Algorithmes gloutons

LU3IN003 - Algorithmique Licence d'Informatique

Chargés de cours : Fanny Pascual, Olivier Spanjaard

Algorithme glouton

Algorithme glouton: Algorithme qui effectue une suite de choix, tels qu'à chaque étape un choix "localement" optimal est effectué et n'est pas remis en question par la suite.

Exemples:

- Algorithme de Dijkstra : à chaque étape le sommet ouvert le plus proche de la racine est ajouté à l'arborescence courante.
- Algorithme de Prim : à chaque étape le sommet ouvert le plus proche de l'arbre courant est ajouté à l'arbre.

Algorithme glouton

Pour certains problèmes, il existe des algorithmes gloutons qui retournent des solutions optimales. On a alors les propriétés :

Propriété de choix glouton : il existe toujours une solution optimale qui contient un premier choix glouton.

→ On peut toujours arriver à une solution optimale en faisant un choix localement optimal.

Propriété de sous-structure optimale: trouver une solution optimale contenant le premier choix glouton se réduit à trouver une solution optimale pour un sous-problème de même nature.

Suite du cours : exemples

- Arbre couvrant de coût minimum : algorithme de Kruskal
- Compression de textes : algorithme de Huffman
- Ordonnancement d'intervalles : algorithme glouton

Algorithme de Kruskal



Joseph Kruskal (1928 - 2010)

Mathématicien, chercheur en informatique, et psychométricien.

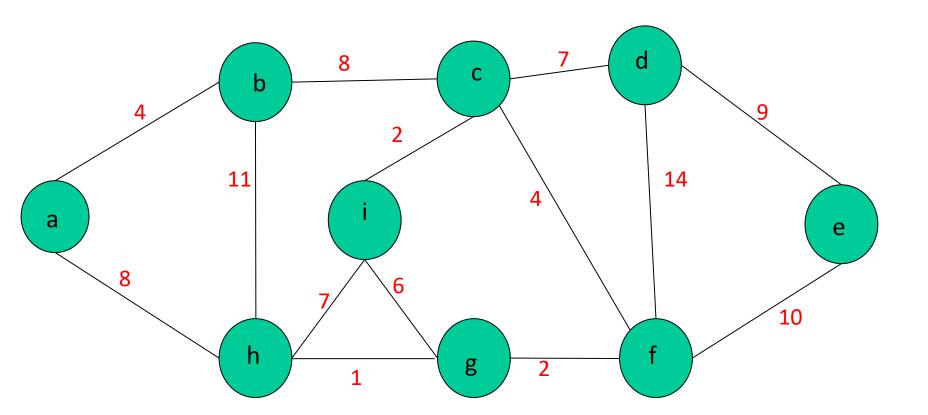
Travaille aux laboratoires Bell.

Algorithme de Kruskal

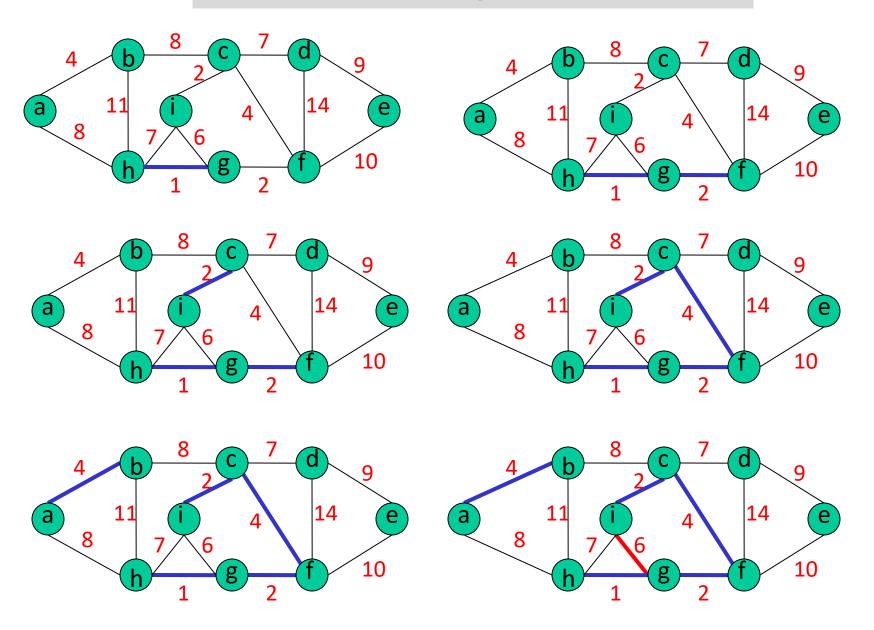
```
Principe de l'algorithme : (H est un arbre couvrant de coût minimum à la terminaison de l'algorithme )
```

```
Algorithme de Kruskal

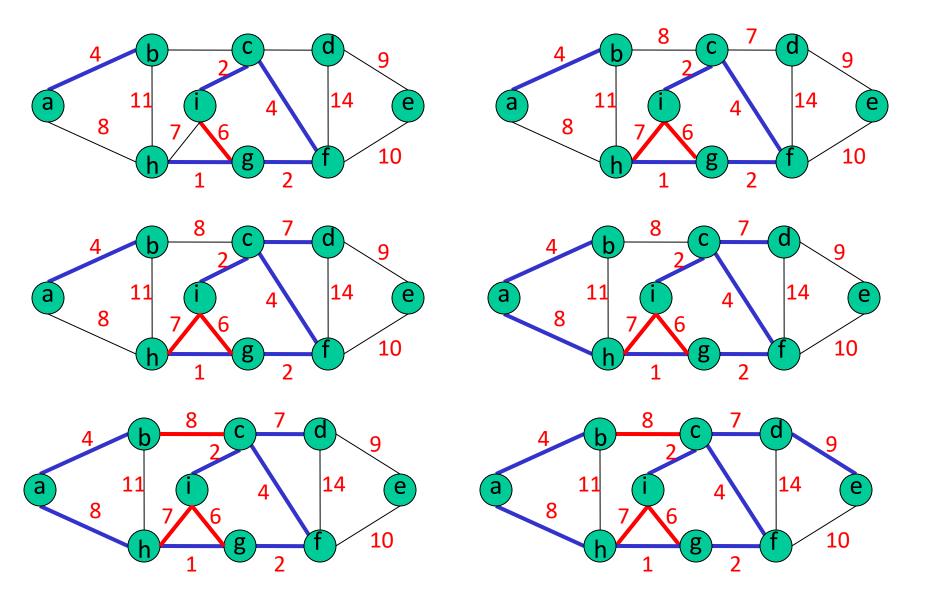
Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y}:
S'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H:
H = H U {x,y}
FinSi
```



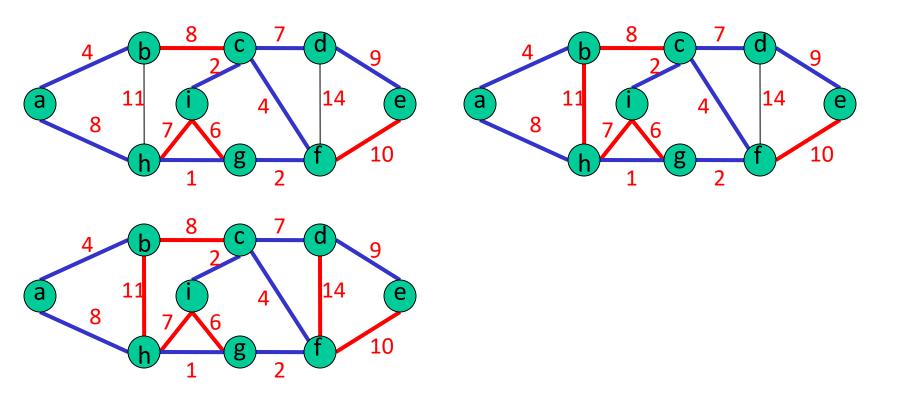
Une exécution de l'algorithme de Kruskal



Une exécution de l'algorithme de Kruskal (suite)



Une exécution de l'algorithme de Kruskal (fin)





Quelle est la complexité de l'algorithme de Kruskal?

```
Algorithme de Kruskal

Trier les arêtes par coût croissant;

H = arbre vide;

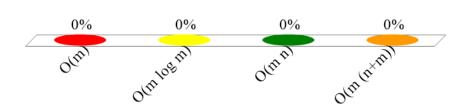
Examiner l'arête {x,y}:

s'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H

H = H U {x,y}

FinSi
```

- A. O(m)
- B. O(m log m)
- C. O(m n)
- D. O(m (n+m))



Complexité de l'algorithme de Kruskal

```
Algorithme de Kruskal

Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y}:
S'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H:
H = H U {x,y}
FinSi
```

Complexité de l'algorithme de Kruskal

```
Algorithme de Kruskal
Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y}:
S'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H:
H = H U {x,y}
FinSi
```

```
Trier (ensemble des arêtes) se fait en O(m log m)
Soit \alpha la complexité de la comparaison
« Composante connexe (x) = composante connexe (y) »
```

La complexité de l'algorithme est $O(m \log m + m \alpha)$ Montrons que la complexité est en $O(m \log m)$

Union-Find

On souhaite travailler sur les partitions de E={1, ..., n}

Exemple:

```
Partition = { {1,3}, {4}, {2,7,9}, {5,6,8,10} } classe d'équivalence 1 2 3 4
```

Etant donné une partition, on souhaite

- Trouver la classe d'équivalence d'un élément : méthode Find
- Fusionner deux classes d'équivalence : méthode Union

Union-Find

On souhaite travailler sur les partitions de E={1, ..., n}

Exemple:

```
Partition = { {1,3}, {4}, {2,7,9}, {5,6,8,10} } classe d'équivalence 1 2 3 4
```

Etant donné une partition, on souhaite

- Trouver la classe d'équivalence d'un élément : méthode Find
- Fusionner deux classes d'équivalence : méthode Union

Dans l'algorithme de Kruskal : E = ensemble des sommets.

- Deux sommets x et y sont dans une même composante connexe si Find(x)= Find(y)
- Si on choisit l'arête {x,y}, on fusionne deux composantes connexes en une : Union(x,y)

Algorithme de Kruskal avec Union-Find

```
Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y}:
s'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H
H = H U {x,y}
FinSi
```

```
Trier les arêtes par coût croissant;

H = arbre vide;

Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y} :

si Find(x) ≠ Find(y)

H = H U {x,y}

Union(x,y)

FinSi
```

Une solution peu efficace

On représente la partition par un tableau tab tel que tab[i] est le numéro de la classe d'équivalence de l'élément i.

$$P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$$
 classe 1 2 3 4

					6				
1	3	1	2	4	4	3	4	3	4

Quiz Quelle est la complexité de l'algorithme de Kruskal si on code Union-Find avec ce tableau?

```
Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y}
  si Find(x) \neq Find(y)
       H = H \cup \{x,y\}; \ Union(x,y)
  FinSi
```

- A. O(m)
- B. O(m log m)
- C. O(m n)
- D. O(m(n+m))

Une solution peu efficace

On représente la partition par un tableau tab tel que tab[i] est le numéro de la classe d'équivalence de l'élément i.

$$P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$$
 classe 1 2 3 4

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
1	3	1	2	4	4	3	4	3	4

Find: complexité en O(1)

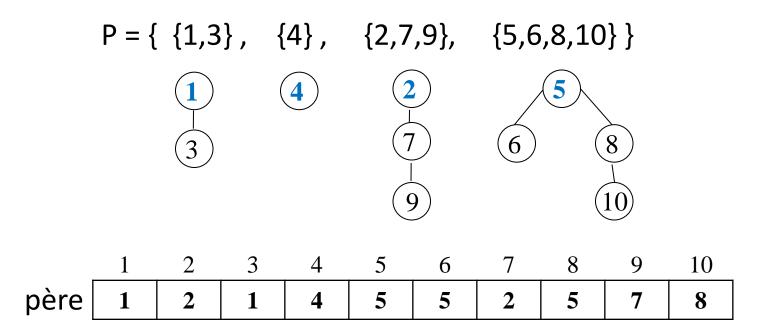
Union : complexité en O(n)

Une meilleure solution

On représente la partition par une forêt.

- Chaque arbre correspond à une classe d'équivalence.
- La racine de chaque arbre est le "représentant" de la classe.

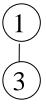
On représente la forêt par un tableau père, tel que père[i] est le père de l'élément i, en posant père[i]=i pour une racine.

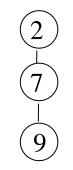


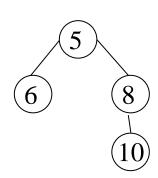
Find

```
fonction Find(entier x): entier;
Tant que (x \neq père[x])
       x := pere[x];
FinTantque
Retourner(x)
```

Exemple: Find(9)
$$P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$$



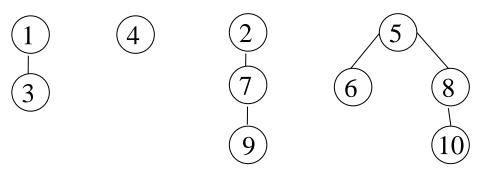


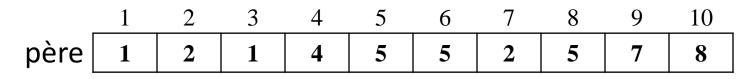


	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
père	1	2	1	4	5	5	2	5	7	8

Find

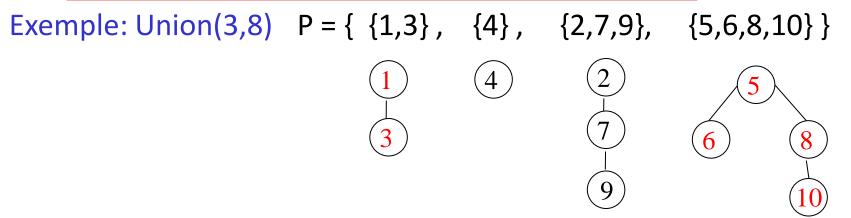
Exemple: Find(9) $P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$





père[9]=7; père[7]=2; père[2]=2; retourner(2)

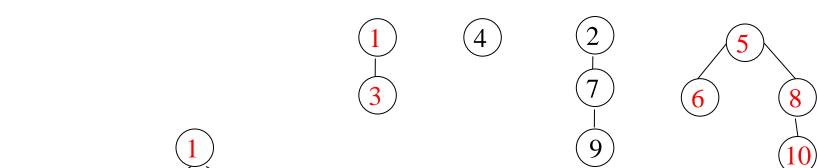
Union



L'opération Find s'effectue en temps O(h), où h est la hauteur de l'arbre. Pire cas : h= O(n)

Union

Exemple: Union(3,8) $P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$

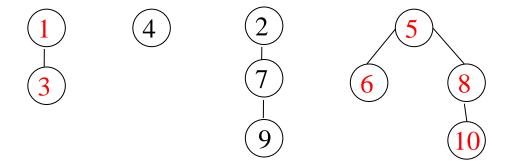


Find(3)=1 Find(8)=5 père[5]=1

L'opération Find s'effectue en temps O(h), où h est la hauteur de l'arbre. Pire cas : h= O(n)

Lors de l'union de deux arbres, la racine de l'arbre avec le moins de sommets devient fils de la racine de l'autre.

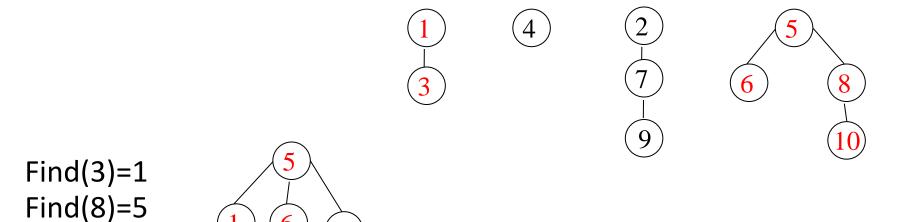
Exemple: Union(3,8) $P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$



père[1]=5

Lors de l'union de deux arbres, la racine de l'arbre avec le moins de sommets devient fils de la racine de l'autre.

Exemple: Union(3,8) $P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$



On maintient un tableau taille (initialisé à 1 si l'on part de classes singleton) : si i est une racine, taille[i] est le nombre de sommets de l'arbre de racine i.

```
procédure Union (entier x, entier y): entier;
r1 = Find(x);
r2 = Find(y);
Si (r1 \neq r2) alors
        Si (taille[r1])>taille[r2]) alors
                 père[r2] := r1;
                 taille[r1] :=taille[r1]+taille[r2]
        sinon
                 père[r1] := r2;
                 taille[r2] :=taille[r1]+taille[r2]
        FinSi
FinSi
```

La hauteur d'un arbre à n sommets créé par une suite d'unions pondérées est $\leq 1 + \lfloor \log_2(n) \rfloor$

Preuve: Par récurrence sur n

- *Cas de base :* vrai pour n=1.

La hauteur d'un arbre à n sommets créé par une suite d'unions pondérées est $\leq 1 + \lfloor \log_2(n) \rfloor$

- *Induction*: soit T un arbre obtenu par union pondérée d'un arbre à x sommets (avec 1≤x≤n/2) et d'un arbre à (n-x) sommets.

La hauteur d'un arbre à n sommets créé par une suite d'unions pondérées est $\leq 1 + \lfloor \log_2(n) \rfloor$

Preuve: Par récurrence sur n

- Cas de base : vrai pour n=1.

-Induction:

Soit T un arbre obtenu par union pondérée d'un arbre à x sommets (avec $1 \le x \le n/2$) et d'un arbre à (n-x) sommets. Hauteur(T) $\le \max(1 + \lfloor \log_2(n-x) \rfloor, 2 + \lfloor \log_2(x) \rfloor)$.

Or $\log_2(n-x) \le \log_2(n)$ et $\log_2(x) \le \log_2(n/2) \le \log_2(n)-1$ La hauteur de T est donc majorée par $1 + \lfloor \log_2(n) \rfloor$

Union et Find sont donc en O(log n)

Point sur la complexité de l'algorithme de Kruskal

```
Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y}:
si Find(x) ≠ Find(y)
H = H U {x,y}
Union(x,y)
FinSi
```

Point sur la complexité de l'algorithme de Kruskal

```
Trier les arêtes par coût croissant;
H = arbre vide;
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes {x,y} :
si Find(x) ≠ Find(y)
H = H U {x,y}
Union(x,y)
FinSi
```

Union et Find sont en O(log n)

Complexité de Kruskal : O(m log m + m log n)= O(m log m)

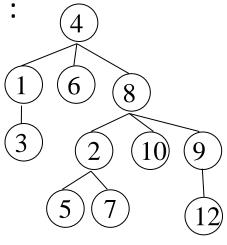
Et si les coûts des arêtes sont faibles (en O(m)), de façon à ce que Trier(ensemble des arêtes) se fasse en O(m)?
On cherche à améliorer la complexité de Union et Find.

Deuxième amélioration : compresser les chemins

Quand on remonte du sommet x vers sa racine r, on refait le parcours en faisant de chaque sommet rencontré un fils de r.

Exemple: Find(5)

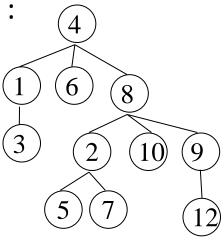
Arbre initial:



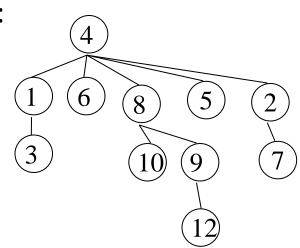
```
Arbre final:
```

Exemple: Find(5)

Arbre initial:



Arbre final:



Complexité de Union et Find ?

Complexité amortie : n opérations Union + m opérations Find se réalisent en temps $O(n + m \alpha(n,m))$, où α est une fonction qui croît très très lentement.

En effet, $\alpha(n,m)$ est la réciproque de la fonction d'Ackermann qui croît extrêmement vite: on a $\alpha(n,m) \le 4$ pour $n,m \le 2^{2048}$. En pratique, $\alpha(n,m)$ est donc une constante.

Complexité de l'algorithme de Kruskal?

Si on suppose que Tri(arêtes) est effectué en temps O(m).

On a alors n-1 operations Union et m operations Find pour n éléments : ceci se fait en $O(n + m \alpha(n,m))$.

Rappel: dans le cas général la complexité est en O(m log m).

Quiz

Soit G un graphe connexe. Quel algorithme choisir pour trouver un arbre couvrant de coût minimum de G si G est peu dense (m = 10 n) ?

- A. Algo de Prim sans tas
- B. Algo de Prim avec tas
- C. Algo de Kruskal avec union pondérée et compression de chemins
- Prim sans tas: O(n²)
- Prim avec tas : O(m log n)
- Kruskal:
- cas général : O(m log m)
- coûts des arêtes en O(n+m) : O(n + m α (n,m)).

Quiz

Quel algorithme choisir pour trouver un arbre couvrant de coût minimum de G si G est très dense $(m = 0.2 n^2)$?

- A. Algo de Prim sans tas
- B. Algo de Prim avec tas
- C. Algo de Kruskal avec union pondérée et compression de chemins
- Prim sans tas: O(n²)
- Prim avec tas : O(m log n)
- Kruskal:
- cas général : O(m log m)
- coûts des arêtes en O(n+m) : $O(n + m \alpha(n,m))$.

Quiz

Quel algorithme choisir pour trouver un arbre couvrant de coût minimum de G si G est peu dense et les coûts des arêtes sont inférieurs à 10m ?

- A. Algo de Prim sans tas
- B. Algo de Prim avec tas
- C. Algo de Kruskal avec union pondérée et compression de chemins
- Prim sans tas: O(n²)
- Prim avec tas : O(m log n)
- Kruskal:
- cas général : O(m log m)
- coûts des arêtes en O(n+m) : $O(n + m \alpha(n,m))$.

Ordonnancement d'intervalles

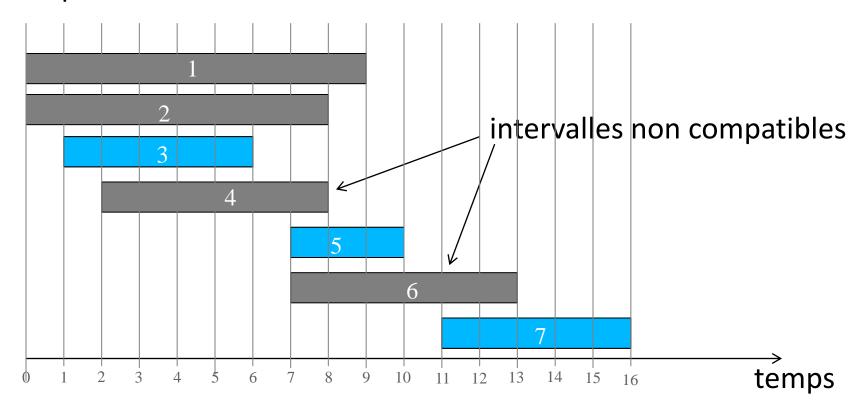
Application : Réservation de salle.

Une salle municipale peut être réservée par diverses associations. Chaque association indique un intervalle durant lequel elle souhaite disposer de la salle.

But: maximiser le nombre d'associations satisfaites.

Ordonnancement d'intervalles

- L'intervalle i commence en d_i et se termine en f_i.
- Deux intervalles sont compatibles s'ils ne s'intersectent pas.
- But : déterminer un sous-ensemble d'intervalles mutuellement compatibles de taille maximale.



Algorithme générique :

- Examiner les intervalles dans un ordre spécifique.
- Prendre chaque intervalle dans cet ordre s'il est compatible avec les intervalles déjà pris.
- L'intervalle le plus court d'abord : on considère les intervalles par ordre de (f_i d_i) croissant.
- L'intervalle qui a le moins de conflits d'abord : pour chaque intervalle i, soit c_i le nombre d'intervalles avec lesquels il est en conflit ; on considère les intervalles par ordre de c_i croissant.
- L'intervalle qui commence le plus tôt d'abord : on considère les intervalles par ordre de d_i croissant.
- l'intervalle qui se termine le plus tôt d'abord : on considère les intervalles par ordre de f_i croissant.

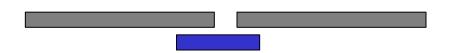
Quel algorithme glouton est optimal?

Il s'agit de l'algorithme glouton qui sélectionne d'abord l'intervalle ...

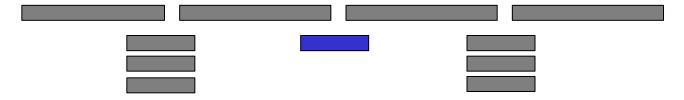
- A. le plus court
- B. qui a le moins de conflits
- C. qui commence le plus tôt
- D. qui se termine le plus tôt

- L'intervalle le plus court d'abord : contre-exemple

- L'intervalle le plus court d'abord : contre-exemple



- L'intervalle qui a le moins de conflits d'abord : contre-exemple



- L'intervalle le plus court d'abord : contre-exemple



- L'intervalle qui commence le plus tôt d'abord : contre-exemple

Celui qui se termine le plus tôt d'abord

```
PlusPetiteDateDeFinDabord (n, d_1, d_2, ..., d_{n_1} f_{1_1} f_{2_1}, ..., f_{n_n})
```

Trier les intervalles par dates de fin t.q. $f_1 \le f_2 \le ... \le f_n$ IntervallesChoisis := \emptyset

```
Pour i allant de 1 à n
Si i est compatible avec IntervallesChoisis
IntervallesChoisis := IntervallesChoisis \cup {i}
```

Retourner IntervallesChoisis

Propriétés:

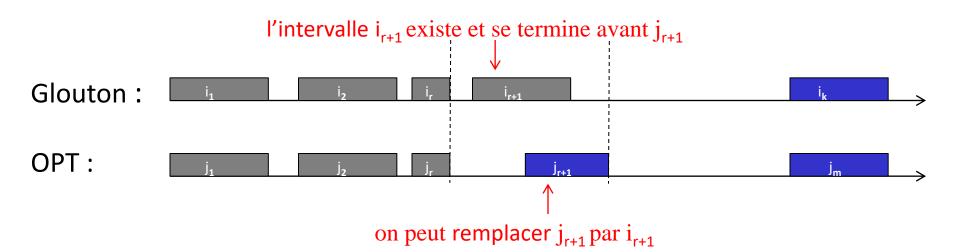
- On garde en mémoire l'intervalle k qui a été ajouté en dernier à IntervallesChoisis.
- L'intervalle j est compatible avec IntervallesChoisis ssi $d_j \ge f_k$
- Algorithme en O(n log n) (complexité du tri)

Analyse de l'algorithme

Théorème: L'algorithme qui considère les intervalles par ordre des f_i croissant est optimal.

Preuve: par l'absurde.

- Supposons que cet algorithme ne soit pas optimal.
- Soit i₁, i₂, ..., i_k les intervalles sélectionnés par cet algorithme.
- Soit j_1 , j_2 , ..., j_m les intervalles sélectionnés par un algorithme optimal avec $i_1 = j_1$, $i_2 = j_2$,..., $i_r = j_r$ avec r le plus grand possible.

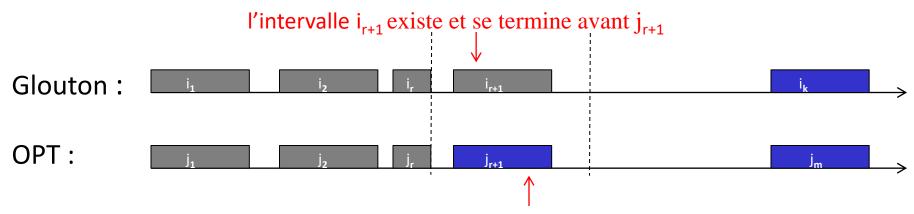


Analyse de l'algorithme

Théorème: L'algorithme qui considère les intervalles par ordre des f_i croissant est optimal.

Preuve: par l'absurde.

- Supposons que cet algorithme ne soit pas optimal.
- Soit i₁, i₂, ..., i_k les intervalles sélectionnés par cet algorithme.
- Soit j_1 , j_2 , ..., j_m les intervalles sélectionnés par un algorithme optimal avec $i_1 = j_1$, $i_2 = j_2$,..., $i_r = j_r$ avec r le plus grand possible.



Solution toujours réalisable et optimale (contredit le fait que r est maximal)