这是标题

陈烁龙 2022 年 8 月 10 日

目录

1	$\mathbf{R}\mathbf{A}$	NSCA														1
2	代码框架											1				
3	案例问题										2					
4	测试															3
插图																
	1	原始数据				٠	•					•				2
	2	解算结果														3

表格

1 RANSCA

RANSAC 算法假设数据中包含正确数据和异常数据 (或称为噪声)。该算法核心思想就是随机性和假设性,随机性是根据正确数据出现概率去随机选取抽样数据,根据大数定律,随机性模拟可以近似得到正确结果。假设性是假设选取出的抽样数据都是正确数据,然后用这些正确数据通过问题满足的模型,去计算其他点,然后对这次结果进行一个评分。该算法的步骤表述为:

- 1. 给出迭代次数和容许的误差阈值。容许的误 差阈值即我们可以接受的,点到拟合的曲线 的容许偏差。该值需要根据具体问题给出;
- 2. 根据要拟合的模型,随机选择最少的拟合数据集,拟合出一个初始的模型;
- 3. 根据当前拟合得到的模型和容许误差,选择 出符合点 (inliers)。如果符合点比较少,那 么抛弃掉当前的模型;
- 基于满足容许误差的数据点,再次拟合模型;
- 基于新的模型, 计算每个符合点的残差。而 后计算平均残差和作为该模型的衡量数值 (越小越好);
- 6. 重复迭代。迭代完成后,返回平均残差和最 小的模型。

当然,为了结果更优,可以加入均值漂移算 法。具体来说:

- 1. 基于 RANSAC 算法拟合的模型,选择出符合点 (inliers);
- 2. 基于满足容许误差的数据点,再次拟合模型;
- 3. 基于新的模型, 计算每个符合点的残差;
- 当相邻迭代之间的模型残差不再变化时,结束迭代;

2 代码框架

本次基于 RANSAC 算法, 给出了一般问题 的代码框架。用户只需要继承虚拟类并且重载一 些纯虚函数即可。具体的代码如下所示:

Listing 1: RANSAC 虚拟类

```
* @brief virtual class to solve ransac problem
    * @tparam ElemType the element type
    * @tparam EigenParamVecSize the param size [for 'eigen' vector
    * @tparam SubsetSize the minimum data set to fit the model
    template <typename ElemType, int EigenParamVecSize, int</pre>
         SubsetSize>
    class Ransac {
   public:
    // the default constructor
   Ransac() = default;
14
    public:
15
    /**
    * @brief solve a ransac problem with mean shift
17
    * @param data the dataset
    * @param modelParams the params for the final model ['eigen'
    \star @param modelAvgResiual the average resiual for the final
    * @param inlierResidualThd to decide an element is an outlier
         or an inlier
    * @param inliersRate the rate for inliners in the total
    * @param iterCount the loop count for ransac
    * @return true if the result is good
    * Oreturn false if some error happened when solving the ransac
          problem
    bool solveWithMeanShift(const std::vector<ElemType> &data,
    Eigen::Vector<double, EigenParamVecSize> &modelParams,
    double &modelAvgResiual,
    const double inlierResidualThd,
    const double inliersRate = 0.3,
    const std::size_t ransacIterCount = 20);
33
34
35 * @brief solve a ransac problem
36
    * @param data the dataset
    * @param modelParams the params for the final model ['eigen'
         vector type]
    \star @param modelAvgResiual the average resiual for the final
```

```
* @param inlierResidualThd to decide an element is an outlier
         or an inlier
    * @param inliersRate the rate for inliners in the total
         dataset
42
    * @param iterCount the loop count for ransac
43
    * @return true if the result is good
    * @return false if some error happened when solving the ransac
44
45
46
    bool solve(const std::vector<ElemType> &data,
47
    Eigen::Vector<double, EigenParamVecSize> &modelParams,
    double &modelAvgResiual,
    const double inlierResidualThd,
49
50
    const double inliersRate = 0.3.
    const std::size_t iterCount = 20);
52
53
    protected:
54
   virtual bool fit(const std::vector<ElemType> &subset,
55
   Eigen::Vector<double, EigenParamVecSize> &params) const = 0;
56
57
   virtual bool residual(const Eigen::Vector<double,</pre>
         EigenParamVecSize> &params,
58
    const ElemType &inlier,
59
    double &resiual) const = 0;
60
61
   private:
62
   // ...
63
   };
```

注意: 纯虚函数一共有两个。一个用于计算 残差,一个用来拟合模型。该两个纯虚函数会 在解算函数 solve(...) 和 solveWithMeanShift(...) 中使用。在对于具体问题时,用户只要继承该基 类,并且实现该两个纯虚函数即可。

3 案例问题

现在,使用 GPS 进行单点定位,基于具体的定位算法,在同一个点位多次进行平面位置的确定。由于误差的存在,当不存在粗差时,会呈现正态分布。但是,如果在定位的时候,有多路径效应,导致了巨大的系统误差,如下图所示。其中,绿色的是没有粗差时的测量点位,红色的点是存在粗差时的测量点位。现根据当前数据,给出所测点位的平面坐标平差结果。

为使用我们之前的 RANSAC 类, 我们需要继承它, 然后实现相应的算法。

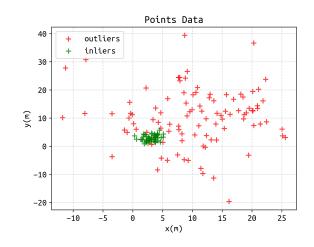


图 1: 原始数据

首先是拟合算法。我们使用最小二乘法。假设我们用 $p^i(x^i, y^i)$ 表示点集中的第 i 个测得的点,用 p(x, y) 表示点位真值。那么,误差函数为:

$$\begin{cases} e_x^i = x - x^i \\ e_y^i = y - y^i \end{cases}$$

即:

$$\begin{pmatrix} e_x^i \\ e_y^i \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1 & 0 \\ 0 & 1 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} x \\ y \end{pmatrix} - \begin{pmatrix} x^i \\ y^i \end{pmatrix}$$
$$\rightarrow V^i = B^i x - l^i$$

我们基于 $min(V^TV)$ 进行最小二乘法,那么有:

$$\begin{pmatrix} \hat{x} \\ \hat{y} \end{pmatrix} = (B^T B)^{-1} B^T l$$

$$= \frac{1}{n} B^T l$$

$$= \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n \binom{x^i}{y^i}$$

也就是说,所有点的重点即为最小二乘的平差结果。

其次是每一个点的残差,我们直接用拟合平 差结果和实际数据点的距离作为残差 (模型不符值)。即:

$$e^{i} = \sqrt{(x^{i} - \hat{x})^{2} + (y^{i} - \hat{y})^{2}}$$

4 测试

我们使用了三种方法进行测试,即:直接最小二乘法、最小二乘法+RANSAC、最小二乘法+RANSAC+MeanShift。结果如下图所示。

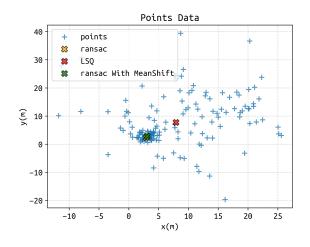


图 2: 解算结果

可见,当数据中存在粗差时,直接最小二乘法的结果是错误的。而最小二乘法+RANSAC 很大程度上改善了结果。而最小二乘法+RANSAC+MeanShift 结果是最优的。