

Tabla 1. Cálculo de la normalidad de los genes.

Genes	Shapiro-wilk	Valor p	Interpretación
AQ_ADIPOQ		"5.919629e-18"	Distribución normal
AQ_ALOX5		"9.320506e-07"	Distribución normal
AQ_ARG1		"3.416140e-10"	Distribución normal
AQ_BMP2		"6.222339e-09"	Distribución normal
AQ_CCL2		"1.536885e-12"	Distribución normal
AQ_CCL5		"1.317797e-07"	Distribución normal
AQ_CCR5		"8.192435e-09"	Distribución normal
AQ_CD274		"6.949223e-08"	Distribución normal
AQ_CD36		"1.384428e-04"	Distribución normal
AQ_CHKA		"1.290456e-06"	Distribución normal
AQ_CPT1A		"1.185430e-06"	Distribución normal
AQ_CSF2		"5.928471e-09"	Distribución normal
AQ_CXCR1		"9.823807e-09"	Distribución normal
AQ_FASN		"1.816552e-06"	Distribución normal
AQ_FOXO3		"2.604407e-06"	Distribución normal
AQ_FOXP3		"2.011538e-11"	Distribución normal
AQ_G6PD		"4.231557e-06"	Distribución normal
AQ_GPD2		"8.766733e-08"	Distribución normal
AQ_GPX1		"2.074611e-04"	Distribución normal
AQ_IFNG		"8.039656e-09"	Distribución normal
AQ_IL10		"1.150721e-13"	Distribución normal
AQ_IL1B		"1.872563e-09"	Distribución normal
AQ_IL6		"5.047011e-12"	Distribución normal
AQ_IRS1		"2.092591e-06"	Distribución normal
AQ_JAK1		"3.273927e-06"	Distribución normal
AQ_JAK3		"5.077513e-11"	Distribución normal
AQ_LDHA		"9.176902e-05"	Distribución normal
AQ_LIF		"1.210331e-10"	Distribución normal
AQ_MAPK1		"3.228045e-05"	Distribución normal
AQ_NFE2L2		"1.952157e-06"	Distribución normal
AQ_NFKB1		"1.464365e-04"	Distribución normal
AQ_NLRP3		"1.450555e-06"	Distribución normal
AQ_NOS2		"5.913607e-12"	Distribución normal
AQ_NOX5		"5.919631e-18"	Distribución normal
AQ_PDCD1		"6.536684e-12"	Distribución normal
AQ_PPARG		"2.957471e-11"	Distribución normal
AQ_PTAFR		"9.064721e-06"	Distribución normal
AQ_PTGS2		"9.297333e-08"	Distribución normal
AQ_SLC2A4		"4.427002e-11"	Distribución normal
AQ_SOD1		"3.881551e-07"	Distribución normal
AQ_SREBF1		"5.248362e-05"	Distribución normal
AQ_STAT3		"1.342607e-09"	Distribución normal
AQ_TGFB1		"2.223083e-07"	Distribución normal
AQ_TLR3		"5.589175e-11"	Distribución normal
AQ_TLR4		"4.077614e-06"	Distribución normal
AQ_TNF		"8.867077e-08"	Distribución normal

{test realizado: Shapiro-Wilk}

Tabla 2. Resultados del análisis de los genes junto con las variables tratamiento y tumor:

Characteristic	tratA				tratB			
	CCR N = 15 ¹	CM N = 11 ¹	CP N = 7 ¹	p- value ²	CCR N = 14 ¹	CM N = 12 ¹	CP N = 6 ¹	p- value ²
AQ_ADIPOQ	5.2e-10 (4e-10- 1.2e-09)	0e+00 (0e+00- 0e+00)	1.4e-09 (6.6e-10- 3.2e-09)	<0.001*	5e-10 (3.8e-10- 7e-10)	0e+00 (0e+00- 0e+00)	1.4e-09 (1.1e-09- 2.1e-09)	<0.001*
AQ_ALOX5	4.9e-05 (1.6e-05- 8.9e-05)	2.1e-05 (1.7e-05- 6.4e-05)	1.5e-04 (1.1e-04- 2.2e-04)	0.004*	3.7e-05 (2.2e-05- 5.7e-05)	2e-05 (1.5e-05- 3.8e-05)	1.2e-04 (1.1e-04- 1.7e-04)	0.003*
AQ_ARG1	8.8e-07 (3.3e-07- 2.3e-06)	3.3e-06 (2.3e-06- 6.1e-06)	4.2e-06 (1.7e-06- 8.2e-06)	0.010*	9e-07 (6.7e-07- 1.6e-06)	4e-06 (1.1e-06- 1.3e-05)	2.5e-06 (2e-06- 6.5e-06)	0.056
AQ_BMP2	2.2e-08 (9.1e-09- 7.4e-08)	3.1e-08 (1.6e-08- 6.3e-08)	7.7e-08 (5.8e-08- 1e-07)	0.057	2e-08 (9.2e-09- 3.3e-08)	2.9e-08 (1.7e-08- 1e-07)	3.7e-08 (0e+00- 4.5e-08)	0.406
AQ_CCL2	2.3e-08 (5.6e-09- 9.3e-08)	1.5e-07 (3.5e-08- 2.4e-07)	1.5e-07 (2.4e-08- 4e-07)	0.048*	2e-08 (4e-09- 4.7e-08)	3.7e-08 (1.4e-08- 5.8e-08)	8.1e-08 (2.5e-08- 2.3e-07)	0.106
AQ_CCL5	1.5e-04 (9.6e-05- 2.9e-04)	4.3e-04 (2.7e-04- 8.6e-04)	7.8e-04 (4e-04- 1.8e-03)	0.003*	1.4e-04 (8.2e-05- 5.8e-04)	2.5e-04 (1.2e-04- 6.3e-04)	7.4e-04 (4.9e-04- 9.4e-04)	0.026*
AQ_CCR5	4.4e-06 (1.3e-06- 7.2e-06)	7.2e-06 (4e-06- 1.2e-05)	2e-05 (5.1e-06- 3.3e-05)	0.056	3.5e-06 (1.1e-06- 7.6e-06)	6.1e-06 (2.6e-06- 1.1e-05)	5.7e-06 (5.1e-06- 1.8e-05)	0.307
AQ_CD274	7.3e-07 (3.4e-07- 1.7e-06)	2.1e-06 (1.1e-06- 2.9e-06)	3.3e-06 (1.3e-06- 3.7e-06)	0.020*	6.4e-07 (3.3e-07- 1.4e-06)	1.2e-06 (7.8e-07- 2.4e-06)	2.4e-06 (1.7e-06- 3.1e-06)	0.016*
AQ_CD36	1.2e-05 (5.6e-06- 3.1e-05)	3.8e-05 (1.7e-05- 6.7e-05)	5e-05 (2.5e-05- 7.4e-05)	0.014*	1.3e-05 (4.3e-06- 2.6e-05)	2.7e-05 (9.2e-06- 4.3e-05)	2.7e-05 (1.7e-05- 2.7e-05)	0.037*
AQ_CHKA	3.4e-07 (1.1e-07- 1.9e-06)	7.9e-07 (4.5e-07- 1.8e-06)	8.8e-07 (0e+00- 1.6e-06)	0.304	9.2e-08 (0e+00- 2e-07)	7.5e-07 (2.4e-07- 1.1e-06)	8.6e-07 (6e-07- 9.8e-07)	<0.001*
AQ_CPT1A	4.3e-06 (1.5e-06- 2.2e-05)	8.5e-06 (4.4e-06- 1.5e-05)	1.2e-05 (7.1e-06- 3.4e-05)	0.114	2.4e-06 (1.2e-06- 4.8e-06)	4e-06 (2.3e-06- 8.7e-06)	1.3e-05 (1.1e-05- 1.5e-05)	0.013*

¹ Median (Q1- Q3)

² Kruskal-Wallis rank sum test

(* p-value<0'05, significativo)

Tabla 3. Resultados del análisis de la variable edad junto con los genes.

Characteristic	Categoría 1: edad < percentil_50 N = 32 ¹	Categoría 2: edad ≤ percentil_50 N = 33 ¹	p-value ²
AQ_ADIPOQ	4.1e-10 (0e+00 - 9.3e-10)	4.3e-10 (0e+00 - 1.1e-09)	0.325
AQ_ALOX5	4e-05 (1.6e-05 - 9.4e-05)	4.4e-05 (2.7e-05 - 1.1e-04)	0.684
AQ_ARG1	1.8e-06 (6.4e-07 - 4.5e-06)	2.7e-06 (8.7e-07 - 5.9e-06)	0.242
AQ_BMP2	2.7e-08 (8.2e-09 - 8.7e-08)	3e-08 (1.9e-08 - 4.5e-08)	0.542
AQ_CCL2	4.7e-08 (8.7e-09 - 1.4e-07)	3.7e-08 (1.9e-08 - 1.1e-07)	0.744
AQ_CCL5	2.3e-04 (9e-05 - 7.9e-04)	3.8e-04 (1.8e-04 - 7.1e-04)	0.962
AQ_CCR5	5.4e-06 (1.2e-06 - 1.5e-05)	5.9e-06 (3.7e-06 - 1.2e-05)	0.908
AQ_CD274	1.2e-06 (4e-07 - 2.9e-06)	1.3e-06 (7.3e-07 - 2.6e-06)	0.335
AQ_CD36	2e-05 (7.3e-06 - 4.8e-05)	2.5e-05 (1.4e-05 - 3.6e-05)	0.729
AQ_CHKA	2.7e-07 (1e-07 - 1.6e-06)	5.2e-07 (2.7e-07 - 9.8e-07)	0.719
AQ_CPT1A	5.1e-06 (1.7e-06 - 1.3e-05)	5.6e-06 (3.2e-06 - 1.3e-05)	0.960
AQ_CSF2	2.5e-09 (4.1e-10 - 3.7e-08)	1.9e-08 (6e-09 - 3.8e-08)	0.570
AQ_CXCR1	7.9e-06 (3.3e-06 - 2.1e-05)	1.3e-05 (4.8e-06 - 2.6e-05)	0.952
AQ_FASN	2.3e-06 (5.3e-07 - 7.4e-06)	3.2e-06 (1.2e-06 - 4.8e-06)	0.553
AQ_FOXO3	1.1e-04 (5.5e-05 - 2.7e-04)	1.4e-04 (8.7e-05 - 2.5e-04)	0.387
AQ_FOXP3	7.2e-07 (2.1e-07 - 2.2e-06)	1.1e-06 (5.3e-07 - 1.6e-06)	0.838
AQ_G6PD	2.8e-05 (1.2e-05 - 6.1e-05)	3.9e-05 (2.3e-05 - 6e-05)	0.330
AQ_GPD2	1.6e-06 (5.4e-07 - 4.9e-06)	1.9e-06 (4.5e-07 - 3.4e-06)	0.376
AQ_GPX1	7.1e-05 (4.7e-05 - 1.4e-04)	7.9e-05 (5.7e-05 - 1.4e-04)	0.557
AQ_IFNG	2.3e-07 (3.4e-08 - 7.1e-07)	1.8e-07 (6e-08 - 3.7e-07)	0.308
AQ_IL10	3.9e-08 (1e-08 - 8e-08)	4.1e-08 (8.3e-09 - 1.2e-07)	0.431
AQ_IL1B	6.9e-06 (2.5e-06 - 2e-05)	9.9e-06 (4.6e-06 - 1.9e-05)	0.623
AQ_IL6	1.8e-08 (2.7e-09 - 5.8e-08)	1.1e-08 (1.7e-09 - 2.2e-08)	
AQ_IRS1	9.6e-08 (3.8e-08 - 2e-07)	9.2e-08 (6e-08 - 1.6e-07)	0.864

¹ Median (Q1 - Q3)

² Welch Two Sample t-test

(AQ_IL6, test Welch p-value=0'019)