Viruses - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Candidate division sr1 and gracilibacteria

		Pearson correlation coefficient				Spearman correlation coefficient					
Σ-	0.072	-0.054	0.056	0.057		0.024	-0.13	0.14	0.14		- 1.00
					Σ-						
≥ -	-0.0021	0.22	0.24	0.24	≥ -	-0.038	0.27	0.27	0.27		
U -	0.071	0.027	0.057	0.057	U -	0.096	-0.0087	0.055	0.081		- 0.75
Δ-	0.038	-0.099	-0.078	-0.061	Δ -	0.2	-0.12	-0.14	-0.12		
ш -	0.0086	-0.18	-0.047	-0.0083	ш-	-0.011	-0.22	-0.12	-0.058		- 0.50
ш -	0.057	-0.37	0.38	0.38	ഥ -	0.065	-0.38	0.38	0.38		0.50
ェ -	0.055	0.19	0.12	0.091	Ι-	0.075	0.19	0.14	0.15		
⊻ -	-0.039	-0.62	0.62	0.62	⊻ -	-0.098	-0.6	0.6	0.6		- 0.2
z -	-0.01	-0.58	0.59	0.6	z -	0.073	-0.53	0.53	0.53		
Amino acid Y Q	-0.042	0.023	0.22	0.23	σ-	-0.018	0.017	0.13	0.13		0.00
Aminc -	-0.037	-0.51	0.53	0.53	> -	-0.017	-0.48	0.48	0.48		- 0.0
` - -	-0.019	-0.66	0.7	0.7	- -	0.0013	-0.62	0.62	0.62		
∢ -	0.075	0.67	0.67	0.67	∢ -	0.088	0.64	0.64	0.64		- – 0.
ს -	0.079	0.47	0.45	0.45	ს -	0.095	0.49	0.49	0.49		
۵ -	0.026	0.51	0.5	0.5	- ۵	0.12	0.52	0.52	0.52		0
⊢ -	0.095	0.082	0.18	0.17	⊢ -	0.18	0.1	0.13	0.088		- – 0.
> -	0.097	0.13	0.14	0.12	> -	0.075	0.16	0.11	0.089		
_ -	0.012	-0.02	0.021	0.021		0.065	-0.014	0.014	0.014		- – 0.
∝ -	-0.062	0.55	0.55	0.55	∝ -	-0.059	0.56	0.56	0.56		
S -	0.034	-0.035	0.16	0.17	ν -	0.18	-0.011	0.18	0.19		,
	Length -	- 29	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		Length -	- J9	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		1

Factor

Factor