Eukaryota - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Candidate division sr1 and gracilibacteria

	Pearson correlation coefficient					Spearman correlation coefficient					- 1.00
∑ -	-0.16	-0.19	0.21	0.21	∑ -	-0.31	-0.16	0.16	0.16		1.00
≥ -	0.073	0.21	0.23	0.23	≥ -	0.14	0.22	0.22	0.22		
U -	-0.11	0.012	0.12	0.13	U -	-0.13	-0.089	0.21	0.24		- 0.75
Δ-	0.18	0.043	-0.0097	-0.023	Δ -	0.38	0.03	-0.033	-0.078		
ш -	0.07	-0.009	0.015	0.019	ш -	0.13	-0.065	-0.026	-0.03		- 0 50
ш -	-0.17	-0.36	0.35	0.35	ш-	-0.18	-0.4	0.4	0.4		- 0.50
エ -	0.074	0.13	0.24	0.22	Ι-	0.15	0.15	0.22	0.16		
⊻ -	-0.21	-0.43	0.43	0.43	⊻ -	-0.2	-0.38	0.38	0.38		- 0.25
z -	-0.1	-0.62	0.63	0.64	z -	-0.031	-0.6	0.6	0.6		
Amino acid Y Q	0.12	0.25	0.12	0.066	♂ -	0.19	0.25	0.13	0.023		- 0.00
Amine ≺	-0.12	-0.28	0.28	0.28	> -	-0.055	-0.29	0.29	0.29		- 0.00
	-0.05	-0.64	0.65	0.66		-0.053	-0.63	0.63	0.63		
∢ -	0.096	0.66	0.67	0.67	∢ -	0.12	0.65	0.65	0.65		0.25
ტ -	-0.031	0.27	0.27	0.27	ს -	0.11	0.34	0.34	0.34		
₾ -	0.088	0.36	0.36	0.36		0.25	0.4	0.4	0.4		0.50
⊢ -	0.036	0.17	0.076	0.038	⊢ -	0.038	0.19	0.082	0.029		-0.50
> -	0.028	0.17	0.11	0.072	> -	-0.035	0.15	0.0028	0.01		
	0.0027	-0.13	0.13	0.13		-0.093	-0.081	0.081	0.081		0.75
∝ -	0.16	0.27	0.26	0.26	~ -	0.19	0.3	0.3	0.3		
ν -	0.045	0.059	0.046	0.032	v -	0.12	0.032	0.091	0.063		1.00
	Length -	- J9	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		Length -	- 29	- 29+uopo2	Codon+GC+Cost -		1.00

Factor

Factor