Bacteria - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Condylostoma nuclear

Pearson correlation coefficient						Spearman correlation coefficient				
Σ-	-0.28	-0.1	0.17	0.17	Σ-	-0.22	-0.16	0.18	0.18	1.00
≫ -	0.18	0.27	0.19	0.17	≥ -	0.22	0.37	0.23	0.21	
O -	-0.11	-0.077	0.12	0.12	U -	-0.062	-0.15	0.2	0.19	- 0.75
Δ-	0.16	0.31	-0.12	-0.16	Δ-	0.26	0.35	-0.21	-0.23	
ш -	-0.061	-0.21	0.14	0.17	ш-	-0.081	-0.26	0.11	0.15	- 0.50
ш-	0.094	-0.46	0.45	0.45	ш-	0.035	-0.61	0.61	0.61	- 0.50
Ι-	0.022	0.26	-0.032	-0.065	т-	0.088	0.34	0.0091	-0.025	
⊻ -	-0.1	-0.82	0.83	0.83	⊻ -	-0.22	-0.83	0.83	0.83	- 0.25
z -	0.11	-0.76	0.77	0.77	z -	-0.018	-0.83	0.83	0.83	
Amino acid Y Q	-0.094	-0.044	0.084	0.078	ο -	-0.097	-0.098	0.098	0.098	- 0.00
Amine Y	0.24	-0.54	0.54	0.54	> -	0.1	-0.62	0.62	0.62	- 0.00
	-0.082	-0.82	0.82	0.82		-0.16	-0.86	0.86	0.86	
∢ -	0.0085	0.83	0.82	0.82	∢ -	0.098	0.86	0.86	0.86	0.25
ს -	0.1	0.65	0.64	0.64	ს -	0.23	0.73	0.73	0.73	
₫ -	0.023	0.64	0.64	0.64	ᅀ -	0.19	0.77	0.77	0.77	- 0.50
⊢ -	0.19	0.13	0.067	0.049	⊢ -	0.19	0.15	0.053	0.043	0.50
> -	-0.11	0.46	-0.035	-0.094	> -	-0.013	0.53	-0.088	-0.14	
- -	-0.057	0.15	-0.14	-0.14	- L	-0.053	0.21	-0.21	-0.21	0.75
~ -	-0.073	0.69	0.7	0.7	~ -	-0.017	0.76	0.76	0.76	
S -	0.094	-0.39	0.051	0.1	ν -	0.017	-0.49	0.13	0.17	1.00
	Length -	- OB Fac	- Ogon+GC	Codon+GC+Cost -		Length -	- OB Fac	- Og+uopoO	Codon+GC+Cost -	1.00