Archaea - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Alternative flatworm mitochondrial

Pearson correlation coefficient						Spearman correlation coefficient				1 00
∑ -	-0.33	-0.074	0.13	0.13	Σ-	-0.13	-0.17	0.15	0.15	1.00
≫ -	0.43	0.1	0.16	0.16	≥ -	0.42	0.057	0.2	0.19	
O -	0.37	-0.019	0.17	0.17	U -	0.32	-0.04	0.11	0.12	- 0.75
Δ -	0.075	0.49	-0.21	-0.25	Δ-	0.17	0.38	-0.19	-0.2	
ш-	-0.21	0.22	-0.26	-0.28	ш-	-0.36	0.19	-0.21	-0.23	0.50
ш -	0.29	-0.16	0.16	0.16	ш-	0.31	-0.31	0.31	0.31	- 0.50
エ -	-0.091	0.3	0.017	-0.003	ェ -	-0.028	0.45	-0.026	-0.043	
⊻ -	-0.25	-0.85	0.84	0.84	⊻ -	-0.24	-0.85	0.85	0.85	- 0.25
z -	0.13	-0.63	0.64	0.64	z -	0.22	-0.68	0.68	0.68	
Amino acid Y Q	0.29	0.31	0.0085	-0.012	ο -	0.25	0.3	-0.045	-0.061	0.00
Amine Y	0.28	-0.43	0.41	0.41	> -	0.21	-0.5	0.5	0.5	- 0.00
– -	-0.2	-0.82	0.8	0.8		-0.14	-0.83	0.83	0.83	
∢ -	-0.051	0.67	0.68	0.68	∢ -	-0.041	0.68	0.68	0.68	0.25
ე -	0.013	0.33	0.32	0.32	ს -	-0.08	0.52	0.52	0.52	
۵ -	0.072	0.33	0.32	0.32	۵ -	0.12	0.4	0.4	0.4	0.50
⊢ -	0.034	0.33	-0.18	-0.21	⊢ -	-0.0021	0.27	-0.11	-0.12	0.50
> -	-0.2	0.31	0.25	0.24	> -	-0.26	0.41	0.23	0.21	
- -	0.099	-0.041	0.055	0.055		0.073	-0.17	0.17	0.17	0.75
۲ -	0.035	0.48	0.46	0.46	~ -	0.045	0.49	0.49	0.49	
S -	0.64	0.014	0.12	0.12	ν -	0.34	-0.047	0.11	0.11	1.00
	Length -	- OB Fac	- 29+uopo2	Codon+GC+Cost -		Length -	- OB Fac	- 29+uopo2	Codon+GC+Cost -	-1.00