Archaea - Correlation of amino acid frequency and proteome factors for genetic code: Mold-protozoan-coelenterate mitochondrial and mycoplasma spiroplasma

Pearson correlation coefficient						Spearman correlation coefficient				1.00
Σ-	-0.39	-0.086	0.14	0.13	∑ -	-0.16	-0.13	0.12	0.13	1.00
> -	0.4	0.13	0.14	0.1	≥ -	0.37	0.08	0.15	0.1	
U -	0.27	-0.044	0.13	0.14	υ -	0.29	-0.065	0.092	0.063	- 0.75
- ۵	-0.018	0.48	-0.18	-0.34	Δ-	0.082	0.38	-0.19	-0.23	
ш-	-0.19	0.18	-0.25	-0.31	ш -	-0.33	0.15	-0.23	-0.25	0.50
ш-	0.25	-0.21	0.2	0.2	ட -	0.18	-0.33	0.33	0.33	- 0.50
Ι-	-0.11	0.33	-0.032	-0.14	ェ -	-0.054	0.5	-0.075	-0.19	
⊻ -	-0.25	-0.83	0.82	0.82	⊻ -	-0.25	-0.84	0.84	0.84	- 0.25
z -	0.076	-0.63	0.64	0.64	z -	0.11	-0.68	0.68	0.68	
acid Q	0.3	0.34	-0.0095	-0.12	σ-	0.27	0.34	-0.015	-0.096	0.00
Amino acid Y Q	0.21	-0.48	0.48	0.47	> -	0.15	-0.57	0.57	0.57	- 0.00
· — -	-0.27	-0.82	0.8	0.8		-0.18	-0.84	0.84	0.84	
V -	0.04	0.64	0.67	0.66	∢ -	0.039	0.64	0.64	0.64	0.25
ე -	0.028	0.36	0.35	0.35	ს -	-0.051	0.55	0.55	0.55	
۵ -	0.1	0.35	0.34	0.34	ے ۔	0.16	0.43	0.43	0.43	0.50
⊢ -	0.032	0.31	-0.18	-0.28	⊢ -	-0.024	0.26	-0.13	-0.17	0.50
> -	-0.34	0.3	0.24	0.15	> -	-0.29	0.4	0.2	0.15	
- -	0.093	-0.043	0.052	0.05		0.046	-0.12	0.12	0.12	0.75
ፈ -	0.086	0.48	0.47	0.47	<u>~</u> -	0.07	0.47	0.47	0.47	
S -	0.64	0.028	0.15	0.14	ν -	0.33	-0.033	0.15	0.15	1.00
	Length -	- OS	- Codon+GC -	Codon+GC+Cost -	- •	Length -	- OS	Codon+GC -	Codon+GC+Cost -	1.00

Factor

Factor