## Archaea - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Candidate division sr1 and gracilibacteria

Pearson correlation coefficient					3	Spearman correlation coefficient					1.00
Σ-	-0.33	-0.074	0.13	0.12	Σ-	-0.13	-0.17	0.15	0.16		- 1.00
≥ -	0.43	0.1	0.14	0.14	≥ -	0.42	0.057	0.057	0.056		
U -	0.37	-0.019	0.17	0.17	υ -	0.32	-0.04	0.11	0.089		- 0.75
Ω-	0.075	0.49	-0.21	-0.36	Δ -	0.17	0.38	-0.19	-0.24		
ш -	-0.21	0.22	-0.26	-0.33	ш-	-0.36	0.19	-0.21	-0.26		- 0.50
ш-	0.29	-0.16	0.16	0.16	ш-	0.31	-0.31	0.31	0.31		0.50
ェ -	-0.091	0.3	0.017	-0.075	ェ -	-0.028	0.45	-0.026	-0.11		
⊻ -	-0.25	-0.85	0.84	0.84	⊻ -	-0.24	-0.85	0.85	0.85		- 0.25
z - _	0.13	-0.63	0.64	0.64	z -	0.22	-0.68	0.68	0.68		
Amino acid Y Q	0.29	0.31	0.0085	-0.087	σ-	0.25	0.3	-0.045	-0.11		- 0.00
Amin.	0.28	-0.43	0.42	0.42	<b>&gt;</b> -	0.21	-0.5	0.5	0.5		0.00
	-0.2	-0.82	0.8	0.79		-0.14	-0.83	0.83	0.83		
∢ -	-0.051	0.67	0.68	0.68	∢ -	-0.041	0.68	0.68	0.68		0.25
<b>უ</b> -	0.013	0.33	0.32	0.32	<b>ს</b> -	-0.08	0.52	0.52	0.52		
₾ -	0.072	0.33	0.32	0.32	₾ -	0.12	0.4	0.4	0.4		0.50
⊢ -	0.034	0.33	-0.18	-0.29	⊢ -	-0.0021	0.27	-0.11	-0.15		0.50
> -	-0.2	0.31	0.25	0.16	> -	-0.26	0.41	0.23	0.18		
<b>-</b> -	0.099	-0.041	0.055	0.051	<b>_</b>	0.073	-0.17	0.17	0.17		- <b>–</b> 0.75
<b>c</b> -	0.035	0.48	0.47	0.47	<u>~</u> -	0.045	0.49	0.49	0.49		
ა -	0.64	0.014	0.12	0.11	<b>ν</b> -	0.34	-0.047	0.11	0.1		1.00
	Length -	- J9	- Og+uopoO	Codon+GC+Cost -		Length -	- 39	- 29+uopo2	Codon+GC+Cost -		1.00

Factor

Factor