Pituitary tumor document

| nnUNet\_Segmentation

| nnUNet\_Colab.ipynb 是在[Colab](https://colab.google/) 上运行的nnUNet模型，从数据准备到训练再到预测，最终得到的模型参数主要保存在checkpoint\_final.pth文件中

| checkpoint\_final.pth 是当前训练的epoch最多的一版本结果，4折大概80 epoches。

|fold\_2 progress.png fold2的训练过程

| fold\_4 progress.pngfold 4 的训练过程

| Classifier

| Radiomics-features.xlsx 第一种设置下提取到的所有的特征（参照P ituitary\_tumor.ipynb 代码）

| Radiomics-features2.xlsx 第二种设置下提取到的所有的特征参照P ituitary\_tumor.ipynb 代码）

| Tools

|TianTan Tools.exe 可执行文件，整合了几种数据变换的方式，方便直接获得适用于nnUNet训练的数据库

|tiantan.ico 用作logo的图像

| TianTan.py 是生成exe文档的源文件

| Pituitary\_tumor.ipynb 这是整个项目最主要的代码，其中包括数据处理，特征提取，分类器设计等，TianTan Tools是可视化该代码中的一部分。

| Pituitary\_tumor.pdf 是Pituitary\_tumor.ipynb 转成pdf的形式

| reference paper.pdf 是第一种方式特征提取和分类器设计的参考文献

Notes:

代码中依赖很多包需要自行安装，除此之前还有一些非核心文档没有包含在内如果需要的话可以再问我要，小工具因为时间原因设计的比较粗糙，有需要的话可以后面再优化。如果遇到别的问题都可以随时再联系我。