# **RAPORT**

# SORTOWANIE CIĄGU UMIESZCZONEGO W KOPCU BINARNYM ORAZ DRZEWIE BST

Valery Kunhurau
Uniwersytet im. Adama Mickiewicza w Poznaniu
Technologie Komputerowe, II rok
2023-2024 rok

# A) Definicja operacji dominujących. Definicja struktury danych (Drewo BST, kopiec binarny)

• [2]Złożoność obliczeniową algorytmu definiuje się jako ilość zasobów komputerowych potrzebnych do jego wykonania. Podstawowymi zasobami rozważanymi w analizie algorytmów są czas działania i ilość wykorzystywanej pamięci.

Zauważmy, że nie jest na ogół możliwe wyznaczenie złożoności obliczeniowej jako funkcji danych wejściowych (takich jak ciągi, tablice, drzewa czy grafy). Zwykle, co naturalne, z zestawem danych wejściowych jest związany jego **rozmiar**, rozumiany - mówiąc ogólnie - jako liczba pojedynczych danych wchodzących w jego skład.

W problemie sortowania na przykład za rozmiar przyjmuje się zazwyczaj liczbę elementów w ciągu wejściowym, w problemie przejścia drzewa binarnego - liczbę węzłów w drzewie, a w problemie wyznaczenia wartości wielomianu - stopień wielomianu. Rozmiar zestawu danych d będziemy oznaczać przez |d|.

Aby móc wyznaczać złożoność obliczeniową algorytmu, musimy się jeszcze umówić, w jakich jednostkach będziemy ją liczyć. Na złożoność obliczeniową składa się złożoność pamięciowa i złożoność czasowa. W wypadku złożoności pamięciowej za jednostkę przyjmuje się zwykle słowo pamięci maszyny. Sytuacja jest nieco bardziej skomplikowana w wypadku złożoności czasowej. Złożoność czasowa powinna być własnością samego tylko algorytmu jako metody rozwiązania problemu - niezależnie od komputera, języka programowania czy sposobu jego zakodowania. W tym celu wyróżnia się w algorytmie charakterystyczne dla niego operacje nazywane operacjami dominującymi - takie, że łączna ich liczba jest proporcjonalna do liczby wykonań wszystkich operacji jednostkowych w dowolnej komputerowej realizacji algorytmu.

Dla algorytmów sortowania na przykład za operację dominującą przyjmuje się zwykle porównanie dwóch elementów w ciągu wejściowym, a czasem też przestawienie elementów w ciągu; dla algorytmów przeglądania drzewa binarnego przyjmuje się przejście dowiązania między węzłami w drzewie, a dla algorytmów wyznaczania wartości wielomianu - operacje arytmetyczne +, -, \* i /.

Za jednostkę złożoności czasowej przyjmuje się wykonanie jednej operacji dominującej.

Złożoność obliczeniową algorytmu traktuje się jako funkcję rozmiaru danych n. Wyróżnia się: **złożoność pesymistyczną** - definiowaną jako ilość zasobów komputerowych potrzebnych przy "najgorszych" danych wejściowych rozmiaru n, oraz **złożoność oczekiwaną** - definiowaną jako ilość zasobów komputerowych potrzebnych przy "typowych" danych wejściowych rozmiaru n.

Aby zdefiniować precyzyjnie pojęcia pesymistycznej i oczekiwanej złożoności czasowej, wprowadzimy następujące oznaczenia:

 $D_n$  – zbiór zestawów danych wejściowych rozmiru n;

t(d) – liczba operacji dominujących dla zestawu danych wejściowych d;

 $X_n$  – zmienna losowa, któreji wartością jest  $d \in D_n$ ;

 $p_{nk}$  – rozkład prawdopodobieństwa zamiennej losowej  $X_n$ , tzn. prawdopodobieństwo, że dla danych romiaru n algorytm wykona k operacji dominujących ( $k \ge 0$ ). Rozkład prawdopodobieństwa zmiennej losowej  $X_n$  wyznacza się na podstawie informacji o zastosowaniach rozważanego algorytmu. Gdy na przykład zbiór  $D_n$  jest skończony, przyjmuje się często model probabilistyczny, w którym każdy zestaw danych rozmiaru n może się pojawić na wejściu do algorytmu z jednakowym prawdopodobieństwem.

Przez pesymistyczną złożoność czasową algorytmu rozumie się funkcję

$$W(n) = \sup\{t(d): d \in D_n\},\$$

gdzie sup oznacza kres górny zbioru.

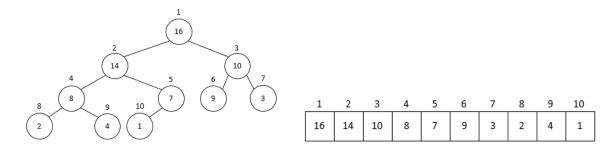
Przez oczekiwaną złożoność czasową algorytmu rozumie się funkcję

$$A(n) = \sum_{k \ge 0} k p_{nk},$$

tzn. wartość oczekiwaną ave $(X_n)$  zmiennej losowej  $X_n$ .

Aby stwierdzić, na ile funkcje W(n) i A(n) są reprezentatywne dla wszystkich danych wejściowych rozmiaru n, rozważa się miary wrażliwości algorytmu: **miarę wrażliwości pesymistycznej**, czyli  $\Delta(n) = \sup\{t(d_1) - t(d_2): d_1, d_2 \in D_n\}$ , oraz **miarę wrażliwości oczekiwanej**, czyli  $\delta(n) = \operatorname{dev}(X_n)$  jest standardowym odchyleniem zmiennej losowej  $X_n$ , tzn.  $\operatorname{dev}(X_n) = \sqrt{var(X_n)}$  i  $var(X_n) = \sum_{k \geq 0} (k - ave(X_n))^2 p_{nk}$  ( $var(X_n)$  jest wariancją zmiennej losowej  $X_n$ ). Im większe są wartości funkcji  $\Delta(n)$  i  $\delta(n)$ , tym algorytm jest bardziej wrażliwy na dane wejściowe i tym bardziej jego zachowanie w przypadku rzeczywistych danych może odbiegać od zachowania opisanego funkcjami W(n) i A(n).

• [1]Kopiec binarny (binary heap) jest to tablicowa struktura danych, którą można rozpatrywać jako pełne drzewo binarne, jak to widać na rys. 1. Każdy węzeł drzewa odpowiada elementowi tablicy, w którym jest podana wartość węzła. Drzewo jest pełne na wszystkich poziomach z wyjątkiem być może najniższego, który jest wypełniony od strony lewej do pewnego miejsca. Tablica A reprezentująca kopiec ma dwa atrybuty: length[A], określający liczbę elementów tablicy, i heap-size[A], określający liczbę elementów kopca przechowywanych w tablicy. To znaczy, że żaden element tablicy A[1..length[A]] występujący po A[heap-sizep[A]], gdzie heap-size[A]≤ length[A], nie jest elementem kopca. Korzeniem drzewa jest A[1], a mając dany indeks i węzła, można łatwo obliczyć indeksy jego ojca Parent(i), lewego syna Left(i) i prawego syna Right(i).



(a) (b)

**Rys. 1.** Kopiec można rozpatrywać jako (a) drzewo binarne i (b) jako tablicę. Liczba w kółku w każdym węźle drzewa jest wartością przechowywaną w tym węźle. Liczba obok wezła jest odpowiadającym mu indeksem tablicy

Kopce mają również tzw. **własność kopca**: dla każdego węzła i, który nie jest kotzeniem, zachodzi

 $A[Parent(i)] \ge A[i]$ 

to znaczy, że wartość w węźle jest nie większa niż wartość przechowywana w jego ojcu. Stąd wynika, że największy element kopca jest umieszczony w korzeniu, a poddrzewa każdego węzła zawierają wartości mniejsze niż wartość przechwywana w tym węźle.

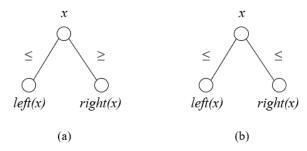
Definiujemy **wysokość** węzła w drzewie jako liczbę krawędzi na najdłuższej prostej ścieżce prowadzącej od tego węzła do liścia, a wysokość drzewa jako wysokość jego korzenia. Ponieważ kopiec mający n elementów jest tworzony na podstawie pełnego drzewa binarnego, jego wysokość wynosi  $O(lg\ n)$ . Zobaczymy, że podstawowe operacje na kopcach działają w czasie co najwyżej proporcjonalnym do wysokości drzewa, czyli  $O(lg\ n)$ . Algorytmy sortowania z użyciem kopca binarnego:

- 1) Procedura **Heapify**, która działa w czasie O(lg n), służy do przywracania własności kopca.
- 2) Procedura **Build-Heap**, która działa w czasie *liniowym*, tworzy kopiec z nieuporządkowanej tablicy danych wejściowych.
- 3) Procedura **Heapsort**, działająca w czasie *O*(*n lg n*), sortuje tablicę w miejscu.
- 4) Procedury **Extract-Max** i **Insert**, które działają w czasie  $O(\lg n)$ , pozwalają na użycie kopca jako kolejki priorytetowej.
- [2]Uogólnieniem wyszukiwania elementu w tablicy uporządkowanej jest wyszukiwanie elementu w tzw. drzewach poszukiwań binarnych, czyli w skrócie BST (od ang. Binary Search Trees). Przez wzbogacenie struktury danych uzyskujemy możliwość szybszego wykonywania operacji wstawiania i usuwania elementu ze zbioru.

Zakładamy, że każdy węzeł x drzewa, będący obiektem typu node, ma trzy atrybuty:

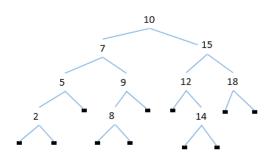
$$x$$
: left  $(x)$ , key  $(x)$ , right  $(x)$ 

Elementy w kopcu są uporządkowane zgodnie z porządkiem kopcowym (rys. 2a). W drzewach BST mamy natomiast do czynienia z porządkiem symetrycznym. W porządku tym dla każdego węzła x jest spełniony następujący warunek: jeśli węzeł y leży w lewym poddrzewie x, to  $key(y) \le key(x)$ ; jeśli y leży w prawym poddrzewie x, to  $key(x) \le key(y)$  (rys. 2b).



**Rys. 2.** (a) Porządek kopcowy; (b) porządek symetryczny

**Drzewem poszukiwań binarnych (drzewem BST)** nazywamy dowolne drzewo binarne, w którym elementy zbioru są wpisane do wierzchołków zgodnie z porządkiem symetrycznym (rys. 3).

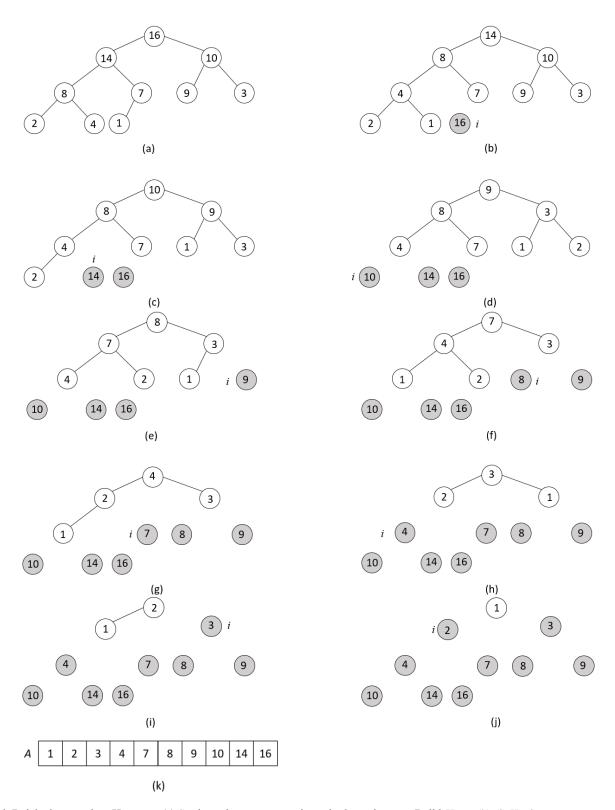


Rys. 3. Drzewo poszukiwań binarnych z zaznaczonymi wierzchołkami zewnętrznymi

Wierzchołki zaznaczone na rysunku 3 przez • to wierzchołki zewnętrzne. W strukturze dowiązaniowej są one reprezentowane przez nil. Wierzchołkom zewnętrznym odpowiadają przedziały wartości, na które zostaje podzielona przestrzeń wszystkich kluczy przez klucze obecne w drzewie (czyli elementy znajdujące się w drzewie). Wstawiając nowy element, umieszczamy go w wierzchołku zewnętrznym reprezentującym przedział wartości, do którego należy dany element.

# B) Opis algorytma sortowania (Drewo BST, kopiec binarny). Przykład teoretyczny algorytmu sortowania

• [1]Algorytm sortowania przez kopcowanie (heapsort). Algorytm heapsort rozpoczyna działanie, używając procedury Build-Heap do skonstruowania kopca w tablicy wejściowej A[1 ... n], gdzie n = length[A]. Skoro największy element tablicy znajduje się w korzeniu A[1], może on zostać umieszczony na swoim właściwym miejscu przez zamianę z A[n]. Jeśli teraz,,odrzucimy" węzeł n z kopca (przez zmniejszenie heapsize[A]), zauważymy, że tablica A[1 ... (n-1)] może łatwo zostać przekształcona w kopiec. Synowie korzenia pozostają kopcami, ale nowy korzeń może naruszać własność kopca (1). Jedyne, co trzeba zrobić, żeby przywrócić własność kopca, to raz wywołać Heapify (A, 1), co pozostawi kopiec w A[1 ... (n-1)]. Algorytm heapsort powtarza ten proces dla kopca o rozmiarze n-1, aż do uzyskania kopca o rozmiarze 2.



**Rys. 4.** Działanie procedury Heapsort. (a) Struktura kopca zaraz po jego zbudowaniu przez Build-Heap. (b)-(j) Kopiec po każdym wywołaniu Heapify w wierszu 5. Wartość *i* w tym momencie jest pokazana na rysunku. Tylko jasnoszare węzły pozostaną w kopcu. (k) Posortowana tablica *A* 

# Heapsort(*A*)

- 1 Build-Heap(A)
- 2 **for**  $i \leftarrow length[A]$  **downto** 2

```
    3 do zamień A[1] ↔ A[i]
    4 heap-size[A] ← heap-size[A] – 1
    5 Heapify(A, 1)
```

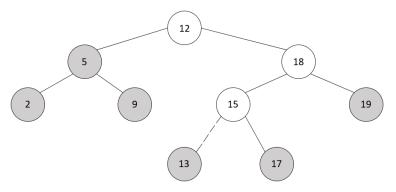
Na rysunku 4 widać przykład działania algorytmu heapsort po początkowym zbudowaniu kopca. Każdy kopiec jest pokazany na początku iteracji pętli **for** w wierszu 2.

Czas działania procedury Heapsort wynosi  $O(n \lg n)$ , ponieważ wywołanie Build-Heap zajmuje czas O(n), a każde z n - 1 wywołań Heapify zajmuje czas  $O(\lg n)$ .

• [1]Nową wartość v można wstawić do drzewa poszukiwań binarnych T za pomocą procedury Tree-Insert. Do procedury przekazujemy jako argument węzeł z, w którym key[z] = v, left[z] = NIL oraz right[z] = NIL. W wyniku wykonania procedury drzewo T oraz niektóre pola z są modyfikowane w sposób, który odpowiada wstawieniu z we właściwe miejsce w drzewie.

```
Tree-Insert(T, z)
   y \leftarrow NIL
1
2 x \leftarrow root[T]
    while x \neq NIL
3
4
          do y \leftarrow x
5
             if key[z] < key[x]
6
                 then x \leftarrow left[x]
7
                 else x \leftarrow right[x]
8 p[z] \leftarrow y
9 if y = NIL
10
         then root[T] \leftarrow z
         else if key[z] < key[y]
11
12
                 then left[y] \leftarrow z
13
                 else right[y] \leftarrow z
```

Na rysunku 5 jest zilustrowany sposób działania procedury Tree-Insert. Podobnie jak w przypadku procedur Tree-Search i Iterative-Tree-Search, procedura Tree-Insert rozpoczyna przeglądanie w korzeniu, a następnie przebiega po ścieżce w dół drzewa. Wskaźnik *x* przebiega po ścieżce, a zmienna *y* zawiera zawsze wskazanie na ojca *x*. Po zainicjowaniu wartości zmiennych w pętli **while** w wierszach 3-7 wskaźniki *x* i *y* są przesuwane w dół drzewa w lewo lub w prawo, w zależności od wyniku porównania key[z] z key[x], aż do chwili, w której zmienna *x* przyjmie wartość NIL. Ta właśnie wartość NIL zajmuje miejsce w drzewie, w którym należy umieścić wskaźnik na węzeł *z*. Wstawienie *z* do drzewa (tzn. wiążące się z tym przypisania właściwych wartości odpowiednim wskaźnikom) odbywa się w wierszach 8-13.



**Rys. 5**. Wstawienie węzła z kluczem 13 do drzewa poszukiwań binarnych. Jasnoszare węzły wchodzą w skład ścieżki od korzenia do miejsca, w którym węzeł zostaje wstawiony. Przerywaną linią jest oznaczony wskaźnik, który zostaje utworzony w wyniku dodania elementu do drzewa

Procedura Tree-Insert, podobnie jak inne elementarne operacje na drzewach poszukiwań, działa na drzewie o wysokości h w czasie O(h).

- C) Sprawdzenie poprawności działania implementacji algorytmów sortowania. Opis w jaki sposób zostały wegenerowane dane do analizy:
- **Funkcja Rand**() jest funkcją wbudowaną w C++ STL, która jest zdefiniowana w pliku nagłówkowym **<cstdlib>** . Rand() służy do generowania serii liczb losowych. Algorytm używany do implementacji funkcji rand() może się różnić w zależności od kompilatora, a co za tym idzie, wyniki również mogą się różnić. Większość implementacji funkcji rand() wykorzystuje metodę **Linear Congruent Method** (w skrócie "LCM"). Funkcja Rand() jest używana w C++ do generowania liczb losowych z zakresu [0, RAND MAX).

**RAND\_MAX:** Jest to stała, której wartość domyślna może się różnić w zależności od implementacji, ale może wynosić co najmniej 32767.

Istotą metody Linear Congruent Method (w skrócie "LCM") jest obliczenie ciągu liczb losowych  $X_n$  przy założeniu

$$X_{n+1} = (aX_n + c) \bmod m,$$

gdzie m – moduł (liczba naturalna, względem której obliczana jest reszta z dzielenia;  $m \ge 2$ ), a – mnożnik ( $0 \le a < m$ ),  $X_0$  – wartość początkowa ( $0 \le X_0 < m$ ).

Poprawność działania implementacji algorytmu sortowania z użyciem kopca binarnego

Wprowadź liczbę elementów: 10

Tablica przed algorytmem: 42 68 35 1 70 25 79 59 63 65 Posortowana tablica: 1 25 35 42 59 63 65 68 70 79

C:\Users\Asus\source\repos\ConsoleApplication1\Debug\ ConsoleApplication1.exe (proces 13188) terminates with code 0.

Poprawność działania implementacji algorytmu sortowania z użyciem drzewa BST

Wprowadź liczbę elementów: 10

Tablica przed algorytmem: 97 83 91 68 49 31 41 92 38 6

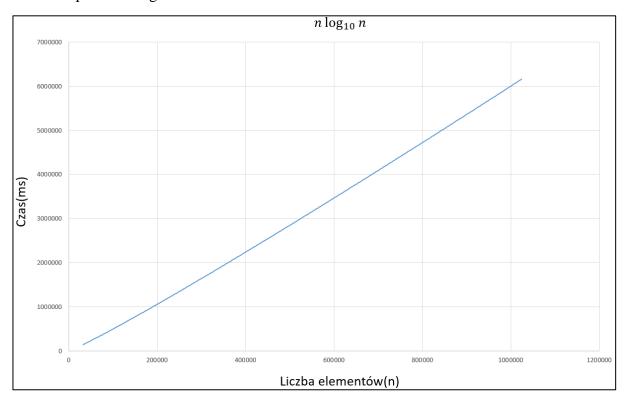
Posortowana tablica: 6 31 38 41 49 68 83 91 92 97

 $C: \ \ Console Application 1 \ \ \ Console Application 1. exe \ \ (proces 20476) \ terminates \ with \ code \ 0.$ 

# D) Wyniki testów:

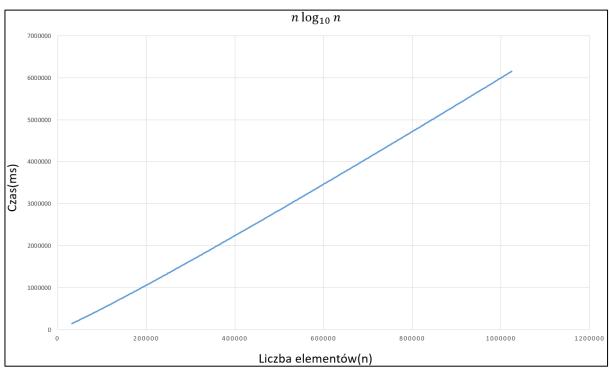
Testy zostały przeprowadzone na komputerze z procesorem Intel® Core<sup>TM</sup> i5-11300H @ 3.10GHz i obejmowały pomiar czasu sortowania dla zbiorów liczb o liczebności od 32000 do 1024000 elementów w przedziałach od 1 do 1000000. Wyniki testów algorytmu sortowania z użyciem:

• kopca binarnego.



Rys. 6. Wykres złożoności czasowej a liczby elementów algorytmu sortowania z użyciem kopca binarnego

• drzewa BST.



Rys. 7. Wykres złożoności czasowej a liczby elementów algorytmu sortowania z użyciem drzewa BST

## E) Wnioski:

 W procesie tym podkreślono następujące kluczowe punkty i wnioski dla algorytmu sortowania z użyciem drzewa BST:

### Wydajność algorytmu:

Wykorzystanie binarnego drzewa wyszukiwania do sortowania danych wykazuje wysoką wydajność. Złożoność algorytmu wynosi średnio O(n log n), co czyni go atrakcyjnym do przetwarzania dużych ilości danych.

#### Zalety i wady:

Binarne drzewo wyszukiwania ma zalety w postaci łatwości wstawiania i usuwania elementów oraz możliwości obsługi dynamicznej modyfikacji danych. Jednak w najgorszym przypadku złożoność może osiągnąć O(n), co czyni go mniej wydajnym w przypadku wstępnie posortowanych danych.

# Testowanie i stabilność:

Implementacja została dokładnie przetestowana, w tym na przypadkach z powtarzającymi się i posortowanymi elementami. Wyniki potwierdzają stabilność algorytmu i jego przydatność do obsługi danych wejściowych.

#### Wnioski:

Wykorzystanie binarnego drzewa wyszukiwania do sortowania danych stanowi znaczący krok w kierunku optymalizacji przetwarzania danych. Przy odpowiednim wykorzystaniu i dopracowaniu algorytmu można osiągnąć wysoką wydajność i niezawodność w różnych scenariuszach użytkowania.

• Wnioski z napisania algorytmu sortowania wykorzystującego kopiec binarny:

#### Wydajność algorytmu:

Praca z kopcem binarnym pozwala osiągnąć wysoką wydajność sortowania. W porównaniu do innych algorytmów, takich jak sortowanie przez scalanie lub szybkie sortowanie, algorytm sortowania z użyciem kopca binarnego zapewnia stabilny czas wykonania w najgorszym przypadku na poziomie O(n log n), co jest ważne w przypadku dużych ilości danych.

## Wsparcie dla modyfikowalności danych:

Jedną z zalet kopca binarnego jest możliwość efektywnego dodawania i usuwania elementów podczas procesu sortowania. Jest to szczególnie przydatne, gdy dane dynamicznie się zmieniają lub są przesyłane strumieniowo.

### Możliwość zastosowania do różnych typów danych:

Algorytm sortowania z użyciem kopca binarnego jest niezależny od typu danych, co czyni go wszechstronnym i możliwym do zastosowania w różnych scenariuszach. Jest to szczególnie cenne w różnych projektach, w których konieczne jest przetwarzanie danych o różnych formatach.

#### Stabilność i niezawodność:

Kopiec binarny zapewnia stabilną i niezawodną wydajność sortowania. Algorytm działa poprawnie z różnymi danymi wejściowymi, w tym przypadkami z duplikatami i określonymi rozkładami wartości.

#### F) Literatura:

- [1] T.H. Cormen, C.E. Leiserson, R.L. Rivest, Wprowadzenie do Algorytmów, Wydawnictwo Naukowo-Techniczne, Warszawa 2000
- [2] L. Banachowski, K. Diks, W. Rytter, Algorytmy i Struktury Danych, Wydawnictwo Naukowo-Techniczne, Warszawa 1996
- [3] Strona wykładowcy, A. Chrobot, na temat implementacji drzewa BST (https://achilles.tu.kielce.pl/portal/Members/84df831b59534bdc88bef09b15e73c99/archive/semestr-ii-2019-2020/pdf/pp2/lecture/pp2\_lecture\_9.pdf)
- [4] Strona wykładowcy I Liceum Ogólnokształcące im. Kazimierza Brodzińskiego w Tarnowie, mgr Jerzy Wałaszek, na temat implementacji kopieca binarnego: Algorytmy i Struktury Danych Kopiec (Algorytmy i Struktury Danych Kopiec (eduinf.waw.pl))