Eukaryota - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Candidate division sr1 and gracilibacteria

	Pearson correlation coefficient					Spearman correlation coefficient					1 .00
Σ-	-0.1	-0.18	0.18	0.18	Σ-	-0.26	-0.13	0.13	0.13		1.00
≥ -	0.08	0.2	0.21	0.21	≥ -	0.15	0.21	0.21	0.21		
U -	-0.08	0.013	0.086	0.088	U -	-0.076	-0.057	0.17	0.21		- 0.75
Δ-	0.17	0.067	0.0041	-0.015	Δ-	0.43	0.056	-0.02	-0.071		
ш -	0.08	0.001	0.008	0.0085	ш -	0.15	-0.059	-0.024	-0.017		0.50
ш-	-0.13	-0.33	0.33	0.33	ш-	-0.12	-0.38	0.38	0.38		- 0.50
エ -	0.08	0.13	0.23	0.21	Ξ-	0.16	0.17	0.24	0.19		
⊻ -	-0.17	-0.41	0.41	0.41	⊻ -	-0.19	-0.37	0.37	0.37		- 0.25
z -	-0.063	-0.59	0.61	0.61	z -	0.039	-0.57	0.57	0.57		
acid Q	0.12	0.27	0.091	0.027	σ-	0.17	0.28	0.097	-0.0051		0.00
Amino acid Y Q	-0.095	-0.28	0.28	0.28	>	-0.037	-0.31	0.31	0.31		- 0.00
– -	-0.028	-0.62	0.63	0.63		0.0056	-0.61	0.61	0.61		
∢ -	0.087	0.64	0.64	0.64	∢ -	0.13	0.62	0.62	0.62		0.25
-	-0.029	0.28	0.28	0.28	ს -	0.099	0.33	0.33	0.33		
₫ -	0.1	0.34	0.34	0.34	- ۵	0.26	0.36	0.36	0.36		0.50
⊢ -	0.046	0.17	0.067	0.027	-	0.06	0.16	0.071	0.015		0.50
> -	0.025	0.2	0.11	0.066	> -	-0.041	0.2	0.017	0.011		
	0.012	-0.14	0.14	0.14		-0.1	-0.096	0.096	0.096		0.75
∝ -	0.15	0.31	0.3	0.3	∝ -	0.19	0.33	0.33	0.33		
S -	0.053	0.071	0.048	0.031	ა -	0.14	0.032	0.1	0.065		1.00
	Length -	- UB	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		Length -	- D9	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		1.00

Factor

Factor