Viruses - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Mold-protozoancoelenterate mitochondrial and mycoplasma spiroplasma

						•	• •			
Pearson correlation coefficient					_	Sp	1.00			
Σ-	0.072	-0.054	0.056	0.057	Σ-	0.024	-0.13	0.14	0.14	
> -	-0.0021	0.22	0.21	0.17	≥ -	-0.038	0.27	0.27	0.24	
U -	0.071	0.027	0.057	0.057	U -	0.096	-0.0087	0.055	0.081	- 0.75
Ω-	0.038	-0.099	-0.078	-0.061	Δ-	0.2	-0.12	-0.14	-0.12	
ш-	0.0086	-0.18	-0.047	-0.0083	ш -	-0.011	-0.22	-0.12	-0.058	- 0.50
ш-	0.057	-0.37	0.38	0.38	ш-	0.065	-0.38	0.38	0.38	- 0.30
ェ -	0.055	0.19	0.12	0.091	Ι-	0.075	0.19	0.14	0.15	
⊻ -	-0.039	-0.62	0.62	0.62	⊻ -	-0.098	-0.6	0.6	0.6	- 0.25
z -	-0.01	-0.58	0.59	0.6	z -	0.073	-0.53	0.53	0.53	
o acid Q	-0.042	0.023	0.22	0.23	ο -	-0.018	0.017	0.13	0.13	- 0.00
Amino acid Y Q	-0.037	-0.51	0.53	0.53	<b>&gt;</b> -	-0.017	-0.48	0.48	0.48	- 0.00
	-0.019	-0.66	0.7	0.7		0.0013	-0.62	0.62	0.62	
∢ -	0.075	0.67	0.67	0.67	∢ -	0.088	0.64	0.64	0.64	0.25
<b>ს</b> -	0.079	0.47	0.44	0.45	<b>ს</b> -	0.095	0.49	0.49	0.49	
<u>a</u> -	0.026	0.51	0.5	0.5	<u>a</u> -	0.12	0.52	0.52	0.52	0.50
⊢ -	0.095	0.082	0.18	0.17	⊢ -	0.18	0.1	0.13	0.088	-0.30
> -	0.097	0.13	0.14	0.12	> -	0.075	0.16	0.11	0.089	
	0.012	-0.02	0.021	0.021		0.065	-0.014	0.014	0.014	0.75
∝ -	-0.062	0.55	0.55	0.55	∝ -	-0.059	0.56	0.56	0.56	
<b>ω</b> -	0.034	-0.035	0.16	0.17	<b>ω</b> -	0.18	-0.011	0.18	0.19	-1.00
	Length -	- J9	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		Length -	- 29	- Ogen+GC	Codon+GC+Cost -	-1.00

Factor

Factor