

Pituitary tumor document

| nnUNet_Segmentation

| nnUNet_Colab.ipynb 是在 [Colab](#) 上运行的 nnUNet 模型，从数据准备到训练再到预测，最终得到的模型参数主要保存在 checkpoint_final.pth 文件中

| checkpoint_final.pth 是当前训练的 epoch 最多的一版本结果，4 折大概 80 epoches。

| fold_2 progress.png fold2 的训练过程

| fold_4 progress.png fold 4 的训练过程

| Classifier

| Radiomics-features.xlsx 第一种设置下提取到的所有的特征（参照 Pituitary_tumor.ipynb 代码）

| Radiomics-features2.xlsx 第二种设置下提取到的所有的特征参照 Pituitary_tumor.ipynb 代码）

| Tools

| TianTan Tools.exe 可执行文件，整合了几种数据变换的方式，方便直接获得适用于 nnUNet 训练的数据库

| tiantan.ico 用作 logo 的图像

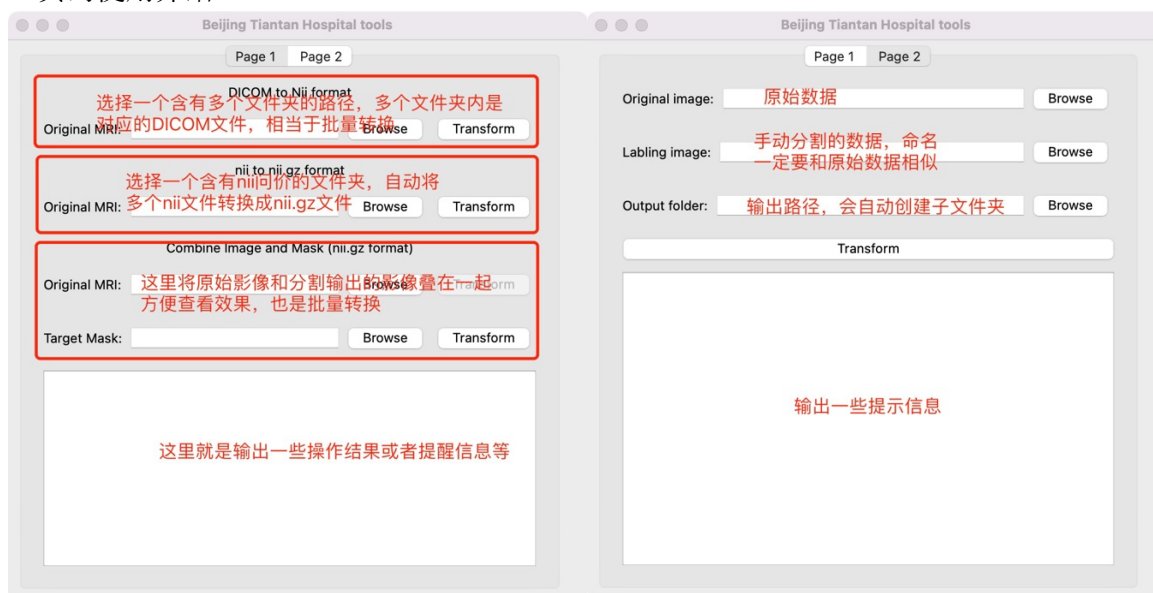
| TianTan.py 是生成 exe 文档的源文件

| Pituitary_tumor.ipynb 这是整个项目最主要的代码，其中包括数据处理，特征提取，分类器设计等，TianTan Tools 是可视化该代码中的一部分。

| Pituitary_tumor.pdf 是 Pituitary_tumor.ipynb 转成 pdf 的形式

| reference paper.pdf 是第一种方式特征提取和分类器设计的参考文献

小工具的使用介绍



Notes:

代码中依赖很多包需要自行安装，除此之外还有一些非核心文档没有包含在内如果需要的话可以再问我要，小工具因为时间原因设计的比较粗糙，有需要的话可以后面再优化。如果遇到别的问题都可以随时再联系我。