Archaea - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Candidate division sr1 and gracilibacteria

	Pearson correlation coefficient					Spearman correlation coefficient					- 1.00
Σ-	-0.39	-0.086	0.14	0.13	Σ-	-0.16	-0.13	0.12	0.13		1.00
≥ -	0.4	0.13	0.16	0.16	≥ -	0.37	0.08	0.083	0.084		
U -	0.27	-0.044	0.13	0.14	υ -	0.29	-0.065	0.092	0.063		- 0.75
Δ-	-0.018	0.48	-0.18	-0.34	Δ -	0.082	0.38	-0.19	-0.23		
ш-	-0.19	0.18	-0.25	-0.31	ш -	-0.33	0.15	-0.23	-0.25		0.50
ш-	0.25	-0.21	0.2	0.2	ш-	0.18	-0.33	0.33	0.33		- 0.50
ェ -	-0.11	0.33	-0.032	-0.14	ェ -	-0.054	0.5	-0.075	-0.19		
⊻ -	-0.25	-0.83	0.82	0.82	⊻ -	-0.25	-0.84	0.84	0.84		- 0.25
z -	0.076	-0.63	0.64	0.64	z -	0.11	-0.68	0.68	0.68		
o acid Q	0.3	0.34	-0.0095	-0.12	ο -	0.27	0.34	-0.015	-0.096		- 0.00
Amino acid Y Q	0.21	-0.48	0.48	0.47	> -	0.15	-0.57	0.57	0.57		- 0.00
	-0.27	-0.82	0.8	0.8		-0.18	-0.84	0.84	0.84		
∢ -	0.04	0.64	0.67	0.66	∢ -	0.039	0.64	0.64	0.64		0.25
ن -	0.028	0.36	0.36	0.36	ს -	-0.051	0.55	0.55	0.55		
۵ -	0.1	0.35	0.34	0.34	գ -	0.16	0.43	0.43	0.43		0.50
⊢ -	0.032	0.31	-0.18	-0.28	- -	-0.024	0.26	-0.13	-0.17		-0.30
> -	-0.34	0.3	0.24	0.15	> -	-0.29	0.4	0.2	0.15		
	0.093	-0.043	0.052	0.05		0.046	-0.12	0.12	0.12		0.75
∝ -	0.086	0.48	0.47	0.47	∝ -	0.07	0.47	0.47	0.47		
ω -	0.64	0.028	0.15	0.14	თ -	0.33	-0.033	0.15	0.15		1.00
	Length -	- OS	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		Length -	- O9	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -		1.00

Factor

Factor