Matematički fakultet Univerzitet u Beogradu

Bezbedno traženje biomarkera korišćenjem hibridne homomorfne enkripcione šeme

Una Stanković una_stankovic@yahoo.com

June 9, 2017

Sadržaj



Uvod

Postavka problema

Pretraga i izvlačenje podataka iz baze Bezbedna pretraga biomarkera

Literatura

Uvod



Motivacija

- brz razvoj tehnologija sekvenciranja genoma
- pristup velikim skupovima genoma
- veliki potencijal u razvoju biomedicinskih istraživanja
- primene u:
 - medicini,
 - biomedicinskim istraživanjima,
 - uslugama koje se direktno pružaju korisnicima,...

Uvod





Figure: Idejni prikaz.

Homomorfna enkripcija



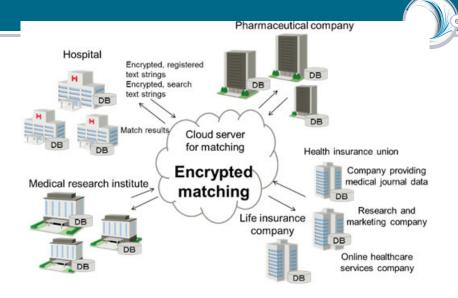
Osnovna ideja

- izvodimo operacije nad enkriptovanim tekstom
- dobijamo enkriptovani rezultat
- dekriptujemo dobijeni rezultat
- konačni rezultat je isti kao da smo primenili operacije nad neekriptovanim tekstom

Zadatak



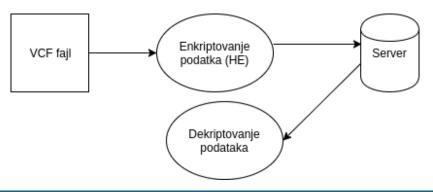
Zadatak je da se na bezbedan način izračuna verovatnoća genetskih bolesti kroz uparivanje skupa biomarkera sa enkriptovanim genomima koji se čuvaju u javnom "oblaku"(engl. cloud).



Postupak

Uslovi

- proces uparivanja mora biti izvršen korišćenjem homomorfne enkripcije
- 2. serveru se ne smeju otkriti informacije o bazi ili upitu



Pretraga i izvlačenje podataka iz baze Osnovna ideja



- ▶ Baza je skup n torki
- Svaka torka se sastoji iz (d_i, α_i)
- d_i pripadaju nekom domenu, α_i su odgovarajuće vrednosti atributa u prostoru običnog teksta
- Pojednostavljeni upit za pretragu : odaberi α_i ako postoji indeks i takav da je d_i = d, inače nula.

Bezbedna pretraga biomarkera

Enkodiranje informacija o genomu



- VCF fajl sadrži informacije o genotipu: (ch_i,pos_i, SNPs_i) tj. broj hromozoma, pozicije i sekvence SNP alela (koji moraju biti A, T, G ili C)
- ► Upit korisnika je, isto, triplet ovakvog oblika
- Cilj je da odredimo postoji li ili ne prisustvo odgovarajućeg biomarkera u fajlu iz baze
- ▶ n_SNP je maksimalni broj alela, koje kodiramo kao:

$$A \rightarrow 00, T \rightarrow 01, G \rightarrow 10, C \rightarrow 11$$

- Stavljamo bit 1 na početak stringa sa leve strane da označimo početnu poziciju
- ▶ Popunjavamo string dužine $I_{SNP} = 2n_{SNP} + 1$ i konvertujemo dobijeno u ceo broj, označen sa α_i

Literatura



 Jung Hee Cheon, Miran Kim, Yongsoo Song, "Secure Searching of Biomarkers Using Hybrid Homomorphic Encryption Scheme" http://eprint.iacr.org/2017/294.pdf

