Eukaryota - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Thraustochytrium mitochondrial

	Pearson correlation coefficient					Spearman correlation coefficient					1 00
∑ -	-0.16	-0.19	0.21	0.2	Σ-	-0.31	-0.16	0.16	0.16		- 1.00
≥ -	0.073	0.21	0.23	0.23	≥ -	0.14	0.22	0.22	0.22		
O -	-0.11	0.012	0.12	0.12	U -	-0.13	-0.089	0.21	0.23		- 0.75
Δ-	0.18	0.043	-0.0097	-0.037	Δ -	0.38	0.03	-0.033	-0.12		
ш -	0.07	-0.009	0.015	0.022	ш -	0.13	-0.065	-0.026	-0.02		- 0.50
LL -	-0.17	-0.36	0.35	0.35	ш-	-0.18	-0.4	0.4	0.4		- 0.50
ェ -	0.074	0.13	0.24	0.18	エ -	0.15	0.15	0.22	0.084		
⊻ -	-0.21	-0.43	0.43	0.43	⊻ -	-0.2	-0.38	0.38	0.38		- 0.25
z -	-0.1	-0.62	0.63	0.64	z -	-0.031	-0.6	0.6	0.6		
o acid Q	0.12	0.25	0.12	-0.0098	σ-	0.19	0.25	0.13	-0.086		- 0.00
Amino acid Y Q	-0.12	-0.28	0.28	0.28	> -	-0.055	-0.29	0.29	0.29		0.00
- -	-0.05	-0.64	0.65	0.66		-0.053	-0.63	0.63	0.63		
∢ -	0.096	0.66	0.67	0.67	∢ -	0.12	0.65	0.65	0.65		- – 0.25
ს -	-0.031	0.27	0.27	0.27	ს -	0.11	0.34	0.34	0.34		
₫ -	0.088	0.36	0.36	0.36	- ۵	0.25	0.4	0.4	0.4		- –0.50
⊢ -	0.036	0.17	0.076	-0.013	⊢ -	0.038	0.19	0.082	-0.039		0.50
> -	0.028	0.17	0.11	0.021	> -	-0.035	0.15	0.0028	0.0094		
- -	0.0027	-0.13	0.047	0.095	- د	-0.093	-0.081	0.1	0.11		- – 0.75
∝ -	0.16	0.27	0.26	0.27	∝ -	0.19	0.3	0.3	0.3		
S -	0.045	0.059	0.046	0.013	თ -	0.12	0.032	0.091	0.036		1.00
	Length -	- J9	Codon+GC	Codon+GC+Cost -		Length -	- 29	- Codon+GC	Codon+GC+Cost -		1.00

Factor

Factor