## Eukaryota - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Condylostoma nuclear

	Pearson correlation coefficient					Spearman correlation coefficient					<b>-</b> 1.00
∑ -	-0.16	-0.19	0.21	0.21	Σ-	-0.31	-0.16	0.16	0.16		1.00
≥ -	0.073	0.21	0.25	0.25	≥ -	0.14	0.22	0.22	0.22		
<b>U</b> -	-0.11	0.012	0.12	0.12	υ -	-0.13	-0.089	0.21	0.23		- 0.75
Δ-	0.18	0.043	-0.0097	-0.018	Δ -	0.38	0.03	-0.033	-0.058		
ш -	0.07	-0.009	0.015	0.018	ш -	0.13	-0.065	-0.026	-0.031		0.50
<b>L</b> -	-0.17	-0.36	0.35	0.35	ц -	-0.18	-0.4	0.4	0.4		- 0.50
ェ -	0.074	0.13	0.24	0.23	ェ -	0.15	0.15	0.22	0.18		
⊻ -	-0.21	-0.43	0.43	0.43	⊻ -	-0.2	-0.38	0.38	0.38		- 0.25
z -	-0.1	-0.62	0.63	0.63	z -	-0.031	-0.6	0.6	0.6		
acid Q	0.12	0.25	-0.24	-0.24	ο -	0.19	0.25	-0.25	-0.25		0.00
Amino acid Y Q	-0.12	-0.28	0.28	0.28	>	-0.055	-0.29	0.29	0.29		- 0.00
	-0.05	-0.64	0.65	0.66		-0.053	-0.63	0.63	0.63		
∢ -	0.096	0.66	0.67	0.67	∢ -	0.12	0.65	0.65	0.65		0.25
<b>ს</b> -	-0.031	0.27	0.27	0.27	<b>ს</b> -	0.11	0.34	0.34	0.34		
۵ -	0.088	0.36	0.36	0.36	- ۵	0.25	0.4	0.4	0.4		0.50
⊢ -	0.036	0.17	0.076	0.054	<b>-</b> -	0.038	0.19	0.082	0.055		- <b>–</b> 0.50
> -	0.028	0.17	0.11	0.088	> -	-0.035	0.15	0.0028	0.0068		
<b>-</b> -	0.0027	-0.13	0.13	0.13	<b>-</b>	-0.093	-0.081	0.081	0.081		- <b>–</b> 0.75
<b>~</b> -	0.16	0.27	0.26	0.26	<b>~</b> -	0.19	0.3	0.3	0.3		
S -	0.045	0.059	0.046	0.038	v -	0.12	0.032	0.091	0.073		1.00
	Length -	- OG -	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		Length -	- D9	- Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		1.00

Factor

Factor