \cdot g(n)$ et $k_2 \cdot g(n)$. Ou dit autrement, f = O(g) et g = O(f).



Notations de Landau

f est du même ordre que g

Exemples

- $n = \Theta(n)$ avec $n_0 = 0$ et $k_1 = k_2 = 1$
- $42n = \Theta(n)$ avec $n_0 = 0$ et $k_1 = k_2 = 42$
- $4n^5 + 3n^2 + n = \Theta(n^5)$
- $42 = \Theta(1)$
- $2 + sin(n) = \Theta(1)$



f est dominée par g

Définition (f est dominée par g)

On dit que f est **dominée** par g, et on note f = o(g) si :

$$\forall \varepsilon > 0, \exists n_0 \in \mathbb{N}, \forall n > n_0, |f(n)| \leq \varepsilon \cdot |g(n)|$$

Définition intuitive

Pour ε aussi petit qu'on veut, et pour des grandes valeurs de n, f(n) ne dépasse pas $\varepsilon \cdot g(n)$. Dit autrement, pour des grandes valeurs de n, f(n) est tout petit par rapport à g(n).

Définition équivalente

$$\lim_{n\to+\infty}\frac{f(n)}{g(n)}=0$$





f est dominée par g

Notations de Landau

Exemples

- $42 = o(\log n)$
- $n = o(n^2)$
- $-42n = o(n^2)$
- $n^2 = o(2^n)$
- $2^n = o(n!)$



Notations alternatives

Définition (f borne g)

On dit que f borne g, et on note $f = \Omega(g)$, si g est bornée par f, c'est-à-dire si g = O(f).

Définition (f domine g)

On dit que f domine g, et on note $f = \omega(g)$, si g est dominée par f, c'est-à-dire si g = o(f).

Définition (f est équivalente à g)

On dit que f est équivalente à g, et on note $f \sim g$, si f = g + o(g).





Notations de Landau

Utilisation pratique

Utilisations pratiques

- Lorsqu'on aura une fonction f à étudier, on cherchera à trouver :
 - **1** une fonction simple g telle que $f = \Theta(g)$;
 - **2** à défaut, une fonction h telle que f = O(h).
- Lorsqu'on aura à comparer deux fonctions f et g, on cherchera à montrer :
 - soit f = o(g) (ou $f = \omega(g)$)
 - soit $f = \Theta(g)$

Échelle de comparaison



Échelle de comparaison

Fonction	Nom
O(1)	constante
$O(\log n)$	logarithmique
$O((\log n)^c)$	polylogarithmique
O(n)	linéaire
$O(n \log n)$	log-linéaire
$O(n^2)$	quadratique
$O(n^3)$	cubique
$O(n^c)$	polynomiale
$O(c^n)$	exponentielle
O(n!)	factorielle





Vitesse des ordinateurs

Les ordinateurs modernes (1 GHz = 10^9 Hz $\approx 2^{30}$ Hz) calculent à la **vitesse de la lumière** (3.10⁸ $m.s^{-1}$).

Temps (secondes)

2^{10}	15 minutes	
2^{20}	10 jours	
2^{30}	30 ans	
2 ⁴⁰	30000 ans	découverte du feu
2^{50}	30M années	extinction des dinosaures ¹
2^{57}	4Md années	âge de la Terre
2^{59}	13Md années	âge de l'Univers

1. 65M années



Plan

- 1 Introduction
 - À propos de votre enseignant
 - À propos du cours Algorithmique

- 2 Complexité et Algorithmique
 - Définitions
 - Outils mathématiques
 - Rappels mathématiques

Logarithme et exponentielle



Logarithme et exponentielle

$$a^{b+c} = a^b \times a^c$$

$$a^{b \times c} = (a^b)^c$$

$$\log\left(\frac{1}{a}\right) = -\log a$$

$$\log(a \times b) = \log a + \log b$$

$$\log\left(\frac{a}{b}\right) = \log a - \log b$$

$$\log(a^b) = b \times \log a$$

$$\log_b a = \frac{\ln a}{\ln b}$$

$$a^b = e^{b \ln a}$$

Formules utiles

■ Somme des premiers entiers

$$\sum_{i=1}^{n} i = \frac{n(n+1)}{2} = O(n^2)$$

■ Somme des premiers carrés

$$\sum_{i=1}^{n} i^2 = \frac{(2n+1)(n+1)n}{6} = O(n^3)$$

Formule de Stirling

$$n! \sim \sqrt{2\pi n} \left(\frac{n}{e}\right)^n$$

Deuxième partie

Le langage C

Plan de ce cours

- 3 Bases du langage C
 - Introduction
 - Types
 - Structures de contrôle
 - Fonctions
- 4 Bibliothèque standard du C
 - Généralités
 - Entrée/Sortie simple
 - Allocation mémoire
 - Manipulation de chaînes de caractères
 - Fonctions mathématiques

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

Histoire et normes

Historique

- 1973 : Création du langage C par B. Kernighan et D. Ritchie : C K&R
- 1989 : Normalisation par l'ANSI, puis par l'ISO : ANSI C ou C89
- 1999 : Mise à jour de la norme : C99
- 2011 : Mise à jour de la norme : C11
- 2017 : Mise à jour de la norme : C17 (corrections mineures)
- 202x : Prochaine mise à jour de la norme!

Caractéristique du langage

Caractéristiques

- Langage impératif : description des opérations en termes de séquences d'instructions pour modifier l'état du programme.
- Langage procédural : découpage du programme en terme de procédures (ou fonctions) qui peuvent être appelées n'importe où.
- Langage bas niveau : travail avec des adresses en mémoire.
- Gestion explicite de la mémoire.

Exemple (helloworld.c)

```
#include <stdio.h>
int main(int argc, char* argv[]) {
  printf("Hello World!\n");
  return 0;
}
```

Exemple (Compilation et exécution)

```
$ gcc -std=c99 -Wall -g -02 -o helloworld helloworld.c
$ ./helloworld
Hello World!
```

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

Types de base

Types de base en C

- char : entier (signé ou non-signé) sur 8 bits
- short : entier signé sur 16 bits
- int : entier signé sur 16 ou 32 ou 64 bits
- long : entier signé sur 32 ou 64 bits
- unsigned type : version non-signée des types entiers
- float : flottant simple précision (32 bits)
- double : flottant double précision (64 bits)
- void : type générique vide, sans valeur

Taille des types

sizeof (type) renvoie la taille du type



Opérateurs en C

- opérateurs arithmétiques pour les types numériques :
 - +, -, /, *, %
- opérateurs d'incrémentation/décrémentation (préfixés et postfixés) : ++, --
- opérateurs relationnels :
 - ==, !=, <, >, <=, >=
- opérateurs logiques : &&. | | . !
- opérateurs bit à bit :
 - &. |. ~. ^. <<. >>

Booléen en C

Depuis C99, il existe un type booléen _Bool (accessible via la macro bool), ainsi que les deux valeurs true (qui vaut 1) et false (qui vaut 0).

Auparavant, on pouvait utiliser un entier pour représenter un booléen. En effet, pour toute expression expr, on bénéficie en C de l'équivalence suivante :

expr vaut vrai si et seulement si expr != 0

Types structurés

struct

```
struct nom {
  type1 nom1;
  type2 nom2;
  . . .
};
```

Exemple (Déclaration)

```
struct date {
  int day;
  int month;
  int year;
};
```

Exemple (Utilisation)

```
struct date d1;
d1.day = 14;
d1.month = 7;
d1.year = 1789;
struct date d2 = \{ 14, 7, 1789 \};
```

Types énumérés

```
enum
enum nom {
  NOM1,
  NOM2,
  . . .
};
```

Exemple (Déclaration)

```
enum color {
  RED,
  GREEN,
  BLUF.
};
```

Exemple (Utilisation)

```
enum color c1, c2;
c1 = RED;
c2 = GREEN;
```

const

Le mot-clef const ajouté au début de la déclaration d'une variable de type simple, structuré ou énuméré signifie que la valeur de la variable ne peut pas changer. Il faut donc nécessairement attribuer une valeur à cette variable au moment de la déclaration.

```
const int two = 2;
const struct date d = { 14, 7, 1789 };
const enum color c = RED;
```

typedef

Il est possible de créer des alias de type à l'aide du mot-clef typedef, c'est-à-dire de substituer le nom d'un type par un autre. Il est fortement recommandé de choisir un nom finissant par _t. Déclaration de la forme : typedef type identifiant;

Exemple (Déclaration)

```
typedef int integer_t;
typedef struct date date_t;
typedef enum color color_t;

typedef struct {
  double real;
  double imaginary;
} complex_t;
```

Exemple (Utilisation)

```
integer_t i = 3;
date_t d = { 14, 7, 1789 };
color_t c = RED;
complex_t j = { 0., 1. };
```

Tableaux



Définition (Tableau)

Un tableau est un espace mémoire contenant plusieurs éléments contigus du même type. Il existe deux types de tableaux en C, les tableaux statiques dont la taille est connue à la compilation et les tableaux dynamiques dont la taille est connue à l'exécution. Les tableaux sont indicés à partir de 0. «type nom[N]» = tableau statique de N élément de type type.

Exemples (Déclaration)

```
struct color colors[3]:
  colors est un tableau de 3 struct, color
char str[] = { 'a', 'b, 'c', 'd', 'e' };
  str est un tableau de 5 char (automatique).
int array[10] = \{ 1, 2 \};
  array est un tableau de 10 int.
```

Exemple (Accès aux éléments)

```
array[0]
```

Accès au premier élément du tableau array.

str[10]

Accès au 11è élément du tableau str! Pas de vérification!

Pointeur

Définition (Pointeur)

Un **pointeur** est une adresse vers un espace mémoire typé. $\langle type * \rangle = pointeur vers type$

Définition (NULL)

NULL représente l'adresse 0, c'est-à-dire l'adresse sur rien. Équivalent au null de Java.

Déclaration d'un pointeur

```
int *p;
  p est un pointeur vers un int. Ou plutôt *p est un int.
int *p, q;
  q est un int!
int *p, *q;
  *p et *q sont des int.
struct date *birthday;
  birthday est un pointeur vers une structure date.
void *buf:
  buf est un pointeur générique.
```

Référencement

L'opérateur & permet de récupérer l'adresse d'une variable.

Exemple

```
int i = 3;
int *p = &i;
  p contient l'adresse de i.
```

Déréférencement

L'opérateur * permet de récupérer le contenu de la variable pointée.

```
int j = *p;
  j contient le contenu de ce qui est pointé par p.
```

Accès aux membres d'une structure

L'opérateur -> permet d'accéder aux membres d'une structure via un pointeur sur cette structure.

```
struct date *birthday = ...;
birthday->month
  Permet d'accéder au champ month de la structure date.
(*birthday).month
  Idem.
```

Pointeurs et const

```
const int *p;
  p est un pointeur vers un const int.
  p pourra être modifié!
  *p ne pourra pas être modifié!
int * const q;
  q est un pointeur constant vers un int.
  q ne pourra pas être modifié!
  *q pourra être modifié!
const int * const r;
  r est un pointeur constant vers un const int.
  r ne pourra pas être modifié!
  *r ne pourra pas être modifié!
```

Addition d'un pointeur et d'un entier

Il est possible d'ajouter un entier signé n à un pointeur P de type T. Le résultat P+n est un pointeur du même type \mathcal{T} qu'on a avancé de n fois la taille de \mathcal{T} .

```
int array[10];
int *p = \&array[0];
  p pointe sur le premier élément du tableau array.
int *q = p + 1;
  q pointe sur le deuxième élément du tableau array.
q++;
  q pointe sur le troisième élément du tableau array.
```

Soustraction de deux pointeurs

Il est possible de soustraire deux pointeurs P et Q de même type \mathcal{T} . Le résultat P-Q est un entier signé de type ptrdiff t qui contient le nombre d'objet de type \mathcal{T} entre P et Q.

```
int array[10];
int *p = \&array[0];
int *q = p + 3;
ptrdiff_t diff1 = q - p;
  diff1 vaut 3.
ptrdiff_t diff2 = p - q;
  diff2 vaut -3.
```

Equivalence tableau/pointeur

Équivalence tableau/pointeur

En C, un tableau est un pointeur vers le premier élément du tableau. Et inversement, un pointeur peut être vu comme un tableau.

```
int array[10];
  array a pour type int * const.
array[2]
  Strictement équivalent à *(array + 2).
int *p = \dots;
p[2]
  Strictement équivalent à *(p + 2).
p[0]q
  Strictement équivalent à *p.
```

Définition (Chaîne de caractères)

Une chaîne de caractère est un tableau de char dont le dernier élément est le caractère '\0'.

```
char str1[] = \{'a', 'b', 'c', '\setminus 0'\};
  str1 est une chaîne de caractères.
char str2[] = "abc";
  str2 est la même chaîne de caractères que str1.
char *str3 = "abc";
  Idem. Mais str3 ne sera pas modifiable.
11 11
  Représente la chaîne vide. Équivalent à { '\0' }.
```

Plan

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

Structures conditionnelles

```
if
if (condition) {
  intructions;
```

if/else

```
if (condition) {
  intructions;
} else {
  intructions;
```

```
int x = 0;
if (!x) {
  printf("This will be printed.\n");
} else {
  printf("This will *not* be printed.\n");
```

while

```
while (condition) {
  intructions;
```

do ... while

```
do {
  intructions;
} while (condition);
```

```
int i = 37;
while (i != 1) {
  if (i % 2 == 0) {
   i = i / 2;
 } else {
    i = 3 * i + 1;
```

Structure répétitive

for

```
for (initialisation; condition; mise à jour) {
  intructions;
}
```

```
for (int i = 0; i < 10; i++) {
  for (int j = 0; j < i; ++j) {
    printf("#");
  }
  printf("\n");
}</pre>
```

Structure de choix

```
switch
switch (valeur) {
  case valeur1:
    intructions;
    break;
  case valeur2:
    intructions;
    break;
  default:
    intructions;
    break;
```

```
int i = ...;
switch (i) {
  case 0:
    printf("i vaut 0.\n");
    break;
  case 1:
    printf("i vaut 1.\n");
    break;
  default:
    printf("i vaut ?.\n");
}
```

Plan

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

Rappels sur les fonctions

Fonction, paramètre, argument

Définition (Fonction)

Une fonction est une séquence d'instructions encapsulée qui peut être appelée depuis d'autres séguences d'instructions. Elle comprend :

- Un nom unique au sein du programme qui identifie la fonction
- Un type de retour (éventuellement void)
- Une liste de paramètres avec leur nom et leur type
- Le corps de la fonction qui contient les instructions

Définition (Paramètre/Argument)

Un paramètre d'une fonction (aussi appelé paramètre formel) est un nom donné à la donnée que manipule la fonction.

Un argument d'une fonction (aussi appelé paramètre effectif) est la valeur donné à un paramètre à l'appel de la fonction.



Mode de passage des paramètres

Mode de passage des paramètres

Il existe deux modes de passage des paramètres :

- Par valeur (ou par copie) : le paramètre contient une copie de l'argument, s'il est modifié, la valeur dans la fonction appelante n'est pas modifiée.
- Par référence (ou par adresse ou par variable) : le paramètre contient une référence sur l'argument, s'il est modifié, la valeur dans la fonction appelante est également modifiée.

Remarque importante

Le mode de passage des paramètres dépend des langages et des types :

- Java : type simple par valeur, objets par référence
- C : tout par valeur
- Python, Ruby : tout par référence
- C++. Ada : au choix



Fonctions récursives

Définition (Fonction récursive)

Une **fonction récursive** est une fonction dont le corps contient un appel à la fonction elle-même.

Exemple (Fonction récursive)

```
int fact(int n) {
   if (n == 1) {
     return 1;
   }
  return n * fact(n - 1);
}
```

Rappels sur les fonctions

Appel de fonction

Appel de fonction

Un appel de fonction crée un contexte d'exécution qui est placé sur la *pile*. Le contexte d'exécution contient les arguments ainsi que l'adresse de retour. À la fin de l'exécution de la fonction, le contexte d'exécution est enlevé de la pile et le programme continue à l'adresse de retour indiquée.

Pile

La pile, aussi appelée pile d'appels ou pile d'exécution, est l'espace mémoire réservé pour stocker les contextes d'exécution. Outre les arguments et l'adresse de retour, elle contient toutes les variables locales à la fonction.

Définition et déclaration d'une fonction

Définition d'une fonction

```
type nom(type1 par1, ..., typeN parN) {
  intructions;
  return something;
}
```

Exemple

```
int max(int i, int j) {
   if (i > j) {
      return i;
   }
   return j;
}
```

Définition et déclaration d'une fonction

Déclaration d'une fonction

La déclaration d'une fonction est une description de la fonction sous forme de **prototype**, c'est-à-dire son type de retour, son nom et ses paramètres. Un prototype indique qu'une fonction existe et qu'on peut l'utiliser. type nom(type1 par1, ..., typeN parN);

Exemple

```
int max(int i, int j);
```

Exemple (Cas particulier d'une fonction sans paramètre)

```
int do_something(void);
```

Fonction principale

La fonction principale d'un programme en C est appelé main et a un des prototypes suivants:

```
int main(void):
int main(int argc, char *argv[]);
```

où argc est le nombre de paramètres et argv est un tableau de argc chaînes de caractères, chaque chaîne représentant un argument du programme. La valeur renvoyée par main est la valeur de retour du programme.

Remarque sur argc et argv

If y a toujours au moins un argument (argc ≥ 1), argv[0]: le nom du programme.

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

Définition (Bibliothèque standard)

La bibliothèque standard est un ensemble de fonctions de base nécessaire dans la plupart des programmes. Pour pouvoir les utiliser, il est nécessaire d'inclure des en-têtes, c'est-à-dire des fichiers qui contiennent les prototypes des fonctions souhaitées. Il existe 24 fichiers d'en-têtes standard.

Exemples

```
#include <assert.h>
#include <math.h>
#include <stdbool.h>
#include <stdlib.h>
#include <stdio.h>
```

#include <string.h>



3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques



Bibliothèque standard Fonctions d'entrée/sortie basiques

Fonctions d'écriture sur le terminal : printf(3)

```
#include <stdio.h>
int printf(const char *format, ...);
La fonction printf permet d'écrire un texte formaté sur la sortie standard. Elle
prend un nombre variable d'arguments qui dépend de la chaîne de format.
```



Chaîne de format

Définition (Chaîne de format)

Une **chaîne de format** est une chaîne de caractères qui contient des séquences de contrôle (commençant par %) permettant d'interpréter le type des arguments et de les insérer correctement dans la chaîne.

Séquences de contrôle

- %d ou %i pour les valeurs de types int;
- %f pour les valeurs de types double;
- %c pour les valeurs de types char;
- %s pour les valeurs de types char *;
- %p pour les valeurs de types void *;
- %% pour afficher le caractère %.

RTFM: printf(3)



Bibliothèque standard

Exemples

Exemple (printf)

```
printf("Ceci est une chaîne sans séquence\n");
$ Ceci est une chaîne sans séquence
printf("%s a %i ans et mesure %f m\n", "Alice", 20, 1.70);
$ Alice a 20 ans et mesure 1.700000 m
char c = 'a';
printf("'%c' a pour code ascii %i\n", c, c);
$ 'a' a pour code ascii 97
```

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

**

Bibliothèque standard

Types de mémoires et allocation

Il existe trois grands types de mémoires en C :

Туре	Où	Quand	Comment
statique	segment	compilation	implicite
automatique	pile (stack)	exécution	implicite
dynamique	tas (heap)	exécution	explicite

Allocation/Libération de la mémoire

Seule la mémoire dynamique a besoin d'une allocation et d'une libération explicite. Ce sont des fonctions de la librairie standard qui s'en chargent.



Bibliothèque standard

Allocation et libération dans le tas



Allocation: malloc(3)

```
#include <stdlib.h>
void *malloc(size_t size);
```

La fonction malloc alloue size octets, et renvoie un pointeur sur la mémoire allouée. La mémoire allouée n'est pas initialisée. En cas d'échec, la fonction renvoie le pointeur NULL.

Libération : free(3)

```
#include <stdlib.h>
void free(void *ptr);
```

La fonction free libère l'espace mémoire pointé par ptr. Si ptr est NULL, aucune opération n'est effectuée.

Exemple d'allocation/libération dans le tas

Exemples

```
int *p = malloc(sizeof(int));
if (p != NULL) {
  *p = 42;
free(p);
p = NULL;
struct date *birthday = malloc(sizeof(struct date));
if (birthday != NULL) {
  do something with(birthday);
}
free(birthday);
birthday = NULL;
```

Bibliothèque standard

Allocation de tableau dynamique



Allocation de tableau dynamique : calloc(3)

```
#include <stdlib.h>
void *calloc(size_t nmemb, size_t size);
La fonction calloc alloue la mémoire nécessaire pour un tableau de nmemb
éléments de size octets, et renvoie un pointeur vers la mémoire allouée.
Équivalent à : malloc(nmemb * size):
```

Exemple

```
char *str = calloc(255, sizeof(char));
if (str != NULL) {
   bla_blah(str);
}
free(str);
str = NULL:
```

Erreurs classiques et règles pour les éviter

- Pointeur NULL : Non vérification de la réussite de malloc. Règle : toujours vérifier la valeur de retour des fonctions!
- Fuite mémoire (*memory leak*) : Pas de libération d'un espace mémoire alloué dynamiquement. Règle : à chaque malloc, un free.
- Pointeur invalide (dangling pointer) : Utilisation d'un pointeur après libération. Règle : affecter NULL au pointeur juste après le free.
- Double libération (*double free*) : Libération d'un pointeur déjà libéré. Règle : idem (c'est un cas particulier de pointeur invalide).

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques

Bibliothèque standard Fonctions sur les chaînes de caractères



Longueur d'une chaîne de caractères : strlen(3)

```
size_t strlen(const char *s);
La fonction strlen calcule la longueur de la chaîne de caractères s, sans compter
le caractère '\0' final.
```

Copie d'une chaîne de caractères : strcpy(3)

```
#include <string.h>
char *strcpy(char *dest, const char *src);
La fonction strcpy copie la chaîne pointée par src, y compris le caractère '\0'
final dans la chaîne pointée par dest.
```

#include <string.h>

#include <stdlib.h>

Conversion depuis une chaîne de caractères



Conversion chaîne de caractères \rightarrow entier : atoi(3)

```
int atoi(const char *nptr);
La fonction atoi convertit le début de la chaîne pointée par nptr en entier de
type int.
```

Exemple

```
int main(int argc, char *argv[]) {
  int n = 0;
  if(argc > 1) {
    n = atoi(argv[1]);
  }
  printf("n = %d\n", n);
  return 0;
}
```

3 Bases du langage C

- Introduction
- Types
- Structures de contrôle
- Fonctions

4 Bibliothèque standard du C

- Généralités
- Entrée/Sortie simple
- Allocation mémoire
- Manipulation de chaînes de caractères
- Fonctions mathématiques



Fonctions mathématiques

Fonctions mathématiques

Bibliothèque standard

Les principales fonctions mathématiques sont définies dans l'en-tête <math.h> (attention, pas de s!). Parmi les fonctions qui prennent un double et qui renvoie un double : cos, sin, tan, acos, asin, atan, sqrt, log, log2, log10, exp, etc. Mais aussi : fmod(double, double), pow(double, double), etc.

Utilisation des fonctions mathématiques

Les fonctions mathématiques sont définies dans la libm, il est donc nécessaire de lier le programme avec l'option -lm.

Troisième partie

Complexité algorithmique

Plan de ce cours

- 5 Complexité algorithmique
 - Définitions
 - Calcul pratique
 - Cas des fonctions récursives

Plan

- 5 Complexité algorithmique
 - Définitions
 - Calcul pratique
 - Cas des fonctions récursives

Opération fondamentale

Définition (Opération fondamentale)

Une opération fondamentale pour un problème est une opération dont le temps d'exécution pour un algorithme résolvant ce problème est proportionnel au nombre de ces opérations.

Exemples (Opérations fondamentales)

- pour la recherche d'un élément dans un tableau, la comparaison entre cet élément et les éléments du tableau
- pour ajouter deux matrices, l'addition

Définition (Nombre d'opérations fondamentale)

Pour un algorithme A, une opération fondamentale o et une instance ω du problème, on définit $\mathcal{N}_o(A,\omega)$ comme le nombre d'opérations o lors de l'exécution de A sur ω . On omettra o et ω si le contexte est clair.



Complexité algorithmique



Définition (Complexité en pire cas)

La complexit'e en pire cas pour un algorithme A sur l'ensemble des instances ω de taille n est définie par :

$$C_{\text{worst}}(n) \stackrel{\text{def}}{=} \max_{|\omega|=n} \{ \mathcal{N}(A, \omega) \}$$

Définition (Complexité en moyenne)

La complexité en moyenne pour un algorithme A sur l'ensemble des instances ω de taille n est définie par :

$$\mathcal{C}_{\mathsf{avg}}(n) \stackrel{\mathsf{def}}{=} rac{\sum_{|\omega|=n} \mathcal{N}(A,\omega)}{\sum_{|\omega|=n} 1}$$



Plan

- 5 Complexité algorithmique
 - Définitions
 - Calcul pratique
 - Cas des fonctions récursives

Comment calculer la complexité?

Pour un algorithme ou un ensemble d'algorithmes qui résolvent le même problème, on va :

- Choisir une opération fondamentale o
- **2** Déterminer ce que représente la taille n d'une instance ω
- lacksquare Compter le nombre $\mathcal N$ d'opérations fondamentales de l'algorithme

Exemple (Nombre d'opérations d'une expression simple)

Dans la suite de cette section, on prend comme opération fondamentale l'addition. Soit l'expression E simple :

$$1 + 2$$

Alors, le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(E) = 1 = O(1)$$



Cas d'une instruction

Soit l'instruction / unique :

instruction

On compte le nombre d'opérations fondamentales autant de fois qu'elle apparaît dans l'instruction :

$$\mathcal{N}(I) = \mathcal{N}(\mathsf{instruction})$$

Exemple (Nombre d'opérations d'une instruction)

Soit l'instruction *I* :

$$x \leftarrow 1 + 2 + 3 + 4$$

Alors, le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(I) = 3 = O(1)$$



Cas d'une séquence d'instructions

```
Soit la séquence S d'instructions : instruction<sub>1</sub> instruction<sub>2</sub> ... instruction<sub>i</sub> ... instruction<sub>k</sub>
```

Le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) = \sum_{i=1}^k \mathcal{N}(\mathsf{instruction}_i)$$

Cas d'une séquence d'instructions

Exemple (Nombre d'opérations d'une séquence)

Soit la séquence S d'instructions :

$$x \leftarrow 3$$

$$y \leftarrow 4 + x$$

$$z \leftarrow 5 + y + x$$

$$d \leftarrow x * x + y * y + z * z$$

Alors, le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) = 0 + 1 + 2 + 2 = 5 = O(1)$$

Cas d'une condition

```
Soit la séquence S d'instructions :

if expression then
séquence
else
séquence
end if
```

Le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) \leq \mathcal{N}(\mathsf{expression}) + \mathsf{max}\{\mathcal{N}(\mathsf{s\'equence}_1), \mathcal{N}(\mathsf{s\'equence}_2)\}$$

Exemple (Nombre d'opérations d'une condition)

Soit la séquence S d'instructions :

if
$$a+b+c < 10$$
 then $b \leftarrow 5$

else

$$c \leftarrow a + b + 2$$

end if

Alors, le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) \le 2 + \max\{0, 2\} = 4 = O(1)$$



Cas d'une boucle Cas d'une boucle while

Cas d'une boucle while

Soit la séquence S d'instructions :

while expression do séquence

end while

Si le nombre de passage dans la boucle est k, le nombre d'opérations fondamentales est:

$$\mathcal{N}(S) = (k+1) * \mathcal{N}(expression) + k * \mathcal{N}(séquence)$$

Attention! Déterminer k peut être difficile. On essaiera alors de déterminer un majorant $k' \geq k$ de sorte que :

$$\mathcal{N}(S) \leq (k'+1) * \mathcal{N}(expression) + k' * \mathcal{N}(séquence)$$



Cas d'une boucle while

Exemple (Nombre d'opérations d'une boucle while (1))

Soit la séquence S d'instructions :

$$a \leftarrow 0$$

while $a < 10$ do
 $a \leftarrow a + 2$
end while

Le nombre de boucle est 5 et le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) \leq 0 + 5 * 1 = 5 = O(1)$$

Cas d'une boucle while

Exemple (Nombre d'opérations d'une boucle while (2))

Soit la séquence S d'instructions :

$$\begin{aligned} x &\leftarrow 1 \\ y &\leftarrow x \\ \text{while } x &< n \text{ do} \\ x &\leftarrow x + x \\ y &\leftarrow y + x \end{aligned}$$

end while

Le nombre de boucle est de $\lfloor \log_2(n) \rfloor$ et le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) \le 0 + \lfloor \log_2(n) \rfloor * 2 = O(\log n)$$

Cas d'une boucle

Cas d'une boucle for

Soit la séquence S d'instructions :

for *i* **from** *a* **to** *b* **do** séquence

end for

Si le nombre de passage dans la boucle est k=b-a+1, le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) = k * \mathcal{N}(\text{séquence})$$

Cas d'une boucle for



Exemple (Nombre d'opérations d'une boucle for (1))

Soit la séquence S d'instructions :

for i from 1 to 4 do

$$x \leftarrow x + i$$

end for

Le nombre de boucle est de 4-1+1=4 et le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) = 4 * 1 = 4 = O(1)$$

Cas d'une boucle

Exemple (Nombre d'opérations d'une boucle for (2))

Soit la séquence S d'instructions :

for i from 1 to n do

$$x \leftarrow x + i + 3$$

end for

Le nombre de boucle est de n-1+1=n et le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) = n * 2 = O(n)$$

Cas d'une boucle for



Exemple (Nombre d'opérations d'une boucle for (3))

Soit la séquence S d'instructions :

for
$$i$$
 from 1 to 4 do
for j from 1 to 3 do
 $x \leftarrow x + j$
end for
end for

Le nombre d'opérations fondamentales de la séquence interne S^\prime est :

$$\mathcal{N}(S') = 3 * 1 = 3$$

Le nombre d'opération fondamentales est :

$$\mathcal{N}(S) = 4 * \mathcal{N}(S') = 4 * 3 = 12 = O(1)$$



Cas d'une fonction non-récursive

Cas d'une fonction non-récursive

Soit la fonction F:

function F(paramètres)

séquence

end function

Le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(F) = \mathcal{N}(\text{séquence})$$

Cas d'une fonction non-récursive

Exemple (Nombre d'opération d'une fonction non-récursive)

Soit la fonction DOUBLE :

function Double(a)

return a + a

end function

Alors, le nombre d'opérations fondamentales est :

$$\mathcal{N}(\text{Double}) = 1 = O(1)$$

Plan

- 5 Complexité algorithmique
 - Définitions
 - Calcul pratique
 - Cas des fonctions récursives

Cas d'une fonction récursive simple

Cas d'une fonction récursive simple

Soit la fonction F: function F(n) if n=0 then $\begin{array}{c} \text{s\'eq}_1 \\ \text{return} \\ \text{end if} \\ \text{s\'eq}_2 \\ F(n-1) \\ \text{s\'eq}_3 \\ \text{end function} \end{array}$

La complexité de F est définie par :

$$\begin{cases} \mathcal{C}(0) = \mathcal{N}(\mathsf{s\acute{e}q}_1) \\ \mathcal{C}(n) = \mathcal{N}(\mathsf{s\acute{e}q}_2) + \mathcal{C}(n-1) + \mathcal{N}(\mathsf{s\acute{e}q}_3) \end{cases}$$

On peut démontrer (par récurrence) que la complexité de F est :

$$\mathcal{C}(n) = \mathcal{N}(\mathsf{s\acute{e}q}_1) + n \times (\mathcal{N}(\mathsf{s\acute{e}q}_2) + \mathcal{N}(\mathsf{s\acute{e}q}_3))$$

Cas d'une fonction récursive simple

Exemple (Complexité de factorielle (1/2))

```
Problème Factorielle  \begin{array}{l} \textbf{Donn\'ees}: n \in \mathbb{N} \\ \textbf{R\'esultat}: n! = 1 \times 2 \times \ldots \times n \\ \\ \textbf{Soit l'algorithme suivant qui r\'esout ce problème}: \\ \textbf{function } \text{Factorielle}(n) \\ \textbf{if } n = 0 \textbf{ then} \\ \textbf{return } 1 \\ \textbf{end if} \\ \textbf{return } n \times \text{Factorielle}(n-1) \\ \textbf{end function} \\ \end{array}
```

Cas d'une fonction récursive simple

Exemple (Complexité de factorielle (2/2))

L'opération fondamentale est ici la multiplication \times . La complexité de cet algorithme est définie par :

$$\begin{cases} \mathcal{C}(0) = 0 \\ \mathcal{C}(n) = 1 + \mathcal{C}(n-1) \end{cases}$$

Donc, la complexité de cet algorithme est :

$$C(n) = n = \Theta(n)$$

Cas général d'une fonction récursive



Cas général d'une fonction récursive

```
Le cas général traite des fonctions récursives de la forme suivante :
```

function F(n)

```
if n=0 then return end if séquence // division F\left(\frac{n}{b}\right) // 1^{\rm er} appel récursif ... F\left(\frac{n}{b}\right) // a^{\rm e} appel récursif séquence // fusion end function
```

avec:

- \blacksquare $a \ge 1$, constante
- \bullet b > 1, constante
- $\mathcal{N}(\text{séquence}) = f(n)$

Alors, la complexité de cet algorithme est défini par :

$$C(n) = a \times C\left(\frac{n}{b}\right) + f(n)$$

Le théorème suivant donne une mesure asymptotique de $\mathcal{C}(n)$.



Théorème Diviser pour régner (Master Theorem)



Théorème (Théorème Diviser pour régner)

Si
$$C(n) = a \times C(\frac{n}{b}) + f(n)$$
 alors:

If $Si\ f(n) = O(n^c)$ avec $c < \log_b a$, alors:

$$\mathcal{C}(n) = \Theta\left(n^{\log_b a}\right)$$

2 Si $f(n) = \Theta\left(n^c \log^k n\right)$ avec $c = \log_b a$, alors:

$$C(n) = \Theta\left(n^c \log^{k+1} n\right)$$

Si $f(n) = \Omega(n^c)$ avec $c > \log_b a$, et $si \exists k < 1, a \times f\left(\frac{n}{b}\right) \le k \times f(n)$ pour n assez grand, alors :

$$C(n) = \Theta(f(n))$$



Théorème Diviser pour régner



Cas où f(n) = O(n)

Théorème (Théorème Diviser pour régner dans le cas où f(n) = O(n))

Si
$$C(n) = a \times C(\frac{n}{b}) + O(n)$$
 alors:

- 1 Si a > b, alors $C(n) = O(n^{\log_b a})$
- 2 Si a = b, alors $C(n) = O(n \log n)$
- $Si \ a < b, \ alors \ \mathcal{C}(n) = O(n)$

Cas d'utilisation

Dans la pratique, c'est cette version du théorème qu'on utilisera le plus souvent. Elle découle immédiatement du théorème dans sa version générale.



Théorème Diviser pour régner



Cas où a=1

Théorème (Théorème Diviser pour régner dans le cas où a=1)

Si
$$C(n) = C(\frac{n}{b}) + f(n)$$
 alors:

$$C(n) = C(1) + \sum_{i=1}^{\log_b n} f(b^i)$$

Cas d'utilisation

C'est l'autre grand cas d'utilisation pratique du théorème général. En particulier, quand f(n) = O(1), alors :

$$C(n) = O(\log n)$$



Exemples classiques

Exemples (Application du théorème Diviser pour régner)

I Si $C(n) = C(\frac{n}{2}) + O(1)$ alors :

$$\mathcal{C}(n) = O(\log n)$$

2 Si $C(n) = 2 \times C(\frac{n}{2}) + O(1)$ alors :

$$C(n) = O(n)$$

3 Si $C(n) = 2 \times C(\frac{n}{2}) + O(n)$ alors :

$$\mathcal{C}(n) = O(n \log n)$$

4 Si $C(n) = 3 \times C(\frac{n}{2}) + O(n)$ alors:

$$C(n) = O(n^{\log_2 3})$$



Quatrième partie

Pointeurs et tableaux

Plan de ce cours

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques

Plan

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques





Définition (Structure de données)

Une **structure de données** est une structure logique destinée à recevoir des données, afin de leur donner une organisation permettant de simplifier leur traitement.

Exemples

- Structures linéaires : tableau, liste
- Structures arborescentes : arbre, graphe

Structures de données



Niveaux de description

- structure mathématique : structure définie mathématiquement, souvent récursivement
- 2 structure abstraite : ensemble d'opérations avec des garanties de complexité (interface) et axiomes pour décrire le comportement de ces opérations
- **structure logique** : représentation logique de la structure, indépendemment d'un langage de programmation, manipulée par un langage algorithmique
- **structure réelle** : implémentation concrète de la structure à l'aide d'un langage de programmation

Plan

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques

Implémentation

Conventions

Dans ce cours, les structures de données seront données en langage C. Toutes les fonctions se rapportant à une structure auront un nom préfixé par le nom de la structure et prendront en *premier paramètre* un pointeur sur la structure appelé self.

Fonctions

Pour une structure nommée foo, on définira obligatoirement :

- void foo_create(struct foo *self);
 initialise une structure vide
- void foo_destroy(struct foo *self);
 libère toutes les ressources interne de la structure

Plan

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques

Définition



Définition (Pointeur)

Quel que soit le type \mathcal{T} , on peut définir un type «**pointeur** sur \mathcal{T} ». Une variable de type «pointeur sur \mathcal{T} » peut contenir l'adresse d'une variable (ou plus généralement d'un objet en mémoire) de type \mathcal{T} .

Remarque

Le type «pointeur sur \mathcal{T} » étant un type comme les autres, il est également possible de définir un type «pointeur sur pointeur sur \mathcal{T} » et ainsi de suite.

Vocabulaire

Si la valeur d'un pointeur p est l'adresse d'une variable a, alors :

- on dit que *p pointe* sur *a*
- la valeur de *a* est appelée le *contenu* de *p*

Représentation générique



Code source

Représentation

Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
p = &a;
```

Déclaration

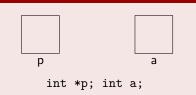
- p est un pointeur sur un entier
- a est un entier

*

Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
p = &a;
```

Représentation générique



Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
  = &a;
```

Représentation générique



2

а

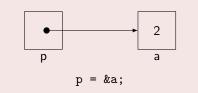
$$a = 2;$$

Représentation Représentation générique

Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
p = &a;
```

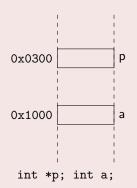
Représentation générique



Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
p = &a;
```

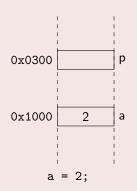
Représentation mémoire



Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
p = &a;
```

Représentation mémoire

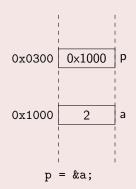


Représentation Représentation mémoire

Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int a;
a = 2;
p = &a;
```

Représentation mémoire



Plan

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques

Définition et représentation



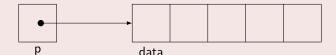
Définition (Tableau)

Quel que soit le type \mathcal{T} , on peut définir un type «tableau de \mathcal{T} ». Une variable de type «tableau de \mathcal{T} » est un pointeur vers le premier élément parmi n qui sont rangés de manière contiguë en mémoire.

Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int data[5];
p = data; // p = &data[0];
```

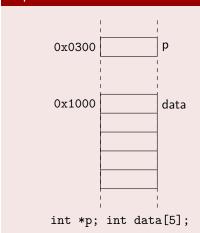
Représentation générique



Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int data[5];
p = data; // p = &data[0];
```

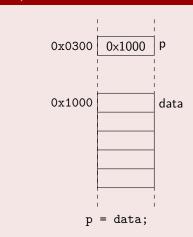
Représentation mémoire



Exemple (Code source en C)

```
int *p;
int data[5];
p = data; // p = &data[0];
```

Représentation mémoire



- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques

Tableaux



Suppositions

On considère ici des tableaux :

- dont la taille n est connue et constante
- indicé à partir de 0 jusqu'à n-1

Opération élémentaire sur les tableaux

accès aléatoire à l'élément d'indice i : data[i]
 Complexité : O(1)



Définition du problème

Problème Recherche d'un élément dans un tableau

Données : un tableau data de taille n et un élément e

Résultat : l'indice de l'élément e dans le tableau data ou n si l'élément n'est pas dans le tableau

Algorithme

```
size_t array_search(const int *data, size_t n, int e) {
  size t i = 0;
  while (i < n && data[i] != e) {
    i++;
 return i;
```

Recherche dans un tableau



Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (\neq) . Plusieurs cas se présentent :

 Pire cas : l'élément n'est pas présent dans le tableau, dans ce cas, on effectue n comparaisons.

$$C_{\text{worst}}(n) = n = O(n)$$

■ En moyenne : l'élément est dans le tableau, il se situe en moyenne à l'indice $\frac{n}{2}$, dans ce cas, on effectue $\frac{n}{2}$ comparaisons.

$$C_{\text{avg}}(n) = \frac{n}{2} = O(n)$$

Recherche dans un tableau trié



Définition du problème

Problème Recherche d'un élément dans un tableau trié

Données : un tableau data de taille n trié par ordre croissant et un élément e

Résultat : l'indice de l'élément e dans le tableau data ou n si l'élément n'est pas dans le tableau

Algorithme de recherche dichotomique

On va utiliser l'algorithme de *recherche dichotomique*. On introduit deux variables *lo* et *hi* qui sont les indices de début et de fin de la recherche, plus précisément l'indice de l'élément *e* se trouve dans l'intervalle [*lo*; *hi*[.



Algorithme de recherche dichotomique

```
size t array binary search(const int *data, size t n,
                             int e, size t lo, size t hi) {
  if (lo == hi) {
   return n;
  size_t = (lo + hi) / 2;
  if (e < data[mid]) {
   return array_binary_search(data, n, e, lo, mid);
  if (data[mid] < e) {
   return array_binary_search(data, n, e, mid + 1, hi);
  }
 return mid;
```



Algorithme général

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (< et =). Pour un tableau de taille n (c'est-à-dire hi - lo = n), on a :

$$C(n) = C\left(\frac{n}{2}\right) + O(1)$$

Grâce au Théorème Diviser pour Régner, on en déduit :

$$\mathcal{C}(n) = O(\log n)$$



Insertion d'un élément dans un tableau

Définition du problème

Problème Insertion d'un élément dans un tableau

Données : un tableau data de taille n occupé par m < n éléments et un élément e à insérer à l'indice $j \in [0,m]$

Résultat : le tableau data avec m+1 éléments et l'élément e à l'indice j II existe plusieurs variantes de ce problème :

- Insertion en fin, c'est-à-dire j=m. Dans ce cas, l'algorithme est trivial et sa complexité est en O(1)
- Insertion sans conservation de l'ordre. Dans ce cas, l'algorithme consiste à placer l'ancien élément d'indice j à l'indice m pour laisser la place à e à l'indice j. La complexité est en O(1).
- Insertion avec conservation de l'ordre. C'est cet algorithme là que nous allons voir.



Insertion d'un élément dans un tableau

Algorithme

```
void array_insert(int *data, size_t m, int e, size_t j) {
  for (size_t i = m; i > j; --i) {
    data[i] = data[i - 1];
  }
  data[j] = e;
}
```

Complexité

L'opération fondamentale est l'affectation (\leftarrow). La complexité de cet algorithme est de m-j affectations. En moyenne, $j=\frac{m}{2}$, donc :

$$C(m) = m - \frac{m}{2} = \frac{m}{2} = O(m)$$



Suppression d'un élément dans un tableau

Définition du problème

Problème Suppression d'un élément dans un tableau

Données : un tableau data de taille n occupé par m < n éléments et un élément à supprimer à l'indice $j \in [0, m]$

Résultat : le tableau data avec m-1 éléments

Il existe plusieurs variantes de ce problème :

- Suppression en fin, c'est-à-dire j = m 1. Dans ce cas, l'algorithme est trivial et sa complexité est en O(1)
- Suppression sans conservation de l'ordre. Dans ce cas, l'algorithme consiste à placer l'élément d'indice m-1 à l'indice j. La complexité est en O(1).
- Suppression avec conservation de l'ordre. C'est cet algorithme là que nous allons voir.

Suppression d'un élément dans un tableau

Algorithme

```
void array_remove(int *data, size_t n, size_t j) {
  for (size_t i = j + 1; i < n; ++i) {
    data[i - 1] = data[i];
  }
}</pre>
```

Complexité

L'opération fondamentale est l'affectation (\leftarrow). La complexité de cet algorithme est de m-j-1 affectations. En moyenne, $j=\frac{m}{2}$, donc :

$$C(m) = m - \frac{m}{2} = \frac{m}{2} = O(m)$$

Plan

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques

Définition (Chaîne de caractères)

Une **chaîne de caractères** est un tableau de caractères dont le dernier élément est le caractère '\0' de code ASCII 0, également appelé NUL.

Supposition

Généralement, on ne connaît pas la taille de la chaîne à l'avance. Tous les algorithmes sur les tableaux s'appliquent également aux chaînes de caractères, en veillant à ce que le dernier caractère soit toujours 0.

Taille d'une chaîne de caractères

Définition du problème

Problème Taille d'une chaîne de caractères

Données : une chaîne de caractères str

Résultat : la taille de la chaîne *str*, c'est-à-dire le nombre de caractères contenus dans la chaîne sans le 0 final

Remarque

La fonction C équivalente est strlen(3)

Taille d'une chaîne de caractères

Algorithme

```
size_t str_length(const char *str) {
  size_t len = 0;
  while (str[len] != '\0') {
    len++;
  }
  return len;
}
```

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (\neq) . La complexité pour une chaîne de taille n est de n comparaisons. Donc :

$$C(n) = n = O(n)$$



Comparaison de chaînes de caractères

Définition du problème

Problème Comparaison de chaînes de caractères

Données : deux chaînes de caractères str_1 et str_2

Résultat : un entier strictement négatif/nul/strictement positif suivant que la chaîne str_1 est inférieure/égale/supérieure à la chaîne str_2 selon l'ordre lexicographique

Remarque

La fonction C équivalente est strcmp(3)

Comparaison de chaînes de caractères

Algorithme

```
int str_compare(const char *str1, const char *str2) {
  size_t i = 0;
  while (str1[i] != '\0' && str2[i] != '\0') {
    if (str1[i] != str2[i]) {
      return str1[i] - str2[i];
   i++:
 return str1[i] - str2[i];
```

Comparaison de chaînes de caractères

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (\neq) . La complexité pour une chaîne str_1 de taille n_1 et une chaîne str_2 de taille n_2 est :

■ Pire cas : les chaînes sont presque égales, sauf le dernier caractère (par exemple : «aaaa» et «aaab»), on fait $\min(n_1, n_2)$ comparaisons.

$$C_{\mathsf{worst}}(n_1, n_2) = \min(n_1, n_2) = O(\min(n_1, n_2))$$

■ En moyenne : on échoue à la première lettre, et on fait une seule comparaison.

$$\mathcal{C}_{\mathsf{avg}}(\mathit{n}_1,\mathit{n}_2) = 1 = \mathit{O}(1)$$



Recherche d'une sous-chaîne



Définition du problème

Problème Recherche d'une sous-chaîne

Données : une chaîne de caractères *haystack* dans laquelle on va chercher et une chaîne de caractère *needle* que l'on va chercher

Résultat : un pointeur sur le début de la sous-chaîne *needle* dans la chaîne de caractères *haystack* ou *NULL* en cas d'échec

Remarque

La fonction C équivalente est strstr(3)

Recherche d'une sous-chaîne

Algorithme

```
const char *str search(const char *h, const char *n) {
  size t i = 0;
 while (h[i] != '\0') {
    size t j = 0;
    while (n[j] \&\& h[i + j] \&\& n[j] == h[i + j]) {
      j++;
    if (n[j] == '\0') {
      return h + i;
    i++;
 return NULL;
```

Recherche d'une sous-chaîne



Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (=). La complexité pour une chaîne haystack de taille n et une chaîne needle de taille m est :

■ Pire cas : on échoue à la dernière lettre de *needle* à chaque fois (par exemple, si on cherche la chaîne «aaaab» dans la chaîne «aaaaaaaab»), on fait alors $n \times m$ comparaisons.

$$C_{\mathsf{worst}}(n,m) = nm = O(nm)$$

■ En moyenne : on échoue à la première lettre de *needle* jusqu'à trouver la chaîne (en moyenne au milieu de la chaîne *haystack*), alors on fait $\frac{n}{2} + m$ comparaisons.

$$C_{\text{avg}}(n,m) = \frac{n}{2} + m = O(n+m)$$



Plan

- 6 Structures de données
 - Introduction
 - Implémentation
- 7 Pointeurs et tableaux
 - Pointeurs
 - Tableaux
- 8 Algorithmes sur les tableaux
 - Algorithmes sur les tableaux de taille fixe
 - Algorithmes sur les chaînes de caractères
 - Tableaux dynamiques



Définition

Un tableau dynamique est un tableau dont la taille varie suivant les besoins. On le représente par une structure de donnée comprenant trois champs :

```
struct array {
  int *data;
               // tableau
  size_t capacity; // nombre d'éléments maximum du tableau
  size_t size; // nombre d'éléments du tableaux
};
```

Usage

Les tableaux dynamiques permettent d'abstraire la gestion de la mémoire des tableaux dans des fonctions. Ils font partie de la bibliothèque standard de nombreux langages... mais pas le C.



Définition du problème

Problème Insertion en fin d'un tableau dynamique

Données : un tableau dynamique self et un élément e à insérer

Résultat : le tableau dynamique self avec un élément e en plus à la fin

Remarque importante

Contrairement à l'insertion dans un tableau de taille fixe, il est toujours possible d'insérer un élément dans un tableau dynamique puisqu'au besoin, celui-ci peut grossir. La seule question intéressante est de savoir comment grossir.

Algorithme naïf

```
void array add(struct array *self, int e) {
  if (self->size == self->capacity) {
    self->capacity += 1;
    int *data = calloc(self->capacity, sizeof(int));
   memcpy(data, self->data, self->size * sizeof(int));
   free(self->data);
    self->data = data:
 }
  self->data[self->size] = e;
  self->size += 1;
```



Définition (Coût amorti)

On appelle **coût amorti** le coût moyen d'un algorithme sur un grand nombre d'appels successifs à l'algorithme. On utilise le coût amorti quand un algorithme se comporte bien dans la plupart des cas et mal dans quelques cas particuliers.

Complexité

L'opération fondamentale est l'affectation (\leftarrow). Dans ce cas, en admettant que la capacité originale soit de 1, à chaque insertion, on fait un appel à memcpy (qui est en O(size)), donc au bout de n appels, on a fait : $1+2+3+\ldots+n$ copies d'éléments du tableaux et n ajout de e d'où un coût total en $O(n^2)$. Si on divise par le nombre d'appels, le coût amorti d'une insertion est :

$$\mathcal{C}_{\mathsf{amort}}(n) = O(n)$$





Algorithme

```
void array add(struct array *self, int e) {
  if (self->size == self->capacity) {
    self->capacity *= A;
    int *data = calloc(self->capacity, sizeof(int));
    memcpy(data, self->data, self->size * sizeof(int));
    free(self->data);
    self->data = data;
  self->data[self->size] = e:
  self->size += 1;
}
où A est une constante avec A > 1 (généralement A = 2)
```



Complexité

Dans ce cas, en admettant que la capacité originale soit de 1, quand on augmente la taille, on la multiplie par A. Donc, au bout de n appels avec $A^k \le n < A^{k+1}$, on a fait k augmentation de taille, qui représente au total :

 $1+A+A^2+A^3+\ldots+A^k=\frac{1-A^{k+1}}{1-A}=O(A^k)$ copies d'éléments du tableaux et n ajout de e. Or, $k=\lfloor\log_A n\rfloor$, donc $O(A^k)=O(n)$, donc, pour n éléments insérés, on fait au total O(n)+n copies. Et donc, le coût amorti d'une insertion est :

$$C_{\mathsf{amort}}(n) = O(1)$$

Remarques

- Cette stratégie d'allocation s'appelle une *expansion géométrique*.
- L'espace non-utilisé est au maximum de (A-1)n éléments de sorte qu'on peut choisir A proche de 1 pour minimiser l'espace non-utilisé.
- On peut aussi réduire la taille du tableau si l'occupation descend en dessous d'un certain seuil. Il faut alors choisir ce seuil inférieur à ¹/_A pour éviter d'avoir des allocations et désallocations successives.

Cinquième partie

Listes chaînées

Plan de ce cours

- 9 Listes chaînées
 - Définitions
 - Algorithmes sur les listes
 - Résumé

- 10 Pile et File
 - Pile
 - File
 - File à double entrée

Plan

- 9 Listes chaînées
 - Définitions
 - Algorithmes sur les listes
 - Résumé

- 10 Pile et File
 - Pile
 - File
 - File à double entrée





Liste
Définition

Définition (Liste)

Une liste est:

- soit la liste vide, noté Ø
- soit un couple $\langle e, I \rangle$ où e est un élément et I est une liste

Remarque

Une liste est un objet mathématique récursif

Exemple (Listes)

- \blacksquare \varnothing est une liste, donc $\langle 3, \varnothing \rangle$ est une liste, donc $\langle 2, \langle 3, \varnothing \rangle \rangle$ est une liste
- \blacksquare $\langle 2,3 \rangle$ n'est pas une liste



Opérations élémentaires

■ constructeur, noté cons, définie par :

$$cons(e, I) = \langle e, I \rangle$$

■ test du vide, noté empty, qui est définie par :

$$empty(I) = (I \stackrel{?}{=} \varnothing)$$

■ accès au premier élément, noté head, définie par :

$$head(\langle e, I \rangle) = e$$

■ accès au reste de la liste, noté tail, définie par :

$$ail(\langle e,I \rangle) = I$$





Définition

Liste chaînée

Définition (Liste chaînée)

Une **liste chaînée** (*linked list*) est l'implémentation d'une liste. Elle est constituée de maillons ou nœuds (*node*) On distingue :

- les listes simplement chaînées, dans lesquelles chaque maillon est relié à son suivant
- les listes doublement chaînées, dans lesquelles chaque maillon est relié à son suivant et à son précédent

Remarque

La plupart des algorithmes sont valables pour les deux types de listes. Certains algorithmes sont plus efficaces avec des listes doublement chaînées, au prix d'une gestion de la liste plus difficile de manière générale.



Liste chaînée

Représentation et implémentation

Représentation



Implémentation

```
struct list {
  int data;
  struct list *next;
};
```

Plan

- 9 Listes chaînées
 - Définitions
 - Algorithmes sur les listes
 - Résumé

- 10 Pile et File
 - Pile
 - File
 - File à double entrée

Taille d'une liste



Définition du problème

Problème Taille d'une liste

Données : une liste /

Résultat : la taille de la liste, c'est-à-dire le nombre d'éléments contenus

dans la liste

Taille d'une liste (récursif)

Algorithme récursif

```
size_t list_size(const struct list *node) {
  if (node == NULL) {
    return 0;
  }
  return 1 + list_size(node->next);
}
```

Complexité

L'opération fondamentale est l'addition (+). La complexité pour une liste de taille n est définie par :

$$\mathcal{C}(0) = 0, \ \mathcal{C}(n) = 1 + \mathcal{C}(n-1)$$

Donc, la complexité de cet algorithme est :

$$C(n) = n = O(n)$$



Taille d'une liste (itératif)

Algorithme itératif

```
size_t list_size(const struct list *node) {
    size_t size = 0;
    while (node != NULL) {
        ++size;
        node = node->next;
    }
    return size;
}
```

Complexité

L'opération fondamentale est l'addition (+). On fait une incrémentation par nœud. La complexité pour une liste de taille n est :

$$C(n) = n = O(n)$$



Accès au je élément d'une liste



Définition du problème

Problème Accès au je élément d'une liste

Données : une liste I de taille $n \ge 1$ et un indice j, avec j < n

Résultat : la valeur de l'élément situé à l'indice j dans la liste



Accès au *j*e élément d'une liste (récursif)

Algorithme récursif

```
int list_access(const struct list *node, size_t j) {
  assert(node != NULL);
  if (j == 0) {
    return node->data;
  }
  return list_access(node->next, j - 1);
}
```

Complexité

L'opération fondamentale est l'appel à ->next. La complexité de cet algorithme est de j appels. Donc, en moyenne, si on accède à l'élément d'indice $\frac{n}{2}$, la complexité est :

$$C(n) = \frac{n}{2} = O(n)$$



Algorithme itératif

```
int list_access(const struct list *node, size_t j) {
  const struct list *curr = node;
  for (size_t i = 0; i < j; ++i) {
    curr = curr->next;
  }
  return curr->data;
}
```

Complexité

L'opération fondamentale est l'appel à ->next. La complexité de cet algorithme est de j appels. Donc, en moyenne, si on accède à l'élément d'indice $\frac{n}{2}$, la complexité est :

$$C(n) = \frac{n}{2} = O(n)$$



Recherche d'un élément dans une liste



Définition du problème

Problème Recherche d'un élément dans une liste

Données : une liste / de taille n et un élément e

Résultat : l'indice de l'élément e dans la liste l ou n si l'élément n'est pas dans la liste

Variantes

Il existe plusieurs variantes de cette fonction, suivant ce qu'on souhaite faire de l'élément recherché :

- on peut renvoyer un booléen qui indique si l'élément e est dans la liste l
- on peut renvoyer la sous-liste dont le premier élément est l'élément e recherché, ou Ø si l'élément n'est pas dans la liste /

Algorithme récursif

```
size_t list_search(const struct list *node, int e) {
  if (node == NULL) {
    return 0;
  }
  if (node->data == e) {
    return 0;
  }
  return 1 + list_search(node->next, e);
}
```

Recherche d'un élément dans une liste (itératif)

Algorithme itératif

```
size_t list_search(const struct list *node, int e) {
   size_t index = 0;
   struct list *curr = node;
   while (curr != NULL && curr->data != e) {
      curr = curr->next;
      ++index;
   }
   return index;
}
```

Recherche d'un élément dans une liste



Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (=). Plusieurs cas se présentent :

Pire cas : l'élément n'est pas présent dans la liste, dans ce cas, on effectue n comparaisons.

$$C_{\text{worst}}(n) = n = O(n)$$

■ En moyenne : l'élément est dans la liste, il se situe en moyenne à l'indice $\frac{n}{2}$, dans ce cas, on effectue $\frac{n}{2}$ comparaisons.

$$C_{\text{avg}}(n) = \frac{n}{2} = O(n)$$



Définition du problème

Problème Insertion d'un élément après l'élément courant

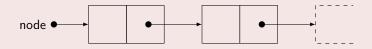
Données : une liste I de taille $n \ge 1$ et un élément e

Résultat : la liste l de taille n+1 avec l'élément e placé après l'élément

courant



```
void list insert after(struct list *node, int e) {
  struct list *other = malloc(sizeof(struct list));
  other->data = e;
  other->next = node->next;
 node->next = other;
```



```
void list insert after(struct list *node, int e) {
  struct list *other = malloc(sizeof(struct list));
  other->data = e;
  other->next = node->next;
 node->next = other;
}
               other •
      node •
```

```
void list insert after(struct list *node, int e) {
  struct list *other = malloc(sizeof(struct list));
  other->data = e;
  other->next = node->next;
 node->next = other;
}
              other •
      node •
```

```
void list insert after(struct list *node, int e) {
  struct list *other = malloc(sizeof(struct list));
  other->data = e;
  other->next = node->next;
 node->next = other;
}
               other •
      node •
```

```
void list insert after(struct list *node, int e) {
  struct list *other = malloc(sizeof(struct list));
  other->data = e;
  other->next = node->next;
 node->next = other;
               other •
      node •
```



Définition du problème

Problème Suppression d'un élément après l'élément courant

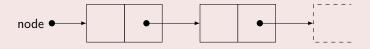
Données : une liste I de taille $n \ge 2$

Résultat : la liste l avec n-1 éléments

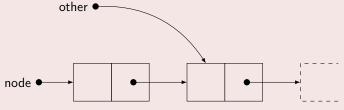




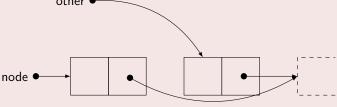
```
void list_remove_after(struct list *node) {
  struct list *other = node->next;
  node->next = other->next;
  free(other);
```



```
void list remove after(struct list *node) {
  struct list *other = node->next;
 node->next = other->next;
 free(other);
}
```



```
void list remove after(struct list *node) {
  struct list *other = node->next;
 node->next = other->next;
 free(other);
}
               other (
```



```
void list_remove_after(struct list *node) {
  struct list *other = node->next;
  node->next = other->next;
  free(other);
}
```



Insertion d'un élément en fin de liste



Définition du problème

Problème Insertion d'un élément en fin de liste

Données : une liste / de taille n et un élément e

Résultat : la liste l de taille n+1 avec l'élément e en dernière position

Remarque

Pour une liste doublement chaînée, cette opération est en temps constant. Nous allons voir un algorithme pour les listes simplement chaînées.

Algorithme récursif

```
struct list *list_insert_back(struct list *node, int e) {
  if (node == NULL) {
    struct list *last = malloc(sizeof(struct list));
    last->data = e;
    last->next = NULL;
    return last;
  }
  node->next = list_insert_back(node->next, e);
  return node;
}
```

Insertion d'un élément en fin de liste (itératif)

Algorithme iteratif

```
struct list *list insert back(struct list *node, int e) {
  struct list *curr = node;
 while (curr != NULL && curr->next != NULL) {
    curr = curr->next:
  }
  struct list *last = malloc(sizeof(struct list));
  last->data = e;
  last->next = NULL;
  if (curr == NULL) {
    return last;
  }
  curr->next = last;
 return node;
```

Insertion d'un élément en fin de liste



Complexité

L'opération fondamentale est l'appel à -next. La complexité pour une liste l de taille n est :

$$C(n) = O(n)$$



Suppression d'un élément en fin de liste



Définition du problème

Problème Suppression d'un élément en fin de liste

Données : une liste I de taille $n \ge 1$

Résultat : la liste l avec n-1 éléments

Remarque

Pour une liste doublement chaînée, cette opération est en temps constant. Nous allons voir un algorithme pour les listes simplement chaînées.

Suppression d'un élément en fin de liste (récursif)

Algorithme récursif

```
struct list *list_remove_back(struct list *node) {
  if (node->next == NULL) {
    free(node);
    return NULL;
  }
  node->next = list_remove_back(node->next);
  return node;
}
```

Suppression d'un élément en fin de liste (itératif)

Algorithme itératif

```
struct list *list_remove_back(struct list *node) {
  struct list *curr = node;
  struct list *prev = NULL;
  assert(curr);
  while (curr->next != NULL) {
    prev = curr;
    curr = curr->next;
 free(curr);
  if (prev == NULL) {
    return NULL;
  }
 prev->next = NULL;
 return node;
```

Suppression d'un élément en fin de liste



Complexité

L'opération fondamentale est l'appel à \neg next. La complexité pour une liste I de taille n est :

$$C(n) = O(n)$$



Plan

9 Listes chaînées

- Définitions
- Algorithmes sur les listes
- Résumé

- Pile
- File
- File à double entrée

Résumé des complexités



Résumé des complexités

	Tableaux	Listes	Listes
Opération	dynamiques	simplement	doublement
		chaînées	chaînées
Accès au ie élément	O(1)	O(n)	O(n)
Accès au premier élément	O(1)	O(1)	O(1)
Accès au dernier élément	O(1)	<i>O</i> (<i>n</i>)	O(1)
Recherche	O(n)	O(n)	O(n)
Recherche dans trié	$O(\log n)$	<i>O</i> (<i>n</i>)	<i>O</i> (<i>n</i>)
Insertion en début	O(n)	O(1)	O(1)
Insertion en fin	O(1) amorti	<i>O</i> (<i>n</i>)	O(1)
Suppression en début	O(n)	O(1)	O(1)
Suppression en fin	O(1)	O(n)	O(1)

Plan

- Définitions
- Algorithmes sur les listes
- Résumé

10 Pile et File

- Pile
- File
- File à double entrée



Définition (Pile)

Une **pile** (stack) est une structure de données dans laquelle on peut stocker des éléments en mode LIFO (Last In, First Out), c'est-à-dire «dernier arrivé, premier sorti». On peut comparer le fonctionnement à une pile d'assiette.

Pile

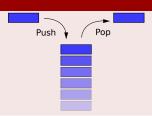
Opérations élémentaires



Opérations élémentaires

- ajout d'un élément sur la pile, noté push
- retrait de l'élément sur la pile, noté pop
- accès à l'élément sur la pile, noté peek
- test du vide de la pile, noté empty

LIFO









Implémentations d'une pile

On peut implémenter une pile de deux manières :

- en utilisant un tableau dynamique
- en utilisant une liste (simplement chaînée)

Opération	Tableau	Liste
push	O(1)	O(1)
pop	O(1)	O(1)
peek	O(1)	O(1)
empty	O(1)	0(1)

Plan

- 9 Listes chaînées
 - Définitions
 - Algorithmes sur les listes
 - Résumé

- 10 Pile et File
 - Pile
 - File
 - File à double entrée



Définition (File)

Une **file** (queue) est une structure de données dans laquelle on peut stocker des éléments en mode FIFO (First In, First Out), c'est-à-dire «premier arrivé, premier sorti». On peut comparer le fonctionnement à une file d'attente.

Variantes

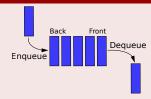
■ File bornée : file avec un nombre d'élément maximum

Opérations élémentaire

Opérations élémentaires

- ajout d'un élément en fin de file, noté enqueue
- retrait de l'élément en début de file, noté dequeue
- accès à l'élément en début de file, noté peek
- test du vide de la file, noté empty

FIFO







Implémentations d'une file

On peut implémenter une file de deux manières

- une liste doublement chaînée
- un tableau dynamique modifié pour fonctionner comme un tampon circulaire (circular buffer)

Opération	Liste	Tableau
enqueue	O(1)	O(1)
dequeue	O(1)	O(1)
peek	O(1)	O(1)
empty	O(1)	O(1)

Plan

- 9 Listes chaînées
 - Définitions
 - Algorithmes sur les listes
 - Résumé

- 10 Pile et File
 - Pile
 - File
 - File à double entrée



File à double entrée

Définition (File à double entrée)

Une **file à double entrée** (double-ended queue ou deque) est une structure de données dans laquelle on peut ajouter ou supprimer des éléments à la fois au début et à la fin.

Remarque

Une file à double entrée est une généralisation d'une pile et d'une file.

File à double entrée

Opérations élémentaires

Opérations élémentaires

- ajout d'un élément en début de file, noté push
- ajout d'un élément en fin de file, noté inject
- retrait d'un élément en début de file, noté pop
- retrait d'un élément en fin de file, noté eject
- accès à l'élément en début de file, noté front
- accès à l'élément en fin de file, noté back
- test du vide de la file, noté empty



Implémentations

File à double entrée

Implémentations

On peut implémenter une file à double entrée de deux manières :

- une liste doublement chaînée
- un tableau dynamique modifié pour fonctionner comme un tampon circulaire (circular buffer)

Sixième partie

Algorithmes de tri

Plan de ce cours

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

13 Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

13 Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse



Problème du tri par comparaisons



Problème du tri par comparaisons

Problème Tri par comparaisons d'un tableau

Données : Un tableau t de taille n

Résultat : le tableau t trié par ordre croissant de ses éléments

Remarque

Les éléments du tableau peuvent être de n'importe quel type, pourvu qu'on puisse les comparer les uns avec les autres. La comparaison de ces éléments peut éventuellement être une opération coûteuse (exemple : chaîne de caractères).

Problème du tri par comparaisons



Opérations fondamentales

Les deux opérations fondamentales que l'on va considérer ici sont :

- la comparaison
- l'affectation (ou l'échange)

Algorithme d'échange

```
void array_swap(int *data, size_t i, size_t j) {
  int tmp = data[i];
  data[i] = data[j];
  data[j] = tmp;
}
```

Borne inférieure de la complexité



Théorème (Borne inférieure de la complexité)

La complexité algorithmique en moyenne et en pire cas d'un algorithme de tri par comparaisons est au moins $O(n \log n)$. Les tris qui demandent $O(n \log n)$ opérations en moyenne sont dits optimaux.

Remarque

Il existe des algorithmes optimaux de complexité $O(n \log n)$ en moyenne.

Théorème (Borne inférieur du nombre de comparaison)

Le nombre de comparaisons d'un algorithme de tri par comparaison est au moins de $\lceil \log_2(n!) \rceil$.



Propriétés des tris

Tri stable

Définition (Tri stable)

On dit qu'un tri est stable s'il conserve l'ordre relatif des éléments égaux.

Exemple

Pour l'ensemble de paires suivantes qu'on trie par le premier élément de la paire :

un algorithme de tri stable donnera toujours le résultat suivant :

et jamais le résultat suivant :





Tri en place

Définition (Tri en place)

Propriétés des tris

On dit qu'un tri est *en place* ou *sur place* s'il modifie directement la structure de données à trier. Autrement dit, pour n éléments, la complexité en mémoire est en O(1).

**

Cas d'un tableau déjà trié

Problématique

Cas d'un tableau déjà trié

Si un tableau est déjà trié, alors il n'est pas nécessaire d'appliquer un algorithme pour le trier.

- Comment faire pour savoir si un tableau est déjà trié?
- Est-ce efficace de vérifier qu'un tableau est déjà trié?

On s'intéresse donc au problème suivant :

Problème Tabeau trié

Données : Un tableau t de taille n

Question : Le tableau t est-il trié par ordre croissant?





Algorithme

Cas d'un tableau déjà trié

Algorithme

```
bool array_is_sorted(int *data, size_t n) {
  for (size_t i = 1; i < n; ++i) {
    if (data[i - 1] > data[i]) {
      return false;
    }
  }
  return true;
}
```

Cas d'un tableau déjà trié

Complexité

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (>). Plusieurs cas se présentent :

■ Pire cas : quand le tableau est trié, on fait n-1 comparaisons.

$$C_{\mathsf{worst}}(n) = n - 1 = O(n)$$

En moyenne : le tableau n'est pas trié et on va échouer dès les premiers éléments.

$$C_{\text{avg}}(n) = O(1)$$





Conclusion

Conclusion

- Si un tableau est déjà trié, appeler array_is_sorted va coûter O(n) mais alors, on a fini.
- Si un tableau n'est pas trié, appeler array_is_sorted va coûter en moyenne O(1) (et au pire O(n)) et on va le trier en $O(n \log n)$ au mieux donc la complexité globale sera au mieux de $O(n \log n)$
- → Donc, on peut toujours vérifier qu'un tableau est déjà trié avant de le trier sans pénalité sur la complexité globale (et avec un gain dans le cas où il est effectivement trié).

Cas des listes chaînées



Cas des listes chaînées

Certains algorithmes s'adaptent bien aux listes chaînées et ont la même complexité. D'autres algorithmes s'adaptent mais ont une complexité supérieure, ou ne s'adapte pas du tout aux listes chaînées.

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse





Principe

Tri par sélection

Principe

Le *tri par sélection* consiste à rechercher le plus petit élément du tableau et à le placer en première position puis de réitérer avec le sous-tableau commençant à la deuxième position. Et ainsi de suite.

Tri par sélection

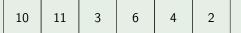
Algorithme

```
void array_selection_sort(int *data, size_t n) {
  for (size_t i = 0; i < n - 1; ++i) {
    size_t j = i;
    for (size_t k = j + 1; k < n; ++k) {
        if (data[k] < data[j]) {
            j = k;
        }
    }
    array_swap(data, i, j);
}</pre>
```

Exemple

$$i = 0$$

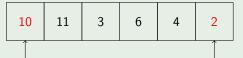
Tri par sélection





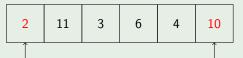
Tri par sélection

$$i=0$$
 $j=5$



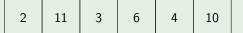
Tri par sélection

$$i=0$$
 $j=5$

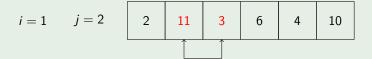


Tri par sélection Exemple

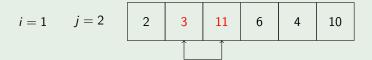
$$i = 1$$



Tri par sélection Exemple



Tri par sélection



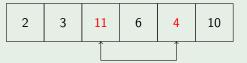
Tri par sélection Exemple

$$i = 2$$



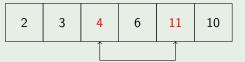
Tri par sélection

$$i = 2$$
 $j = 4$



Tri par sélection

$$i = 2$$
 $j = 4$



Tri par sélection Exemple

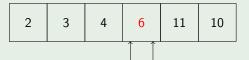
$$i = 3$$



Tri par sélection

Exemple

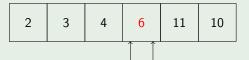
$$i = 3$$
 $j = 3$



Tri par sélection

Exemple

$$i = 3$$
 $j = 3$



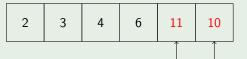
Tri par sélection Exemple

$$i = 4$$



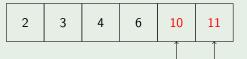
Tri par sélection

$$i = 4$$
 $j = 5$



Tri par sélection

$$i = 4$$
 $j = 5$



Tri par sélection





Complexité en nombre de comparaisons

Remarque préliminaire

Tri par sélection

Pour un tableau de taille n, cet algorithme effectue le même nombre de comparaisons, quelle que soit la valeur des éléments du tableau. Donc la complexité en moyenne et en pire cas sont les mêmes.

$$C_{\mathsf{worst}}(n) = C_{\mathsf{avg}}(n) = C(n)$$





Complexité en nombre de comparaisons

Tri par sélection

Complexité en nombre de comparaisons

L'algorithme effectue une comparaison pour chaque valeur de k dans la boucle interne. Cela représente (n-1)-(i+1)+1=n-(i+1) comparaisons dans la boucle interne. Il y a un appel à la boucle interne pour chaque valeur de i:

$$C(n) = \sum_{i=0}^{n-2} n - (i+1)$$

Avec un changement de variable j = n - (i + 1), on obtient :

$$C(n) = \sum_{i=1}^{n-1} j = \frac{n(n-1)}{2} = \Theta(n^2)$$



Tri par sélection

Complexité en nombre d'échanges



Complexité en nombre d'échanges

Pour un tableau de taille n, cet algorithme effectue le même nombre d'échanges, quelle que soit la valeur des éléments du tableau. Donc la complexité en moyenne et en pire cas sont les mêmes.

$$C_{\mathsf{worst}}(n) = C_{\mathsf{avg}}(n) = C(n)$$

L'algorithme effectue un échange par valeur de i:

$$\mathcal{C}(n) = n - 1 = \Theta(n)$$



Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques

14 Tri par dénombrement

- Présentation
- Analyse



Tri à bulles



Principe

Le tri à bulles consiste à faire remonter les éléments les plus légers (c'est-à-dire les plus petits) au début du tableau.

On parcourt le tableau à l'envers et on échange deux éléments consécutifs chaque fois qu'ils ne sont pas dans le bon ordre. À la fin du premier passage, le plus petit élément se retrouve en première position. On réitère en s'arrêtant à la deuxième case. Et ainsi de suite.

Tri à bulles

TRI À BULLES



WWW.LUC-DAMAS.FR

Algorithme

Tri à bulles

Algorithme

```
void array_bubble_sort(int *data, size_t n) {
  for (size_t i = 0; i < n - 1; ++i) {
    for (size_t j = n - 1; j > i; --j) {
      if (data[j] < data[j - 1]) {
        array_swap(data, j, j - 1);
      }
    }
}</pre>
```

Tri à bulles

$$i = 0$$

Tri à bulles

$$i = 0$$

Tri à bulles

$$i = 0$$

10	11	3	6	2	4
----	----	---	---	---	---

Tri à bulles

$$i = 0$$

10 11	3	2	6	4	
-------	---	---	---	---	--

Tri à bulles

$$i = 0$$

Tri à bulles

$$i = 0$$

10	2	11	3	6	4
----	---	----	---	---	---

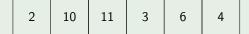
Tri à bulles

$$i = 0$$











Tri à bulles

$$i=1$$
 2 10 11 3 6 4

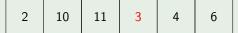
Tri à bulles

$$i=1$$
 2



Tri à bulles

$$i = 1$$



Tri à bulles

Exemple

$$i=1$$
 2 10 3



11

4

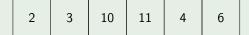
6

Tri à bulles

$$i = 1$$



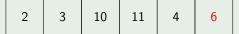
Tri à bulles





Tri à bulles

$$i = 2$$



Tri à bulles

$$i = 2$$

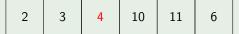


Tri à bulles

$$i = 2$$

Tri à bulles

$$i = 2$$

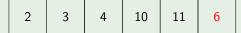


Tri à bulles



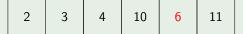
Tri à bulles

$$i = 3$$



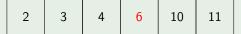
Tri à bulles

$$i = 3$$



Tri à bulles

$$i = 3$$



Tri à bulles



Tri à bulles

$$i = 4$$



Tri à bulles

$$i = 4$$



Tri à bulles





Complexité en nombre de comparaisons

Remarque préliminaire

Tri à bulles

Pour un tableau de taille n, cet algorithme effectue le même nombre de comparaisons, quelle que soit la valeur des éléments du tableau. Donc la complexité en moyenne et en pire cas sont les mêmes.

$$C_{\mathsf{worst}}(n) = C_{\mathsf{avg}}(n) = C(n)$$

Tri à bulles



Complexité en nombre de comparaisons

Tri à bulles

Complexité en nombre de comparaisons

L'algorithme effectue une comparaison pour chaque valeur de i dans la boucle interne. Cela représente (n-1)-(i+1)+1=n-(i+1) comparaisons dans la boucle interne. Il y a un appel à la boucle interne pour chaque valeur de i:

$$C(n) = \sum_{i=0}^{n-2} n - (i+1)$$

Avec un changement de variable k = n - (i + 1), on obtient :

$$C(n) = \sum_{k=1}^{n-1} k = \frac{n(n-1)}{2} = \Theta(n^2)$$



Tri à bulles

Complexité en nombre d'échanges

Remarque préliminaire

Contrairement au cas précédent, le nombre d'échanges lors de l'exécution de l'algorithme du tri à bulles dépend des éléments contenus dans le tableau. On analyse donc la complexité en pire cas et la complexité en moyenne séparément.

Complexité en pire cas

Dans le pire cas, il y a un échange à chaque tour de boucle, c'est-à-dire que la condition est toujours vraie. Ce cas est obtenu quand le tableau est trié dans l'ordre décroissant. On a alors :

$$C_{\mathsf{worst}}(n) = \Theta(n^2)$$





Complexité en nombre d'échanges

Tri à bulles

Complexité en moyenne

Intuitivement, sur l'ensemble des tableaux possibles, la comparaison va être vraie une fois sur deux. En effet, si on considère deux éléments quelconques, ils vont être dans le bon ordre dans la moitié des tableaux (et donc ils ne seront pas échangés) et dans le mauvais ordre dans l'autre moitié des tableaux (et donc ils seront échangés une seule fois).

$$C_{\text{avg}}(n) = \Theta(n^2)$$

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

13 Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques

14 Tri par dénombrement

- Présentation
- Analyse





Principe

Le *tri par insertion* consiste à insérer au fur et à mesure les éléments dans la partie du tableau qui est déjà triée. C'est le tri utilisé par les joueurs de cartes.

Algorithme

```
void array_insertion_sort(int *data, size_t n) {
  for (size_t i = 1; i < n; ++i) {
    int x = data[i];
    size_t j = i;
    while (j > 0 && data[j - 1] > x) {
      data[j] = data[j - 1];
      j--;
    }
    data[j] = x;
}
```

$$i = 1$$
 $x = 11$

10 11	3	6	4	2
-------	---	---	---	---

$$i = 1$$
 $x = 11$

10 11	3	6	4	2
-------	---	---	---	---

$$i = 1$$
 $x = 11$

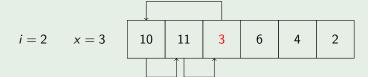
10 11	3	6	4	2
-------	---	---	---	---

Exemple

$$i = 2$$
 $x = 3$

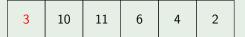
10	11	3	6	4	2	
----	----	---	---	---	---	--

Exemple



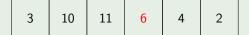
Tri par insertion

$$i = 2$$
 $x = 3$

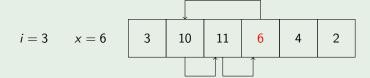


Exemple

$$i = 3$$
 $x = 6$



Exemple



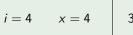
Exemple

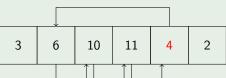
$$i = 3$$
 $x = 6$

Exemple

$$i = 4$$
 $x = 4$

Exemple





Tri par insertion

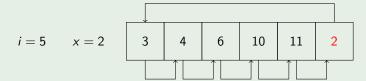
$$i = 4$$
 $x = 4$

Exemple

$$i = 5$$
 $x = 2$



Exemple



Exemple

$$i = 5$$
 $x = 2$

Tri par insertion





Tri par insertion Complexité en nombre de comparaisons

Remarque préliminaire

Contrairement aux cas précédents, le nombre de comparaisons lors de l'exécution de l'algorithme du tri par insertion dépend des éléments contenus dans le tableau. On analyse donc la complexité en pire cas et la complexité en moyenne séparément.



Complexité en nombre de comparaisons

Complexité en pire cas

Le pire cas est obtenu quand le tableau est trié dans l'ordre décroissant. On a alors :

$$C_{\text{worst}}(n) = \Theta(n^2)$$

Complexité en moyenne

Par un raisonnement analogue au calcul de la complexité en moyenne pour le nombre d'affectations du tri à bulles, on obtient :

$$C_{\text{avg}}(n) = \Theta(n^2)$$



Complexité nombre d'affectations

Complexité en nombre d'affectations

Pour chaque valeur de i, le nombre d'affectations diffère au plus de 1 par rapport au nombre de comparaisons, d'où :

$$C_{\text{worst}}(n) = \Theta(n^2)$$

 $C_{\text{avg}}(n) = \Theta(n^2)$

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle
- 13 Tri optimaux
 - Tri rapide
 - Tri fusion
 - Synthèse sur les tris par comparaisons
 - Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse





Synthèse

Algorithme	Comparaisons		Affectations		Stable?	En
	$\mathcal{C}_{avg} \mid \mathcal{C}_{v}$	vorst	\mathcal{C}_{avg}	\mathcal{C}_{worst}		place?
Tri par sélection	$\Theta(n^2)$		Θ((n)	(2)	©
Tri à bulles	$\Theta(n^2)$		$\Theta(n^2)$	$\Theta(n^2)$	©	©
Tri par insertion	$\Theta(n^2) \Theta$	(n^2)	$\Theta(n^2)$	$\Theta(n^2)$	©	©

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle
- 13 Tri optimaux
 - Tri rapide
 - Tri fusion
 - Synthèse sur les tris par comparaisons
 - Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse



Tri rapide

Tri rapide Principe

Principe

Le tri rapide (quicksort) consiste à choisir un élément du tableau, appelé pivot, puis de séparer à gauche dans le tableau les éléments inférieurs au pivot et à droite dans le tableau les éléments supérieurs au pivot. Cette étape est appelée partitionnement. Puis on trie alors le sous-tableau gauche et le sous-tableau droit récursivement.



Algorithme

Algorithme

```
void array_quick_sort_partial(int *data,
                                    ptrdiff t i, ptrdiff t j) {
  if (i < j) {
   ptrdiff t p = array partition(data, i, j);
    array quick sort partial(data, i, p - 1);
    array quick sort partial(data, p + 1, j);
void array_quick_sort(int *data, size_t n) {
  array_quick_sort_partial(data, 0, n - 1);
}
```



```
ptrdiff_t array_partition(int *data, ptrdiff_t i, ptrdiff_t j) {
 ptrdiff_t pivot_index = i;
  const int pivot = data[pivot index];
  array swap(data, pivot index, j);
 ptrdiff t l = i;
 for (ptrdiff t k = i; k < j; ++k) {
    if (data[k] < pivot) {</pre>
      array swap(data, k, 1);
      ++1;
   }
  array_swap(data, 1, j);
 return 1;
```

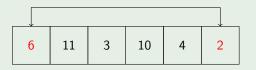


Exemple (Partition)

6 11 3 10

Tri rapide

Partition Exemple



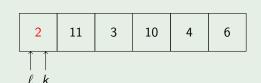
pivot: 6

Partition

Exemple

$$k = 0$$

 $\ell = 0$

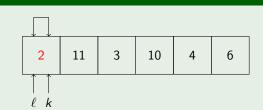


Tri rapide



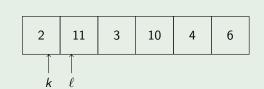
Partition Exemple





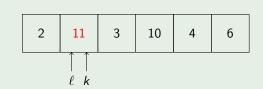
$$k = 0$$

 $\ell = 1$



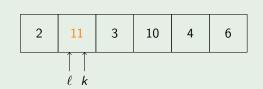
$$k = 1$$

 $\ell = 1$



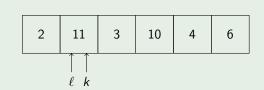
$$k = 1$$

 $\ell = 1$



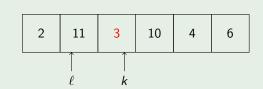
$$k = 1$$

 $\ell = 1$



$$k = 2$$

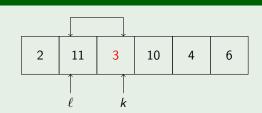
 $\ell = 1$





Exemple

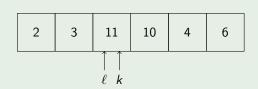






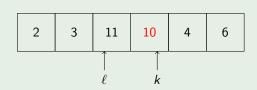
$$k = 2$$

 $\ell = 2$



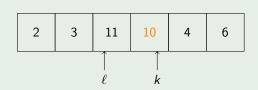
$$k = 3$$

 $\ell = 2$



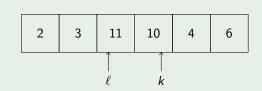
$$k = 3$$

 $\ell = 2$



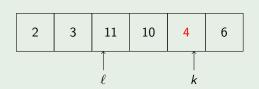
$$k = 3$$

 $\ell = 2$





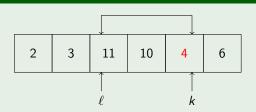




Tri rapide

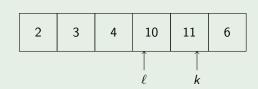
Partition Exemple





$$k = 4$$

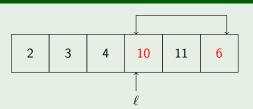
 $\ell = 3$



Partition

Exemple

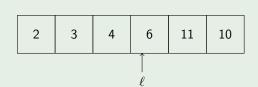




Partition

Exemple

$$\ell = 3$$



Tri rapide



Complexité en nombre de comparaisons

Complexité

On note $\mathcal{C}(n)$ la complexité en nombre de comparaisons pour un tableau de taille n. On appelle k le nombre d'éléments plus petits que le pivot, alors on effectue les opérations suivantes :

- le partitionnement en $\Theta(n)$
- le tri de la partie gauche en C(k)
- le tri de la partie droite en C(n-k-1)

Alors, la complexité est determinée par :

$$C(n) = \Theta(n) + C(k) + C(n - k - 1)$$

Tri rapide



Complexité en nombre de comparaisons

Complexité

On a alors deux situations :

■ Pire cas : k = 0. Alors, $C(n) = \Theta(n) + C(n-1)$, donc :

$$C_{\text{worst}}(n) = O(n^2)$$

Le pire cas correspond à un tableau déjà trié.

■ En moyenne : $k = \frac{n}{2}$. Alors, $C(n) = \Theta(n) + 2 \times C(\frac{n}{2})$, donc :

$$C_{\text{avg}}(n) = O(n \log n)$$

La complexité en moyenne est donc optimale.





Choix du pivot

Il y a plusieurs manières de choisir le pivot en pratique :

- le premier élément
- un élément au hasard
- l'élément médian entre le premier, celui du milieu et le dernier

Éléments égaux au pivot

On peut améliorer l'algorithme en prenant en compte les éléments égaux au pivot et en les plaçant à côté du pivot au milieu.



Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle
- 13 Tri optimaux
 - Tri rapide
 - Tri fusion
 - Synthèse sur les tris par comparaisons
 - Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse



Tri fusion



Principe

Tri fusion

Principe

Le tri fusion (merge sort) consiste à séparer le tableau en deux, puis de trier récursivement les deux moitiés, puis de fusionner les deux moitiés triées.

Remarque

Cet algorithme fonctionne mieux sur des listes que sur des tableaux. La version tableau nécessite un tableau temporaire de la taille du tableau en paramètre. Nous allons voir la version tableau.



Tri fusion

```
void array_merge_sort(int *data, size_t n) {
  int *tmp = calloc(n, sizeof(int));
  array_merge_sort_partial(data, 0, n, tmp);
  free(tmp);
}
```

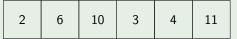


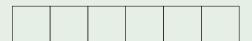




Tri fusion

```
void array_merge(int *data, size_t i, size_t m, size_t j,
                                                  int *tmp) {
  size t a = i;
  size t b = m;
 for (size_t k = i; k < j; ++k) {
    if (a < m && (b == j || data[a] < data[b])) {</pre>
      tmp[k] = data[a];
      ++a;
    } else {
     tmp[k] = data[b];
      ++b:
```

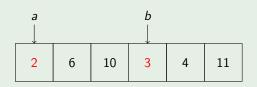


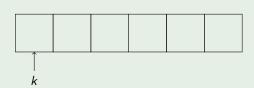


Fusion Exemple



$$k = 0$$



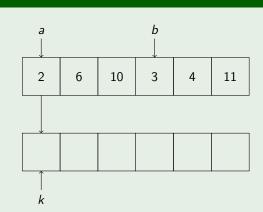


Tri fusion



$$b = 3$$

$$k = 0$$

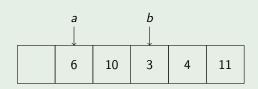


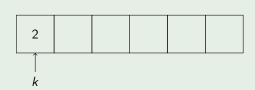


Fusion Exemple



$$k = 0$$



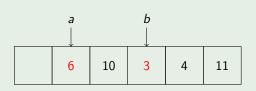


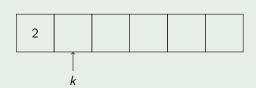






$$k = 1$$



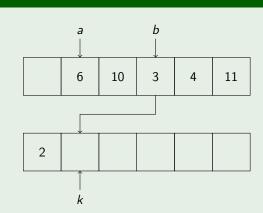


Fusion Exemple



$$b = 3$$

$$k = 1$$



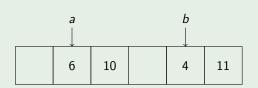


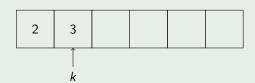




$$b = 4$$

$$k = 1$$



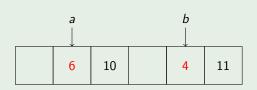


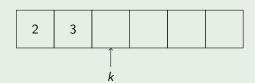
Fusion Exemple



$$b=4$$

$$k = 2$$



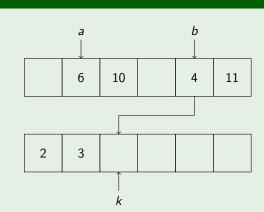




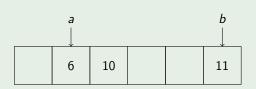


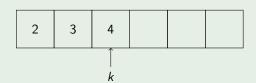
$$b=4$$

$$k = 2$$



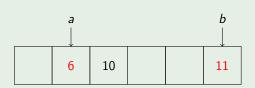
$$k = 2$$

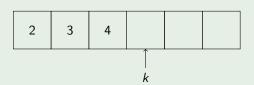






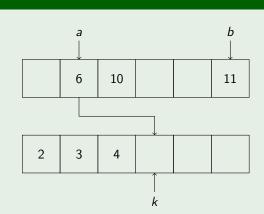
$$k = 3$$







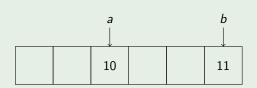
$$k = 3$$

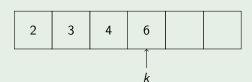




$$b = 5$$

$$k = 3$$

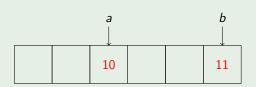


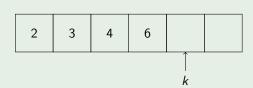


$$a = 2$$

 $b = 5$

$$k = 4$$

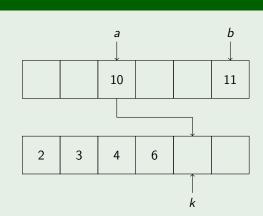






$$b = 5$$

$$k = 4$$

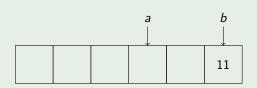




$$a = 3$$

 $b = 5$

$$k = 4$$





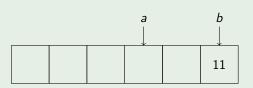


$$a = 3$$

$$a = 3$$

 $b = 5$

$$k = 5$$



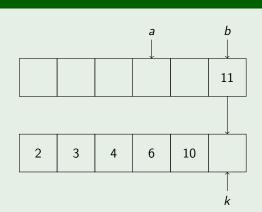




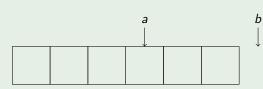
$$a = 3$$

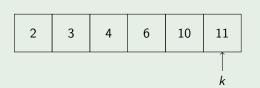
 $b = 5$

$$k = 5$$



$$k = 5$$









Complexité en nombre de comparaisons

Complexité

On note C(n) la complexité en nombre de comparaisons pour un tableau de taille n. On effectue les opérations suivantes :

- lacksquare le tri de la partie gauche en $\mathcal{C}\left(rac{n}{2}
 ight)$
- lacksquare le tri de la partie droite en $\mathcal{C}\left(\frac{n}{2}\right)$
- la fusion en $\Theta(n)$

Alors, la complexité est determinée par :

$$C(n) = 2 \times C\left(\frac{n}{2}\right) + \Theta(n)$$

Et donc, en pire cas et en moyenne, la complexité est :

$$C(n) = O(n \log n)$$





En pratique

Tri fusion

Tri en place

Il est possible d'avoir un tri fusion en place en remplaçant la fusion par une fusion en place. Toutefois, la complexité est alors en $O(n \log^2 n)$.

Listes

La version liste est toujours en $O(n \log n)$ puisqu'il n'y a pas de copie. Mais il faut prendre garde à l'implémentation pour conserver la stabilité.

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle
- 13 Tri optimaux
 - Tri rapide
 - Tri fusion
 - Synthèse sur les tris par comparaisons
 - Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse



Synthèse

Algorithme	Comparaisons		Stable?	En place?
	\mathcal{C}_{avg}	\mathcal{C}_{worst}		
Tri par sélection	$\Theta(n^2)$		©	©
Tri à bulles	$\Theta(n^2)$		©	©
Tri par insertion	$\Theta(n^2)$	$\Theta(n^2)$	©	©
Tri rapide	$O(n \log n)$	$O(n^2)$	3	©
Tri fusion	$O(n \log n)$		©	(3)

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

13 Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques

14 Tri par dénombrement

- Présentation
- Analyse







En pratique

En pratique, on utilise des combinaisons de tris. En effet, le tri par insertion est plus rapide que le tri rapide ou le tri fusion sur des tableaux jusqu'à 15–20 éléments. Donc :

- On applique un tri optimal au début (tri rapide ou tri fusion)
- Dès qu'on arrive sur des tableaux de taille inférieure à un seuil, on applique un tri par insertion

Tri rapide ou tri fusion?

- Dans le cas de tableau, on utilisera plutôt le tri rapide qui est plus rapide que le tri fusion. Avec un choix judicieux de pivot, le pire cas arrivent suffisamment rarement.
- Dans le cas de listes chaînées, on utilise plutôt le tri fusion qui s'adapte naturellement aux listes chaînées.



Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle
- 13 Tri optimaux
 - Tri rapide
 - Tri fusion
 - Synthèse sur les tris par comparaisons
 - Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse





Tri par dénombrement

Principe

Le **tri par dénombrement** ou **tri comptage** (counting sort) s'applique :

- quand les éléments sont des entiers indiscernables
- que l'intervalle des éléments [0, m[est suffisamment petit.

Il consiste à compter les représentants de chaque valeur, comme dans un histogramme.





Algorithme

Algorithme

```
void array_counting_sort(int *data, size_t n, int m) {
  size_t *hist = calloc(m, sizeof(size_t));
 for (size t i = 0; i < n; ++i) {
   hist[data[i]] += 1:
  size t j = 0;
 for (int val = 0; val < m; ++val) {
   for (size t k = 0; k < hist[val]; ++k) {
      data[j] = val;
      j++;
  free(hist);
```

Plan

- 11 Généralités
 - À propos des tris
- 12 Tri non-optimaux
 - Tri par sélection
 - Tri à bulles
 - Tri par insertion
 - Synthèse partielle

13 Tri optimaux

- Tri rapide
- Tri fusion
- Synthèse sur les tris par comparaisons
- Considérations pratiques
- 14 Tri par dénombrement
 - Présentation
 - Analyse





Tri par dénombrement

Complexité

Complexité

L'opération fondamentale est l'affectation (il n'y a aucune comparaison). Le nombre d'affectation pour tableau de taille n ne dépend pas du contenu du tableau. La complexité est donc de

$$C(n) = O(n)$$

Remarque

La complexité en mémoire est de O(m).



Septième partie

Arbres (1/2)

Plan de ce cours

15 Généralités

- Définitions
- Exemples concrets
- Parcours d'un arbre

16 Arbres binaires

- Définitions et propriétés
- Parcours préfixe, infixe, postfixe

Plan

15 Généralités

- Définitions
- Exemples concrets
- Parcours d'un arbre

16 Arbres binaires

- Définitions et propriétés
- Parcours préfixe, infixe, postfixe



Définition (Arbre)

Un arbre est:

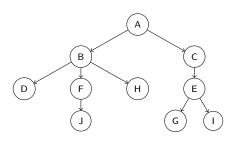
- soit l'arbre vide, noté Ø
- soit un couple (e, c), appelé nœud, où e est un élément, appelée parfois étiquette, et c est une liste d'arbres non-vides, appelés enfants

Définition (Feuille et nœud interne)

On distingue deux types de nœud :

- une **feuille** est un nœud qui n'a pas d'enfants
- un nœud interne est un nœud qui a au moins un enfant





Exemple (Enfants, feuilles, nœuds internes)

- B et C sont les enfants de A
- D, H, G et I sont des feuilles
- A, B, C, E et F sont des nœuds internes





Définition (Parent)

Le **parent** d'un nœud n est le nœud dont n est l'enfant.

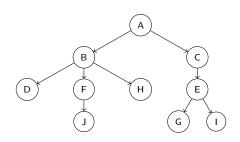
Définition (Adelphe)

Les **adelphes** d'un nœud n sont les nœuds qui ont le même parent que n.

Définition (Racine)

La racine de l'arbre est l'unique nœud qui n'a pas de parent.





Exemple (Parent, adelphes, racine)

- C est le parent de E
- D et H sont les adelphes de F
- A est la racine de l'arbre

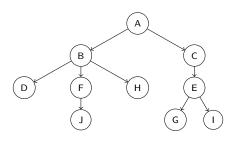




Définition (Chemin)

Le **chemin** jusqu'à un nœud n depuis la racine est la suite $[n_1,\ldots,n_p]$ où :

- \blacksquare n_1 est la racine
- $\blacksquare n_p = n$
- $\forall i \in [2, p]$, n_{i-1} est le parent de n_i



Exemple (Chemin)

Le chemin jusqu'à G est :





Définition (Degré)

Le degré d'un nœud est le nombre d'enfants d'un nœud.

Définition (Profondeur d'un nœud)

La profondeur d'un nœud est le cardinal du chemin jusqu'à ce nœud.

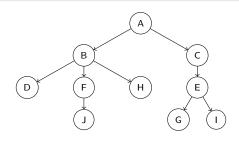
Définition (Hauteur d'un arbre)

La hauteur d'un arbre est la profondeur maximale des feuilles de l'arbre.

Définition (Taille d'un arbre)

La taille d'un arbre est le nombre de nœuds d'un arbre.





Exemple (Profondeur, hauteur, taille)

- *B* est de degré 3.
- A a une profondeur de 1
- *D* et *E* ont une profondeur de 3
- la hauteur de l'arbre est 4
- la taille de l'arbre est 10





Définition (Arbre *n*-aire)

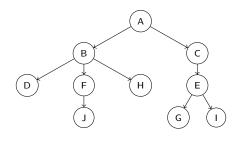
Un **arbre** n-aire est un arbre dont tous les nœuds sont de degré n au plus.

Définition (Cas particulier d'arbres *n*-aires)

- Si n = 2, alors on parle d'arbre binaire
- Si n = 3, alors on parle d'arbre ternaire

Remarque

Une liste est un arbre unaire (n = 1).



Exemple (Arbre ternaire)

■ l'arbre est ternaire

Opérations élémentaires

Arbre

Opérations élémentaires

constructeur, noté cons, définie par :

$$cons(e, c) = (e, c)$$

■ test du vide, noté empty, qui est définie par :

$$\mathtt{empty}(t) = (t \stackrel{?}{=} \varnothing)$$

■ accès à l'étiquette, noté value, qui est définie par :

$$value((e, c)) = e$$

■ accès aux enfants, noté children, qui est définie par :

$$children((e,c)) = c$$

Plan

15 Généralités

- Définitions
- Exemples concrets
- Parcours d'un arbre

16 Arbres binaires

- Définitions et propriétés
- Parcours préfixe, infixe, postfixe



Système de fichier



Exemple (Système de fichier)

- Un système de fichier est un arbre :
 - les nœuds internes sont les répertoires
 - les feuilles sont les autres fichiers
- Le nombre d'enfants n'est pas limité, même s'il existe une limite physique.
- Dans un système Unix, la racine s'appelle /. La profondeur d'un fichier est le nombre de répertoire traversé depuis la racine plus deux (la racine et le fichier).

Document HTML

Exemple (Document HTML)

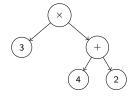
- Un document HTML est un arbre :
 - les nœuds internes sont les balises et/ou du texte
 - les feuilles sont les balises et/ou du texte
- Le nombre d'enfants dépend des balises.
- La racine est <html>

Exemple d'arbre

Expression arithmétique

Exemple (Expression arithmétique)

- Un expression arithmétique (utilisant +, -, *, /) est un arbre :
 - les nœuds internes sont les opérateurs
 - les feuilles sont les nombres
- Une expression est un arbre binaire.
- $3 \times (4+2)$ peut être représenté par :





Plan

15 Généralités

- Définitions
- Exemples concrets
- Parcours d'un arbre

16 Arbres binaires

- Définitions et propriétés
- Parcours préfixe, infixe, postfixe

**

Parcours d'un arbre

Définition (Parcours)

Un parcours d'un arbre est la visite successive de tous les nœuds (feuilles et nœuds interne) dans un certain ordre et au cours duquel on effectue une opération. On distingue deux types de parcours :

- parcours en profondeur
- parcours en largeur



Parcours d'un arbre

Parcours en profondeur

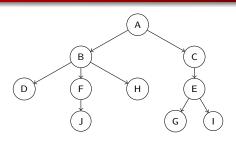
Parcours en profondeur

Le parcours en profondeur (depth-first traversal) d'un arbre permet de parcourir l'arbre de manière récursive en privilégiant les nœuds les plus profonds d'abord, c'est-à-dire qu'on va descendre dans l'arbre aussi profond que possible puis revenir et recommencer avec un autre enfant, et ainsi de suite. On distingue :

- le parcours en profondeur préfixe où on traite l'étiquette du nœud avant de traiter les enfants
- le parcours en profondeur postfixe où on traite l'étiquette du nœud après avoir traité les enfants

Parcours d'un arbre

Parcours en profondeur



Exemple

Le parcours en profondeur préfixe de l'arbre est :

$$A \rightarrow B \rightarrow D \rightarrow F \rightarrow J \rightarrow H \rightarrow C \rightarrow E \rightarrow G \rightarrow I$$

Le parcours en profondeur postfixe de l'arbre est :

$$D \rightarrow J \rightarrow F \rightarrow H \rightarrow B \rightarrow G \rightarrow I \rightarrow E \rightarrow C \rightarrow A$$





Parcours en profondeur

Parcours en profondeur

Parcours d'un arbre

```
function DepthFirstTraversal(t)
  if empty(t) then
    return
  end if
    ComputePreOrder(value(t))
  for c in children(t) do
        DepthFirstTraversal(c)
  end for
    ComputePostOrder(value(t))
end function
```



Parcours en largeur

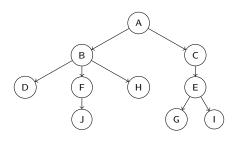
Parcours d'un arbre

Parcours en largeur

Le parcours en largeur (breadth-first traversal) d'un arbre permet de parcourir l'arbre par ordre de profondeur croissant des nœuds, c'est-à-dire qu'on traite d'abord tous les nœuds de profondeur 1, puis tous les nœuds de profondeur 2, et ainsi de suite.

Parcours en largeur

Parcours d'un arbre



Exemple

Le parcours en largeur de l'arbre est :

$$A \rightarrow B \rightarrow C \rightarrow D \rightarrow F \rightarrow H \rightarrow E \rightarrow J \rightarrow G \rightarrow I$$

Généralités



Parcours en largeur

Parcours en largeur

Parcours d'un arbre

```
function BreadthFirstTraversal(t)
   if empty(t) then
       return
   end if
   q \leftarrow \text{queue}()
   enqueue(q, t)
   while not empty(q) do
       u \leftarrow \text{peek}(q)
       COMPUTE(value(u))
       for c in children(u) do
           enqueue(q, c)
       end for
       dequeue(q)
   end while
end function
```

Plan

15 Généralités

- Définitions
- Exemples concrets
- Parcours d'un arbre

16 Arbres binaires

- Définitions et propriétés
- Parcours préfixe, infixe, postfixe



Définition

Arbre binaire

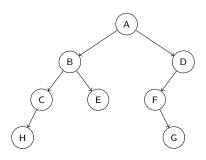
Définition (Arbre binaire)

Un arbre binaire est :

- soit l'arbre vide, noté Ø
- soit un triplet (e, l, r), appelé nœud, où e est un élément, appelée parfois étiquette, et l est un arbre binaire appelé enfant gauche et r est un arbre binaire appelé enfant droit.

Arbre binaire

Exemple



Exemple (Arbre binaire)

L'arbre ci-dessus peut être noté :

$$(A,(B,(C,(H,\varnothing,\varnothing),\varnothing),(E,\varnothing,\varnothing)),(D,(F,\varnothing,(G,\varnothing,\varnothing)),\varnothing))$$





Définitions



Définition (Arbre binaire entier)

Un arbre binaire entier est un arbre binaire où chaque nœud a zéro ou deux enfants.

Définition (Arbre binaire parfait)

Un **arbre binaire parfait** est un arbre binaire entier où toutes les feuilles ont la même profondeur.

Définition (Arbre binaire complet)

Un **arbre binaire complet** est un arbre binaire dans lequel tous les niveaux sont complets, excepté le dernier où toutes les feuilles sont rangées à gauche.

Taille et hauteur d'un arbre binaire



Propriété d'un arbre binaire

Un arbre binaire de hauteur h et de taille n vérifie :

$$h \le n \le 2^h - 1$$

Remarques

- l'égalité à gauche a lieu pour un arbre binaire où tous les nœuds n'ont qu'un seul enfant (sauf la feuille), c'est-à-dire une liste
- l'égalité à droite a lieu pour un arbre binaire parfait



Plan

15 Généralités

- Définitions
- Exemples concrets
- Parcours d'un arbre

16 Arbres binaires

- Définitions et propriétés
- Parcours préfixe, infixe, postfixe

Parcours dans un arbre binaire



Parcours dans un arbre binaire

Comme pour tout arbre, on peut effectuer des parcours en largeur et en profondeur sur un arbre binaire, où on traite les enfants gauche et droit dans cet ordre. Toutefois, dans le cas d'un parcours en profondeur pour un arbre binaire, on distingue trois cas :

- le parcours préfixe où on traite l'étiquette du nœud avant de traiter l'enfant gauche
- le parcours infixe où on traite l'étiquette du nœud après avoir traité l'enfant gauche et avant de traiter l'enfant droit
- le parcours postfixe où on traite l'étiquette du nœud après avoir traité l'enfant droit

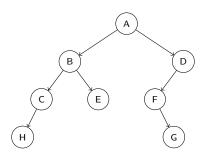
Parcours d'un arbre binaire



Parcours d'un arbre binaire

```
function BINARYDEPTHFIRSTTRAVERSAL(t)
  if empty(t) then
    return
  end if
    COMPUTEPREORDER(value(t))
    DEPTHFIRSTTRAVERSAL(left(t))
    COMPUTEINORDER(value(t))
    DEPTHFIRSTTRAVERSAL(right(t))
    COMPUTEPOSTORDER(value(t))
end function
```





Exemple (Parcours préfixe, infixe, postfixe)

Parcours d'un arbre binaire

Le parcours préfixe est : $A \rightarrow B \rightarrow C \rightarrow H \rightarrow E \rightarrow D \rightarrow F \rightarrow G$ Le parcours infixe est : $H \rightarrow C \rightarrow B \rightarrow E \rightarrow A \rightarrow F \rightarrow G \rightarrow D$ Le parcours postfixe est : $H \rightarrow C \rightarrow E \rightarrow B \rightarrow G \rightarrow F \rightarrow D \rightarrow A$



Huitième partie

Arbres (2/2)

Plan de ce cours

17 Arbres binaires de recherche

- Définitions
- Opérations sur les arbres binaires de recherche

18 Tas

- Définition
- Opérations sur les tas
- Tri par tas

Plan

17 Arbres binaires de recherche

- Définitions
- Opérations sur les arbres binaires de recherche

18 Tas

- Définition
- Opérations sur les tas
- Tri par tas

Arbre binaire de recherche

Définition (Arbre binaire de recherche)

Soit E un ensemble muni d'une relation d'ordre. Un **arbre binaire de recherche** (binary search tree) d'éléments de E est un arbre binaire tel que :

- tous les nœuds de son sous-arbre gauche sont plus petits que sa racine, suivant la relation d'ordre;
- tous les nœuds de son sous-arbre droit sont plus grands que sa racine, suivant la relation d'ordre;
- son sous-arbre gauche et son sous-arbre droit sont des arbres binaires de recherche.



Arbre binaire de recherche

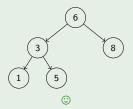
Exemples

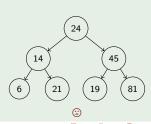
Exemples (Ensembles E munis d'une relation d'ordre)

- l'ensemble des entiers, avec < comme relation d'ordre
- l'ensemble des réels, avec < comme relation d'ordre
- l'ensemble des chaînes de caractères, avec l'ordre lexicographique comme relation d'ordre

Algorithmique et structures de données

Exemples (Arbres binaires de recherche)





L2 Informatique

Arbre binaire de recherche

Remarque



Remarque

Il existe deux types d'arbre binaire de recherche :

- les arbres binaires de recherche où on n'autorise pas les éléments égaux, ces arbres sont utilisés pour représenter des ensembles mathématiques (set);
- les arbres binaires de recherche où on autorise les éléments égaux, ces arbres sont utilisés pour représenter des multiensembles (multiset) ou sac (bag);

Parcours infixe

Le parcours infixe d'un arbre binaire de recherche rencontre l'ensemble des éléments dans l'ordre croissant.



**

Implémentation

Implémentation

```
struct bst {
  int data;
  struct bst *left;
  struct bst *right;
};
```

Arbre binaire de recherche

Remarque

Chaque opération va devoir maintenir la structure en arbre binaire de recherche.

Plan

17 Arbres binaires de recherche

- Définitions
- Opérations sur les arbres binaires de recherche

18 Tas

- Définition
- Opérations sur les tas
- Tri par tas

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Opérations sur les arbres binaires de recherche

On définit trois opérations sur les arbres binaires de recherche

- la recherche d'un élément ;
- l'insertion d'un élément;
- la suppression d'un élément.

Pour un arbre binaire de taille n et de hauteur h, on exprimera la complexité de ces opérations en fonction de n et h, en n'oubliant pas la relation :

$$h \le n \le 2^h - 1$$

Recherche d'un élément

Principe

Pour la recherche d'un élément e dans un arbre binaire de recherche, on utilise la propriété des arbres binaires de recherche et on va descendre dans l'arbre en comparant e à l'étiquette e' de chaque nœud.

- si e = e', alors on a trouvé l'élément et la recherche a réussi;
- si e < e', alors e, s'il est présent, est dans le sous-arbre gauche;
- si e > e', alors e, s'il est présent, est dans le sous-arbre droit;
- si on arrive sur un arbre vide, alors la recherche a échoué.

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Algorithme

```
bool bst_search(const struct bst *node, int data) {
  if (node == NULL) {
    return false;
  }
  if (data < node->data) {
    return bst search(node->left, data);
  }
  if (data > node->data) {
    return bst_search(node->right, data);
  }
 return true;
```

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Recherche d'un élément

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (< et >). La fonction <code>bst_search</code> parcourt au plus une branche de l'arbre, donc au plus h nœuds. Elle fait au maximum deux comparaisons par nœud visité, c'est-à-dire O(1). Donc, la complexité pour un arbre de taille n est :

$$C(n) = O(h)$$

Deux cas se présentent :

- si l'arbre est équilibré, alors $C(n) = O(\log n)$
- si l'arbre est déséquilibré, alors C(n) = O(n)

Insertion d'un élément

Principe

Pour l'insertion d'un élément e dans un arbre binaire de recherche, on va descendre dans l'arbre pour insérer e dans une feuille (s'il n'est pas déjà présent dans l'abre). La descente dans l'arbre est quasi-identique à la recherche d'un élément dans un arbre binaire de recherche.

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Algorithme

Insertion d'un élément

```
struct bst *bst insert(struct bst *node, int data) {
  if (node == NULL) {
    struct bst *tree = malloc(sizeof(struct bst));
    tree->left = tree->right = NULL; tree->data = data;
    return tree;
  if (data < node->data) {
    node->left = bst_insert(node->left, data);
    return node;
  if (data > node->data) {
    node->right = bst insert(node->right, data);
    return node;
  return node:
```

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Insertion d'un élément

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (< et >). La fonction bst_insert parcourt une branche de l'arbre, donc au plus h nœuds. Elle fait au maximum deux comparaisons par nœud visité, c'est-à-dire O(1). Donc, la complexité pour un arbre de taille n est :

$$C(n) = O(h)$$

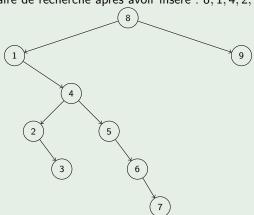
Deux cas se présentent :

- si l'arbre est équilibré, alors $C(n) = O(\log n)$
- lacksquare si l'arbre est déséquilibré, alors $\mathcal{C}(n) = O(n)$

Insertion d'un élément

Exemple (Insertion dans un arbre binaire de recherche)

Arbre binaire de recherche après avoir inséré : 8, 1, 4, 2, 5, 9, 3, 6, 7





Suppression d'un élément

Principe

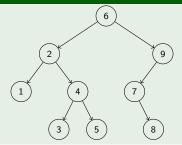
Pour la suppression d'un élément e dans un arbre binaire de recherche, on commence par chercher cet élément dans l'arbre, puis :

- si le nœud est une feuille, on supprime la feuille;
- si le nœud a un fils unique, on remplace le nœud par ce fils;
- si le nœud a deux fils, on remplace la valeur du nœud par le minimum du sous-arbre droit qu'on enlève du sous-arbre droit.

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Suppression d'un élément

Exemple (Suppression dans un arbre binaire de recherche)



Opérations sur les arbres binaires de recherche

Suppression d'un élément

Remarque

Le minimum du sous-arbre droit est toujours l'élément le plus à gauche, il n'a donc pas de fils gauche. Il se supprime donc facilement en le remplaçant par son fils droit (s'il existe).

Algorithme

```
struct bst *bst_delete_minimum(struct bst *node, struct bst **min) {
  if (node->left == NULL) {
    struct bst *right = node->right;
    node->right = NULL;
    *min = node;
    return right;
  }
  node->left = bst_delete_minimum(node->left, min);
  return node;
}
```



Suppression d'un élément

Algorithme

```
struct bst *bst delete(struct bst *node) {
  struct bst *left = node->left:
  struct bst *right = node->right;
  free(node): node = NULL:
  if (left == NULL && right == NULL) {
    return NULL;
  if (left == NULL) {
    return right;
  if (right == NULL) {
    return left:
  right = bst delete minimum(right, &node);
  node->left = left; node->right = right;
 return node;
```

Opérations sur les arbres binaires de recherche

Algorithme

Suppression d'un élément

```
struct bst *bst_remove(struct bst *node, int data) {
  if (node == NULL) {
   return NULL;
 }
  if (data < node->data) {
   node->left = bst_remove(node->left, data);
   return node;
  if (data > node->data) {
   node->right = bst_remove(node->right, data);
   return node:
 return bst_delete(node);
```

Opérations sur les arbres binaires de recherche Suppression d'un élément

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (< et >). Les fonctions bst_remove, bst_delete, bst_delete_minimum parcourent une branche de l'arbre, donc au plus h nœuds. Elles font au maximum deux comparaisons par nœud visité, c'est-à-dire O(1). Donc, la complexité pour un arbre de taille n est :

$$C(n) = O(h)$$

Deux cas se présentent :

- si l'arbre est équilibré, alors $C(n) = O(\log n)$
- si l'arbre est déséquilibré, alors C(n) = O(n)

Synthèse

Synthèse

Opération	Arbre équilibré	Arbre déséquilibré
Recherche	$O(\log n)$	O(n)
Insertion	$O(\log n)$	O(n)
Suppression	$O(\log n)$	O(n)

Question

Peut-on s'assurer que les arbres binaires de recherche restent équilibrés?

Remarque

La fonction de recherche ne modifie pas l'arbre donc, elle est identique pour tous les arbres binaires de recherche.

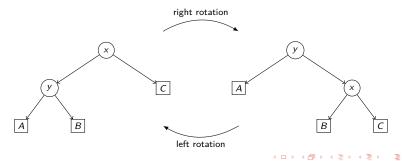
Arbres binaires équilibrés

Arbres binaires équilibrés

Il existe des variantes des arbres binaires de recherche qui permettent de conserver l'équilibre et donc d'assurer l'optimalité des opérations :

- les arbres AVL
- les arbres bicolores ou arbres rouge-noir

Dans les deux cas, pour chaque insertion ou suppression, on réalise des *rotations* pour conserver l'équilibre général de l'arbre.



Plan

17 Arbres binaires de recherche

- Définitions
- Opérations sur les arbres binaires de recherche

18 Tas

- Définition
- Opérations sur les tas
- Tri par tas



Définition (Arbre binaire complet)

Un **arbre binaire complet** est un arbre binaire dans lequel tous les niveaux sont complets, excepté le dernier où toutes les feuilles sont rangées à gauche.

Définition (Arbre partiellement ordonné)

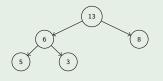
Un **arbre partiellement ordonné** est un arbre dont l'étiquette de chaque nœud est supérieure ou égale à l'étiquette de ses fils.

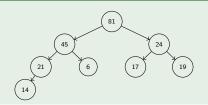
Définition (Tas)

Un tas (heap) est un arbre binaire complet partiellement ordonné.

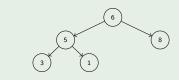
*

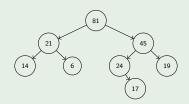
Exemples (Tas)





Exemples (Non-tas)





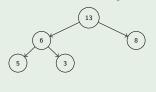


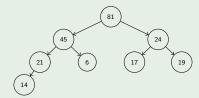
Représentation

On représente un tas à l'aide d'un tableau. Il suffit de lire les nœuds de haut en bas et de gauche à droite.

Exemples (Représentation d'un tas par un tableau)

Les tas suivants sont représentés respectivement par les tableaux [13, 6, 8, 5, 3] et [81, 45, 24, 21, 6, 17, 19, 14].





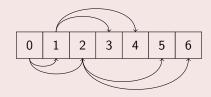




Représentation

Si h est un tableau de taille p qui représente un tas :

- h[0] est le **sommet** du tas, c'est-à-dire la racine de l'arbre
- h[i] a pour père $h[\frac{i-1}{2}]$
- h[i] a pour fils gauche $h[2 \times i + 1]$ (s'il existe)
- h[i] a pour fils droit $h[2 \times i + 2]$ (s'il existe)
- si $i \ge \frac{p}{2}$ alors h[i] est une feuille





Tas Utilisation

Utilisation

Hormis le tri par tas, les tas sont utilisés pour représenter des files de priorité (priority queue), c'est-à-dire des files dans laquelle on peut accéder à l'élement le plus prioritaire.

Plan

17 Arbres binaires de recherche

- Définitions
- Opérations sur les arbres binaires de recherche

18 Tas

- Définition
- Opérations sur les tas
- Tri par tas



Opérations sur les tas

On définit deux opérations sur les tas :

- l'insertion d'un élément;
- la suppression du sommet du tas.

Insertion d'un élément



Principe

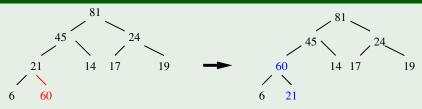
Pour l'insertion d'un élément e dans un tas :

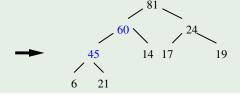
- on ajoute l'élément au dernier niveau de l'arbre ou au niveau suivant si celui-ci est complet, ce qui maintient l'arbre complet;
- on fait remonter la feuille en l'échangeant avec son père s'il est plus petit, puis à nouveau avec son père s'il est plus petit, et ainsi de suite, ce qui maintient l'arbre partiellement ordonné.



Insertion d'un élément

Exemples (Insertion d'un élément)







Insertion d'un élément

Algorithme

```
void heap_insert(int *heap, size_t n, int value) {
  size t i = n;
  heap[i] = value;
  while (i > 0) {
    ssize t j = (i - 1) / 2;
    if (heap[i] < heap[j]) {</pre>
      break;
    }
    array_swap(heap, i, j);
    i = j;
```



Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (>). La fonction heap_insert parcourt une branche de l'arbre, donc au plus h nœud. Elle fait une comparaison par nœud visité. Donc, la complexité pour un tas de taille n est :

$$C(n) = O(h) = O(\log n)$$

Suppression du sommet



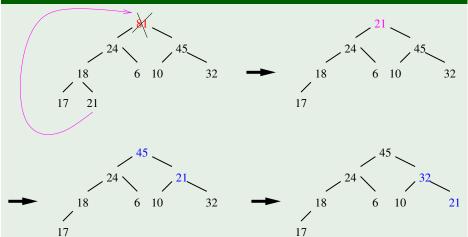
Principe

Pour la suppression du sommet dans un tas :

- on supprime la racine et on la remplace par l'élément le plus en bas à droite, ce qui maintient l'arbre complet;
- on échange la racine avec le plus grand de ses fils si l'un d'entre eux est plus grand qu'elle, puis à nouveau avec son plus grand fils si l'un d'entre eux est plus grand qu'elle, et ainsi de suite, ce qui maintient l'arbre partiellement ordonné.

Suppression du sommet

Exemples (Suppression du sommet)





Algorithme

Suppression du sommet

```
void heap_remove_max(int *heap, size_t n) {
 heap[0] = heap[n - 1];
  size t i = 0;
 while (i < (n - 1) / 2)  {
    size t lt = 2 * i + 1;
    size t rt = 2 * i + 2;
    if (heap[i] > heap[lt] && heap[i] > heap[rt]) {
      break;
    }
    size_t j = (heap[lt] > heap[rt]) ? lt : rt;
    array swap(heap, i, j);
    i = j;
```



Suppression du sommet

Complexité

L'opération fondamentale est la comparaison (>). La fonction heap_remove_max parcourt une branche de l'arbre, donc au plus h nœud. Elle fait au maximum deux comparaisons par nœud visité. Donc, la complexité pour un tas de taille n est :

$$C(n) = O(h) = O(\log n)$$



17 Arbres binaires de recherche

- Définitions
- Opérations sur les arbres binaires de recherche

18 Tas

- Définition
- Opérations sur les tas
- Tri par tas



Principe

Principe

Le *tri par tas* (*heapsort*) utilise le tableau comme un tas. Il s'effectue en deux étapes :

- on transforme le tableau en tas par ajout successif des éléments
- 2 on retire les maximums sucessifs des éléments et on les place à la fin



Algorithme

Algorithme

```
void array_heap_sort(int *data, size_t n) {
  for (size_t i = 0; i < n; ++i) {
    int value = data[i];
    heap_insert(data, i, value);
  }
  for (size_t i = 0; i < n; ++i) {
    int value = data[0];
    heap_remove(data, n - i);
    data[n - i - 1] = value;
  }
}</pre>
```



Complexité

Complexité

Pour chacune des étapes :

- on fait n appel à heap_insert qui agit sur un tas d'au plus n éléments, pour un coût total de $O(n \log n)$;
- 2 on fait n appel à heap_remove_max qui agit sur un tas d'au plus n éléments, pour un coût total de $O(n \log n)$;

Le tri par tas a donc une complexité de :

$$C(n) = C_{worst}(n) = C_{avg}(n) = O(n \log n)$$

Le tri par tas est optimal.



Neuvième partie

Graphes

Plan de ce cours

19 Généralités

- Définitions
- Représentations

20 Algorithmes

- Opérations
- Parcours d'un graphe
- Arbre couvrant

Plan

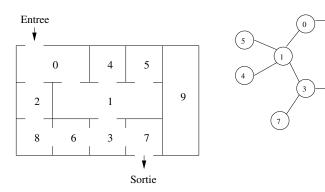
- 19 Généralités
 - Définitions
 - Représentations

20 Algorithmes

- Opérations
- Parcours d'un graphe
- Arbre couvrant

Exemple introductif





Exemple

On peut représenter le labyrinthe (à gauche) à l'aide d'un graphe (à droite)

Graphe, graphe orienté, graphe non-orienté



Définition (Graphe)

Un **graphe** est un ensemble de points (vertex, vertices), égalements appelés sommets ou nœuds, reliés par des liens (edge, edges). Plus précisément, on note le graphe G = (V, E).

Définition (Graphe orienté et non-orienté)

- Un graphe orienté est un graphe dans lequel les liens sont unidirectionnels, on les appelle alors des arcs.
- Un graphe non-orienté est un graphe dans lequel les liens sont bidirectionnels, on les appelle alors arêtes.

Définitions (Extrêmité, degré)

Soit G = (V, E) un graphe non-orienté.

- Soit $e = [u, v] \in E$, u et v sont appelés les **extrêmités** de l'arête e, u et v sont dits **adjacents**
- Soit $u \in V$, on appelle **degré** de u, noté d(u), le nombre d'arêtes ayant pour extrêmité u

Définitions (Sucesseur, prédécesseur, degré entrant, degré sortant)

Soit G = (V, E) un graphe orienté.

- Soit $e = (u, v) \in E$, alors v est appelé le successeur de u et u est appelé le prédécesseur de v
- Soit $u \in V$, on appelle :
 - **degré entrant** de u, noté $d^-(u)$, le nombre de prédécesseurs de u
 - **degré sortant** de u, noté $d^+(u)$, le nombre de successeurs de u



Définition (Degré maximum d'un graphe)

Le **degré maximum d'un graphe** G, noté $\Delta(G)$ est le maximum des degrés des sommets du graphe.

$$\Delta(G) = \max_{u \in V} d(u)$$

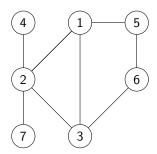
Définition (Degré minimum d'un graphe)

Le **degré minimum d'un graphe** G, noté $\delta(G)$ est le minimum des degrés des sommets du graphes.

$$\delta(G) = \min_{u \in V} d(u)$$

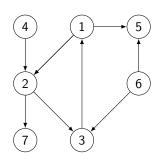


Exemples de graphes



Exemple (Graphe non-orienté)

- $V = \{1, 2, 3, 4, 5, 6, 7\}$
- $E = \{[1,2],[1,3],[2,3], [2,4],[1,5],[5,6],[3,6],[2,7]\}$



Exemple (Graphe orienté)

- $V = \{1, 2, 3, 4, 5, 6, 7\}$
- $E = \{(1,2), (3,1), (2,3), (4,2), (1,5), (6,5), (6,3), (2,7)\}$



Graphe simple



Définition (Boucle)

Une **boucle** est une arête (ou un arc) ayant le même sommet comme extrêmités.

Définition (Arête multiple)

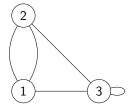
Une **arête multiple** est un ensemble d'arêtes parallèles, c'est-à-dire d'arêtes qui partagent les mêmes extrêmités.

Définition (Graphe simple)

Un graphe simple est un graphe sans boucle ni arête multiple.

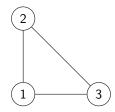
Exemples de graphes





Exemple (Graphe non-simple)

- Arête multiple entre les sommets 1 et 2
- Boucle autour du sommet 3



Exemple (Graphe simple)

■ Le graphe est simple : ni arête multiple, ni boucle

Chaîne, cycle, chemin, circuit



Définition (Chaîne et cycle)

Soit G = (V, E) un graphe non-orienté.

- Une **chaîne** de longueur l est une suite (u_0, u_1, \ldots, u_l) de l+1 sommets tels que pour tout $k \in [0, l[, (u_k, u_{k+1})$ est une arête de G.
- Un **cycle** est une chaîne dont les sommets de départ et de fin sont identiques $(u_0 = u_I)$.

Définition (Chemin et circuit)

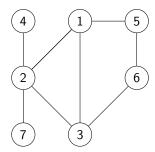
Soit G = (V, E) un graphe orienté.

- Un **chemin** de longueur l est une suite (u_0, u_1, \ldots, u_l) de l+1 sommets tels que pour tout $k \in [0, l[, (u_k, u_{k+1})$ est un arc de G.
- Un **circuit** est un chemin dont les sommets de départ et de fin sont identiques $(u_0 = u_I)$.



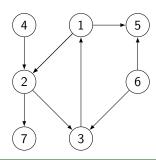
Exemples de graphes





Exemple (Chaîne et cycle)

- (5,1,3,2,4) est un chaîne de longueur 4 entre 5 et 4
- \blacksquare (3, 1, 5, 6, 3) est un cycle



Exemple (Chemin et circuit)

- (6,3,1,2,7) est un chemin de longueur 4 entre 6 et 7
- \blacksquare (1,2,3,1) est un circuit



Connexité d'un graphe



Définition (Graphe connexe)

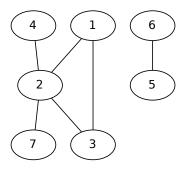
Un graphe non-orienté G est **connexe** si pour toute paire de sommets distincts (u, v), il existe une chaîne de u à v.

Définition (Graphe fortement connexe)

Un graphe orienté G est **fortement connexe** si pour toute paire de sommets distincts (u, v), il existe un chemin de u à v et un chemin de v à u.

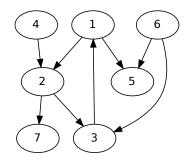
Exemples de graphes





Exemple (Connexité)

■ Le graphe n'est pas connexe



Exemple (Connexité)

- Le graphe est connexe
- Le graphe n'est pas fortement connexe

Graphe acyclique ou sans circuit



Définition (DAG)

Un **DAG** (Directed Acyclic Graph) est un graphe connexe orienté sans circuit.

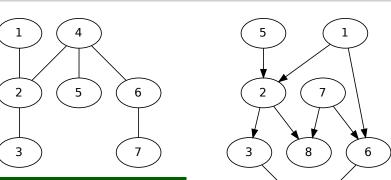
Définition (Arbre)

Un arbre est un graphe connexe non-orienté acyclique.

Remarque

Si on choisit un sommet r quelconque dans un arbre, il est possible d'enraciner l'arbre en r, c'est-à-dire orienter toutes les arêtes de sorte qu'il existe un chemin de r à tous les autres nœuds. On obtient alors un **arbre enraciné** ou **arborescence**.

Exemples de graphes



Exemple (Arbre)

■ Le graphe est un arbre

Exemple (DAG)

■ Le graphe est un DAG



Définition (Graphe complet)

Le **graphe complet** à n sommet, noté K_n , est le graphe dans lequel chaque sommet est relié à tous les autres sommets par une arête.

Lemme (Relation entre nombre de sommets et nombre d'arêtes)

Pour un graphe simple connexe avec n sommets et m arêtes :

$$n-1\leq m\leq \frac{n(n-1)}{2}$$

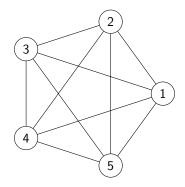
Définition (Densité)

La densité d'un graphe avec n sommets et m arêtes est le rapport entre le nombre d'arêtes et le nombre d'arêtes possibles. C'est-à-dire : $\frac{2m}{n(n-1)}$



Exemples de graphes





Exemple (Graphe complet)

■ K₅

Graphe valué

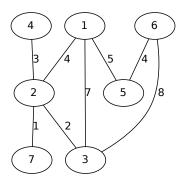
Définition (Graphe valué)

Un **graphe valué** ou graphe pondéré, est un graphe muni d'une fonction de valuation (ou fonction de coût) qui associe une valeur (ou coût ou poids) à chaque arête.

Remarque

Il est aussi possible de valuer les sommets.

Exemples de graphes



Exemple (Graphe valué)

■ Le graphe est valué

Les graphes sont partout



Que peut-on modéliser avec un graphe?

- Carte routière
- Relation sur un réseau social
- Réseau informatique
- Dépendances entre cibles dans un Makefile
- Automate à états fini
-

Plan

- 19 Généralités
 - Définitions
 - Représentations

20 Algorithmes

- Opérations
- Parcours d'un graphe
- Arbre couvrant

Représentation d'un graphe Généralités

Représentation d'un graphe

Il existe plusieurs manières de représenter un graphe :

- liste d'adjacence
- matrice d'adjacence
- matrice d'incidence

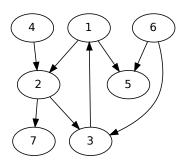


Représentation d'un graphe

Liste d'adjacence

Liste d'adjacence

Pour un graphe G = (V, E), la **liste d'adjacence** est un tableau A représentant l'ensemble des sommets, et où chaque case i du tableau donne la liste des sommets adjacents au sommet u_i .



Exemple (Liste d'adjacence)

$$\bullet$$
 $A[1] = \{2,5\}$

$$A[2] = \{3,7\}$$

$$A[3] = \{1\}$$

$$A[4] = \{2\}$$

$$\blacksquare A[5] = \emptyset$$

$$A[6] = \{3, 5\}$$

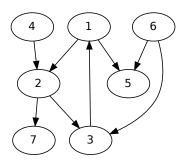
$$\blacksquare$$
 $A[7] = \emptyset$

Représentation d'un graphe

Matrice d'adjacence

Matrice d'adjacence

Pour un graphe G = (V, E), la **matrice d'adjacence** M est une matrice de taille $|V| \times |V|$ telle que $M_{ij} = 1$ s'il existe un arc de u_i à u_j , c'est-à-dire si $(u_i, u_j) \in E$, et 0 sinon.



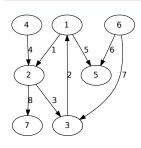
Exemple (Matrice d'adjacence)



Matrice d'incidence

Représentation d'un graphe

Pour un graphe G = (V, E), la **matrice d'incidence** M est une matrice de taille $|V| \times |E|$ telle que $M_{ij} = -1$ si l'arc e_j sort du sommet u_i , $M_{ij} = 1$ si l'arc e_j entre dans le sommet u_i , 0 sinon.



Exemple (Matrice d'incidence)

$$M = \begin{pmatrix} -1 & 1 & 0 & 0 & -1 & 0 & 0 & 0 \\ 1 & 0 & -1 & 1 & 0 & 0 & 0 & -1 \\ 0 & -1 & 1 & 0 & 0 & 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & -1 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & -1 & -1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$



Plan

- Définitions
- Représentations

20 Algorithmes

- Opérations
- Parcours d'un graphe
- Arbre couvrant

Opérations élémentaires sur un graphe



Opérations élémentaires

sommets adjacents, noté adjacent, défini par :

$$\mathtt{adjacent}(G,u) = \{v \in V, [u,v] \in E\}$$

sommets successeurs, noté succ, défini par :

$$succ(G, u) = \{v \in V, (u, v) \in E\}$$

■ sommets prédécesseurs, noté pred, défini par :

$$\mathtt{pred}(G,u)=\{v\in V,(v,u)\in E\}$$



Plan

19 Généralités

- Définitions
- Représentations

20 Algorithmes

- Opérations
- Parcours d'un graphe
- Arbre couvrant

**

Parcours d'un graphe

Définition (Parcours)

Un **parcours** d'un graphe est la visite successive de tous les sommets dans un certain ordre et au cours duquel on effectue une opération. On distingue deux types de parcours :

- parcours en profondeur
- parcours en largeur

Remarques

- Contrairement aux arbres, un parcours de graphe nécessite de pouvoir marquer les sommets pour savoir s'ils ont déjà été visité ou pas, de manière à ne pas tourner en rond.
- Contrairement aux arbres, il n'y a pas un sommet particulier par lequel on commence le parcours, c'est pourquoi on indique toujours le sommet de départ du parcours





Parcours en profondeur

Parcours d'un graphe

Parcours en profondeur

Le parcours en profondeur (depth-first search, DFS) d'un graphe permet de parcourir le graphe en privilégiant les sommets éloignés du départ. On parcoure le graphe de manière récursive.

Remarque

L'ordre dans lequel on parcoure les successeurs d'un sommet n'est pas défini a priori et va conditionner le parcours global.





Parcours en profondeur

Parcours d'un graphe

Parcours en profondeur

```
function DepthFirstSearch(G, s)

Mark(s)

for u in adjacent(G, s) do

if not IsMarked(u) then

DepthFirstSearch(G, u)

end if

end for

end function
```



Parcours d'un graphe Parcours en largeur

Parcours en largeur

Le parcours en largeur (breadth-first search, BFS) d'un graphe permet de parcourir le graphe en privilégiant les sommets proche du départ. On parcoure le graphe de manière itérative.

Remarque

L'ordre dans lequel on parcoure les successeurs d'un sommet n'est pas défini a priori et va conditionner le parcours global.







Parcours en largeur

Parcours en largeur

```
function BreadthFirstSearch(G, s)
   q \leftarrow \text{queue}()
   MARK(s); enqueue(q, s)
   while not empty(q) do
       u \leftarrow \text{peek}(q)
       for v in adjacent(G, u) do
          if not IsMarked(v) then
              MARK(v); enqueue(q, v)
          end if
       end for
       dequeue(q)
   end while
end function
```

19 Généralités

- Définitions
- Représentations

20 Algorithmes

- Opérations
- Parcours d'un graphe
- Arbre couvrant

Arbre couvrant



Définition (Arbre couvrant)

Un arbre couvrant (spanning tree) A d'un graphe G est un graphe qui a les mêmes sommets que G, et dont les arêtes sont un sous-ensemble des arêtes de G et qui est un arbre, c'est-à-dire un graphe connexe sans cycle.

Remarques

- On va voir ici comment construire un arbre couvrant dans le cas d'un graphe G non valué. Il existe des algorithmes qui permettent, pour un graphe G valué de contruire des arbres couvrants de poids minimal (Minimum Spanning Tree).
- Les arbres couvrants sont utilisés notamment en réseau pour communiquer sur des réseaux locaux en évitant les boucles, grâce au Spanning Tree Protocol (STP).

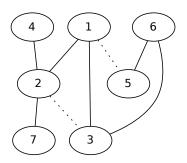


Arbre couvrant

Principe

Arbre couvrant

L'idée pour construire un arbre couvrant est de parcourir le graphe en profondeur à partir d'un nœud r et de construire un tableau p dans lequel p[i] est le père de i dans l'arbre.



Exemple (Arbre couvrant)

i	p[i]
4	-
2	4
1	2
1 3 6 5	1
6	3 6
5	6
7	2



Algorithme

Arbre couvrant

Arbre couvrant

```
function SpanningTree(G, s, p)

Mark(s)

for u in adjacent(G, s) do

if not IsMarked(u) then

p[u] \leftarrow s

SpanningTree(G, u, p)

end if

end for

end function
```

Dixième partie

Plus court chemin dans un graphe

Plan de ce cours

- 21 Problème
 - Définition du problème
- 22 Algorithme de Bellman-Ford
 - Présentation
 - Analyse
- 23 Algorithme de Dijkstra
 - Présentation
 - Analyse

Plan

- 21 Problème
 - Définition du problème
- 22 Algorithme de Bellman-Ford
 - Présentation
 - Analyse
- 23 Algorithme de Dijkstra
 - Présentation
 - Analyse

Plus court chemin dans un graphe



Définition du problème

Définition

Problème Plus court chemin dans un graphe

Données: un graphe G = (V, E) valué, un sommet initial s, et un sommet final f

Résultat : le plus court chemin depuis s jusqu'à f

Cette version du problème s'appelle *plus court chemin entre deux sommets* (single-pair shortest path problem). Il existe des variantes :

- plus court chemin depuis une source (single-source shortest path problem) où on doit trouver le plus court chemin depuis une source vers tous les sommets du graphe
- plus court chemin entre tous les sommets (all-pairs shortest path problem) où on doit trouver le plus court chemin entre toutes les paires de sommets du graphe



Plus court chemin dans un graphe



Que signifie «court»?

Court?

- Le graphe G = (V, E) est valué, c'est-à-dire qu'il existe une fonction $w : E \to \mathbb{R}$ qui donne la valuation de chaque arête. On l'appelle aussi le poids (weight).
- Soit $P = (u_1, u_2, ..., u_k)$ un chemin dans G, on peut définir w(P) par :

$$w(P) = \sum_{i=1}^{\kappa-1} w(u_i, u_{i+1})$$

■ Soit \mathcal{P}_s^f l'ensemble des chemins entre les sommets s et f, le plus court chemin P^* entre s et f est défini par :

$$P^* = \arg\min_{P \in \mathcal{P}_{\varepsilon}^f} w(P)$$



Plus court chemin dans un graphe

Considérations pratiques

Considérations pratiques

Nous allons voir deux algorithmes de plus court chemin (depuis une source) :

- l'algorithme de Bellman-Ford
- l'algorithme de Dijkstra

En pratique, ces algorithmes ne vont pas renvoyer un seul chemin mais tous les chemins depuis la source. De plus, on a souvent besoin de connaître les distances entre les sommets et la source. Donc, chaque algorithme calculera :

- \blacksquare un tableau π qui donne pour chaque sommet son prédecesseur dans le plus court chemin
- un tableau d qui donne pour chaque sommet sa distance depuis la source



Plus court chemin dans un graphe

Initialisation des résultats

Initialisation des résultats

```
function INITRESULTS(d, \pi)

for v \in V do

d[v] \leftarrow +\infty

\pi[v] \leftarrow \varnothing

end for

end function
```

Plan

- 21 Problème
 - Définition du problème
- 22 Algorithme de Bellman-Ford
 - Présentation
 - Analyse
- 23 Algorithme de Dijkstra
 - Présentation
 - Analyse



Algorithme de Bellman-Ford

Généralités

- L'algorithme de Bellman-Ford a été inventé en 1956 par Lester Ford Jr, puis en 1958 par Richard Bellman.
- Il permet de trouver un plus court chemin depuis une source.
- Son grand avantage est qu'il s'applique à des graphes valué quelconque, et qu'il est capable de détecter des cycles négatifs.





Algorithme

Algorithme

```
function BellmanFord(G, s)
    InitResults(d, \pi)
   d[s] \leftarrow 0
   for i from 1 to |V| - 1 do
       for (u, v) \in E do
           if d[v] > d[u] + w(u, v) then
               d[v] \leftarrow d[u] + w(u,v); \pi[v] \leftarrow u
           end if
       end for
    end for
    return HasCycle(G, d)
end function
```

Algorithme de Bellman-Ford



Détection de cycle

Détection de cycle

```
function \operatorname{HASCYCLE}(G, d)
for (u, v) \in E do
if d[v] > d[u] + w(u, v) then
return true
end if
end for
return false
end function
```

Algorithme de Bellman-Ford

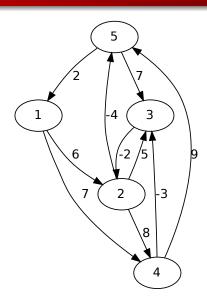
Remarque

Dans le cas où il n'y a pas de cycle, on peut arrêter la boucle principale s'il n'y a pas eu de mise à jour du tableau d au cours de la boucle précédente.





Algorithme de Bellman-Ford





Plan

- 21 Problème
 - Définition du problème
- 22 Algorithme de Bellman-Ford
 - Présentation
 - Analyse
- 23 Algorithme de Dijkstra
 - Présentation
 - Analyse

Preuve

Idée de la preuve de l'algorithme

Algorithme de Bellman-Ford

On prouve l'algorithme en montrant par récurrence qu'après la i^e boucle :

- I si d[u] n'est pas $+\infty$, c'est la distance d'un chemin de s à u;
- 2 s'il existe un chemin de s à u d'au plus i arêtes, alors d[u] est au plus la distance du plus court chemin de s à u avec au plus i arêtes.

Algorithme de Bellman-Ford

Complexité

Complexité

Pour un graphe G = (V, E), l'algorithme effectue :

- lacksquare O(|V|) opérations pour l'initialisation
- $O(|V| \times |E|)$ opérations pour la partie principale
- O(|E|) opérations pour la détection de cycle

Donc, la complexité de l'algorithme de Bellman-Ford est :

$$O(|V| \times |E|)$$

Pour un graphe dense, la complexité de Bellman-Ford est :

$$O(|V|^3)$$



Plan

- 21 Problème
 - Définition du problème
- 22 Algorithme de Bellman-Ford
 - Présentation
 - Analyse
- 23 Algorithme de Dijkstra
 - Présentation
 - Analyse

Généralités

Algorithme de Dijkstra

Généralités

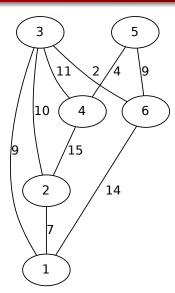
- L'algorithme de Dijkstra a été inventé en 1956, et publié en 1959 par Edsger Dijkstra.
- Il permet de trouver un plus court chemin depuis une source.
- Il a une meilleure complexité que l'algorithme de Bellman-Ford mais il ne s'applique qu'au graphe valué avec des valeurs positives.

Algorithme

Algorithme

```
function DIJKSTRA(G, s)
   InitResults(d, \pi)
   d[s] \leftarrow 0; INIT(q, V)
   while not empty(q) do
       u \leftarrow \text{EXTRACTMIN}(q)
       for v \in succ(u) do
           if d[v] > d[u] + w(u, v) then
               d[v] \leftarrow d[u] + w(u, v) : \pi[v] \leftarrow u
               DecreaseKey(q, v)
           end if
       end for
   end while
end function
```

Exemple





Plan

- 21 Problème
 - Définition du problème
- 22 Algorithme de Bellman-Ford
 - Présentation
 - Analyse
- 23 Algorithme de Dijkstra
 - Présentation
 - Analyse

Complexité

Complexité

Pour un graphe G=(V,E), l'algorithme parcoure chaque sommet une fois dans la boucle principale et parcoure au maximum une fois chaque arête dans la condition. Donc, l'algorithme effectue :

- lacksquare O(|V|) appels à EXTRACTMIN
- ullet O(|E|) appels à DECREASEKEY

Tout dépend donc de la manière dont on implémente la structure q. Il est possible d'utiliser :

- une liste chaînée
- un tas

Complexité avec une liste chaînée

Complexité avec une liste chaînée

Avec une liste chaînée :

- lacksquare la fonction EXTRACTMIN a une complexité en O(|V|)
- \blacksquare la fonction DecreaseKey a une complexité en O(1)

Donc, la complexité de l'algorithme de Dijkstra est :

$$O(|V|^2 + |E|) = O(|V|^2)$$

Complexité avec un tas

Complexité avec un tas

Avec un tas:

- la fonction EXTRACTMIN a une complexité en $O(\log |V|)$
- la fonction DecreaseKey a une complexité en $O(\log |V|)$

Donc, la complexité de l'algorithme de Dijkstra est :

$$O((|V|+|E|)\times\log|V|)$$

Remarque

Il existe des tas dont l'implémentation permet d'avoir une fonction DECREASEKEY en O(1) amorti, ce qui amène à une complexité de $O(|V|\log|V|+|E|)$.



Onzième partie

Le langage C++

Plan de ce cours

- 24 Le langage C++
 - Généralités
 - Éléments du langage
 - Éléments de la bibliothèque standard

24 Le langage C++

- Généralités
- Éléments du langage
- Éléments de la bibliothèque standard

Historique du C++

Historique du C++

- 1979 : Création du «C with Classes», par Bjarne Stroustrup
- 1983 : «C with Classes» devient C++
- 1998 : Normalisation par l'ISO, C++98
- \blacksquare 2003 : Mise à jour de la norme : C++03
- 2007 : Ajout d'un rapport technique : C++ TR1
- \blacksquare 2011 : Mise à jour de la norme : C++11
- 2014 : Mise à jour mineure de la norme : C++14
- 2017 : Mise à jour de la norme : C++17
- 2020 : Mise à jour de la norme : C++20
- 2023 : Mise à jour (imminente) de la norme : C++23
- 2026 : Mise à jour (prévue) de la norme : C++26



Langage C++

Langage C++

- Compatible avec C (largement)
- Programmation procédurale
- Programmation orienté objet
- Programmation générique
- Et bien plus!

Quelques pointeurs utiles

- Le langage C++, Henri Garreta http://henri.garreta.perso.luminy.univmed.fr/
- C++ Reference http://en.cppreference.com/w/cpp
- C++ FAQ http://isocpp.org/faq

Plan

- 24 Le langage C++
 - Généralités
 - Éléments du langage
 - Éléments de la bibliothèque standard

Éléments bas niveau du langage

Eléments bas niveau du langage

- Type bool
- Opérateurs new et delete int *ptr = new int; delete ptr;
- Valeurs par défaut pour les paramètres de fonctions int myfunc(int a, float b = 3.14, bool c = false);
- Fonctions inline inline int abs(int x) { return $x > 0 ? x : -x; }$

Espaces de noms

- Possibilité de définir des espaces de nom via namespace namespace foo { struct bar { int baz; }; } foo::bar var:
- La bibliothèque standard est dans l'espace de nom std

Remarque

- Ne pas utiliser using namespace std; comme on le voit dans beaucoup de tutoriels!
- Les espaces de noms ont une utilité!

Références

Références

- Pour tout type T, il est possible de définir une référence sur T, noté T&
- Une référence est une sorte de pointeur non-nul, mais s'utilise comme une variable normale

```
int i = 1;
int& j = i;
j = 2;
```

Utilisés dans les paramètres d'une fonction ou pour le type de retour void do(const BigType& obj); int& get(const char *name); get("toto") = 3;

Déclaration d'une classe

```
class Foo {
public:
 Foo(); // constructeur
 Foo(const Foo&); // constructeur par copie
  ~Foo(); // destructeur
 Foo& operator=(const Foo&); // affectation
 void public method();
 void const method() const;
private:
 void private_method();
};
```

Remarques

- class et struct sont synonymes. Seule différence : la visibilité par défaut est public pour struct et private pour class.
- Les méthodes ne sont pas polymorphes par défaut, nécessité de mettre le mot-clef virtual

```
class Bar {
public:
   void method(); // normale
   virtual void virtual_method(); // virtuelle
   virtual void pure_method() = 0; // virtuelle pure
}
```

Héritage

■ Héritage simple

```
class Baz : public Bar {
public:
   void method();
   virtual void virtual_method();
   virtual void pure_method();
}
```

Héritage multiple (à éviter)
class Qux : public Baz, public Foo {
}

Définition

Définition

```
Foo::Foo() { }
Foo::~Foo() { }
void Foo::public_method() { }
void Foo::const_method() const { }
void Foo::private_method() { }
```

Classes

Initialisation

Initialisation

```
class Toto {
public:
  Toto(int data);
private:
  int m data;
}
Toto:Toto(int data) {
  m data = data; // NON !
}
Toto:Toto(int data) : m_data(data) // OUI !
{ }
```

Classes

this

this

- Dans une méthode d'une classe C, this a le type C* pour les méthodes non-const et const C* pour les méthodes const
- Rarement utilisé

Templates

Templates

- Les templates permettent une programmation générique
- Template de fonctions

```
template<typename T>
T max(T a, T b) {
  if (a < b) {
    return b;
  }
  return a;
}</pre>
```

Templates

Templates

■ Template de classes

```
template<typename T>
class Gruik {
   Gruik();
private:
   T m_data;
}
```

Exceptions

Exceptions

- Il existe des exceptions en C++
- throw pour envoyer une exception
- try { ... } catch (...) { ... }
- Pas de déclaration systématique pour les fonctions
- Des exceptions standards
- À éviter au maximum!

Run-time Type Information (RTTI)

Run-time Type Information (RTTI)

- Il est possible d'accéder à des informations sur les classes à l'exécution
- typeid(expr)
- Ajoute un surplus en terme de mémoire
- Peut être désactivé à la compilation avec -fno-rtti

Transtypage

- Plus sûr qu'en C
- static_cast<T>(expr) : à peu près l'équivalent du transtypage C (T) expr
- dynamic_cast<T>(expr) : transtype des types de classes filles avec vérification à l'exécution (en utilisant le RTTI)
- const_cast<T>(expr) : pour changer l'attribut const d'une expression
- reinterpret_cast<T>(expr) : pour des choses dangereuses (pointeur vers entier, etc)

24 Le langage C++

- Généralités
- Éléments du langage
- Éléments de la bibliothèque standard

<string>

<string>

- Un vrai type chaîne de caractère : std::string
- Avec toutes les opérations attendues :
 - copie
 - sous-chaîne
 - recherche
 - concaténation
- En fait, std::basic_string<char>

<iostream>

<iostream>

- Bibliothèque d'entrée/sortie à base de flux
- Types disponibles :
 - std::ostream : flux en écriture, en particulier std::ofstream
 - std::istream : flux en lecture, en particulier std::ifstream
- Fondée sur les opérateurs d'extraction (>>) et d'envoi (<<) dans le flux, définis pour tous les types de base et définissable pour les types utilisateurs std::ostream& operator<<(std::ostream&, const Foo&);
- std::cin, std::cout, std::cerr : flux standard

<iostream>

Hello World

```
#include <iostream>
int main() {
  std::cout << "Hello World!" << std::endl;
  return 0;
}</pre>
```

Hello World

```
#include <iostream>
int main() {
   std::cout << "Alice a " << 20 << " ans";
   std::cout << " et mesure " << 1.70 << "m" << std::endl;
   return 0;
}</pre>
```

Standard Template Library

Standard Template Library (STL)

- Bibliothèque avec
 - des conteneurs
 - des itérateurs
 - des algorithmes génériques
- Conçue par Alexander Stepanov en 1992–1993
- Fondée sur les templates
- Une brique de base essentielle à utiliser!

Conteneurs séquentiels

std::vector<T> dans <vector>

Standard Template Library

- std::list<T> dans <list>
- std::deque<T> dans <deque>

Conteneurs associatifs

- std::set<T> et std::multiset<T> dans <set>
- std::map<K,V> et std::multimap<K,V> dans <map>

Adaptateurs de conteneurs

- std::stack<T> dans <stack>
- std::queue<T> et std::priority queue<T> dans <queue>



Itérateurs

Itérateurs

- Un itérateur est une abstration d'un pointeur
- Chaque conteneur C<T> définit un type itérateur C<T>::iterator
- Chaque conteneur a des méthodes begin() et end() qui renvoie respectivement un itérateur sur le début et la fin du conteneur
- Permet de parcourir les données d'un conteneur for (C<T>::iterator it = c.begin(); it != c.end(); ++it)
- L'accès à la donnée se fait par l'opérateur * (*it) ou par l'opérateur ->
 (it->field) pour l'accès aux champs ou aux méthodes de la donnée de type
 T

Standard Template Library

Algorithmes génériques

Algorithmes génériques

- Algorithmes avec template prenant en paramètre des itérateurs
- Non-modifiant: std::for_each, std::count, std::find, etc.
- Modifiant: std::copy, std::transform, std::reverse, std::unique, etc.
- Partition et tri : std::partition, std::sort
- Recherche dichotomique : std::lower_bound, std::upper_bound, std::binary_search
- Ensemble ordonné : std::merge, std::includes, etc.
- Numérique : std::accumulate, std::inner_product, std::partial_sum

Bibliothèque standard du C

Bibliothèque standard du C

- Accès aux fonctions de la bibliothèque standard du C
- En-tête spéciaux : <cstdio>, <cstdlib>, <cmath>, <cassert>
- Plongé dans l'espace de nom std. Exemple : std::printf

C'est tout pour le moment...

Des questions?