САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ НАЦИОНАЛЬНЫЙ ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ ИНФОРМАЦИОННЫХ ТЕХНОЛОГИЙ, МЕХАНИКИ И ОПТИКИ ФАКУЛЬТЕТ ИНФОКОММУНИКАЦИОННЫХ ТЕХНОЛОГИЙ

Отчет по лабораторной работе № 7 по курсу «Алгоритмы и структуры данных» Тема: Динамическое программирование

Выполнила: Беляева В.А. Группа: К3139

Проверил:

Санкт-Петербург 2024 г.

Содержание отчета

Содержание отчета	2
Задачи по варианту	
<u>Задача №.</u> 4 Наибольшая общая	
подпоследовательность двух по следователь	ьностей 3
Задача №. 5	
Наибольшаяобщаяподпоследовательность	грехпо
следовательностей	5
Задача №. 6Наибольшая возрастающая	
подпоследовательность	10
Задача №. 7Шаблоны	12
Вывод	19

Задачи по варианту

Задача №4 Наибольшая общая подпоследовательность двух по следовательностей

Условие:

Вычислить длину самой длинной общей подпоследовательности из двух последовательностей.

Даны две последовательности $A=(a_1,a_2,...,a_n)$ и $B=(b_1,b_2,...,b_m)$, найти длину их самой длинной общей подпоследовательности, т.е. наибольшее неотрицательное целое число p такое, что существуют индексы $1 \leq i_1 < i_2 < ... < i_p \leq n$ и $1 \leq j_1 < j_2 < ... < j_p \leq m$ такие, что $a_{i_1} = b_{j_1},...,a_{i_p} = b_{j_p}$.

- Формат ввода / входного файла (input.txt).
 - Первая строка: n длина первой последовательности.
 - Вторая строка: a₁, a₂, ..., a_n через пробел.
 - Третья строка: m длина второй последовательности.
 - Четвертая строка: $b_1, b_2, ..., b_m$ через пробел.
- Ограничения: $1 \le n, m \le 100; -10^9 < a_i, b_i < 10^9$.

```
def read_sequences(file_path):
    with open(file_path, 'r', encoding='utf-8') as f:
        n_line = f.readline().strip()
        if not n_line:
            return [], []
        n = int(n_line)
        if n > 0:
            seqA = list(map(int, f.readline().strip().split()))
        else:
            seqA = []
        m_line = f.readline().strip()
        if not m_line:
            return seqA, []
        m = int(m_line)
        if m > 0:
            seqB = list(map(int, f.readline().strip().split()))
        else:
            seqB = []
    return seqA, seqB

def lcs_length(seqA, seqB):
    n = len(seqA)
    m = len(seqA)
    m = len(seqB)
    dp = [[0]*(m+1) for _ in range(n+1)]
    for i in range(l, n+1):
        if seqA[i-1] == seqB[j-1]:
            dp[i][j] = dp[i-1][j-1] + 1
        else:
            dp[i][j] = max(dp[i-1][j], dp[i][j-1])
    return dp[n][m]
```

```
def task4():
    seqA, seqB = read_sequences(PATH)
    result = lcs_length(seqA, seqB)
    write_result(result, OUTPUT_PATH)
```

Объяснение: Код предназначен для нахождения длины наибольшей общей подпоследовательности (LCS) двух последовательностей. Функция read sequences считывает данные из файла. Она получает количество элементов и сами элементы двух последовательностей, проверяя их наличие. Если последовательности пусты, возвращаются пустые списки. Функция lcs length реализует вычисление длины LCS с помощью метода динамического программирования. Создаётся двумерная таблица dp, где каждая ячейка хранит длину LCS для соответствующих подстрок. Если элементы двух последовательностей совпадают, текущая ячейка обновляется значением из диагональной ячейки плюс единица. В противном случае берётся максимум значений из соседних ячеек. Итоговая длина LCS находится в правом нижнем углу таблицы. Функция task4 объединяет эти процессы: считывает данные, вычисляет LCS и записывает результат в файл.

input	output
3	2
2 7 5	
2	
25	
1	0
7	
4	
1 2 3 4	

	Затраты памяти (Мб)	Время выполнения (с)
Нижняя граница	0.001	0.002
Пример	0.003	0.005
Верхняя граница	01.10.00	01.01.00

Вывод: Код эффективно вычисляет длину наибольшей общей подпоследовательности с временной сложностью $O(n \cdot m)O(n \cdot c \cdot m)$, где n и m — длины последовательностей. Пространственная сложность также $O(n \cdot m)O(n \cdot c \cdot m)$ из-за использования таблицы. Подход на основе динамического программирования обеспечивает точное решение задачи, хотя может быть затратным для длинных последовательностей. Код читает и записывает данные из файлов, что делает его удобным для больших наборов данных.

Задача №5 Наибольшаяобщаяподпоследовательностьтрехпо следовательностей

Условие:

Вычислить длину самой длинной общей подпоследовательности из \underline{mpex} последовательностей.

Даны три последовательности $A=(a_1,a_2,...,a_n),\,B=(b_1,b_2,...,b_m)$ и $C=(c_1,c_2,...,c_l)$, найти длину их самой длинной общей подпоследовательности, т.е. наибольшее неотрицательное целое число p такое, что существуют индексы $1\leq i_1< i_2<...< i_p\leq n,\, 1\leq j_1< j_2<...< j_p\leq m$ и $1\leq k_1< k_2<...< k_p\leq l$ такие, что $a_{i_1}=b_{j_1}=c_{k_1},...,a_{i_p}=b_{j_p}=c_{k_p}$.

- Формат ввода / входного файла (input.txt).
 - Первая строка: n длина первой последовательности.
 - Вторая строка: $a_1, a_2, ..., a_n$ через пробел.
 - Третья строка: m длина второй последовательности.
 - Четвертая строка: $b_1, b_2, ..., b_m$ через пробел.
 - Пятая строка: l длина второй последовательности.
 - Шестая строка: $c_1, c_2, ..., c_l$ через пробел.
- Ограничения: $1 \le n, m, l \le 100; -10^9 < a_i, b_i, c_i < 10^9.$
- Формат вывода / выходного файла (output.txt). Выведите число p.
- Ограничение по времени. 1 сек.

Объяснение: Код реализует задачу поиска длины наибольшей общей подпоследовательности (LCS) для трёх последовательностей. Функция read_three_sequences считывает из файла три последовательности чисел: первую с длиной п, вторую с длиной т, третью с длиной l. Каждая последовательность сохраняется как список. Основная функция lcs_three_length использует трёхмерный массив dp, где dp[i][j][k] хранит длину LCS для первых i, j, k элементов из последовательностей A, B, C. Алгоритм проходит по всем возможным комбинациям длин последовательностей. Если текущие элементы A[i-1], B[j-1], C[k-1] совпадают, то dp[i][j][k] увеличивается на 1. Иначе вычисляется максимум из возможных предыдущих состояний. Итоговая длина LCS возвращается из dp[n][m][l].

Функция task5 объединяет всё: считывает данные, вызывает алгоритм и записывает результат в файл.

input	output
3	2
1 2 3	
3	
2 1 3	
3	
1 3 5	

	Затраты памяти (Мб)	Время выполнения (с)
Нижняя граница	0.005	0.010
Пример	0.020	0.050
Верхняя граница	50.000	01.05.00

Вывод: Алгоритм решает задачу наибольшей общей подпоследовательности для трёх последовательностей с использованием динамического программирования. Временная сложность составляет $O(n \cdot m \cdot l)O(n \cdot k^* m \cdot k^* l)$, где n, m, l — длины входных последовательностей. Пространственная сложность также $O(n \cdot m \cdot l)O(n \cdot k^* m \cdot k^* l)$ из-за трёхмерного массива. Код эффективно обрабатывает задачи средней сложности, но его производительность может снижаться для больших последовательностей.

Задача №6 Наибольшая возрастающая подпоследовательность

Условие:

Дана последовательность, требуется найти ее наибольшую возрастающаю подпоследовательность.

• Формат ввода / входного файла (input.txt). В первой строке входных данных задано целое число n – длина последовательности ($1 \le n \le 300000$).

Во второй строке задается сама последовательность. Числа разделяются пробелом.

Элементы последовательности – целые числа, не превосходящие по модулю $10^9.$

- Подзадача 1 (полегче). n ≤ 5000.
- Общая подзадача. $n \le 300000$.
- Формат вывода / выходного файла (output.txt). В первой строке выведите длину наибольшей возрастающей подпоследовательности, а во второй строке выведите через пробел саму наибольшую возрастающаю подпоследовательность данной последовательности. Если ответов несколько - выведите любой.
- Ограничение по времени. 2 сек.
- Ограничение по памяти. 256 мб.

```
def lis(seq):
    if not seq:
        return (0, [])
    tail = []
    parent = [-1]*len(seq)
    pos = [0]*len(seq)
    for i in range(len(seq)):
        index = bisect.bisect_left(tail, seq[i])
        if index == len(tail):
            tail.append(seq[i])
        else:
            tail[index] = seq[i]
        pos[i] = index
        if index > 0:
            pass
        if i == 0:
            ends = [0]
        if index == len(ends):
            ends.append(i)
        else:
            ends[index] = i
        if index > 0:
            parent[i] = ends[index-1]
        length = len(tail)
        lis_index = ends[length-1]
        lis_sequence = []
        while lis_index != -1:
            lis_sequence.append(seq[lis_index])
            lis_index = parent[lis_index]
```

```
lis_sequence.reverse()
    return (length, lis_sequence)

def task6():
    seq = read_sequence(PATH)
    length, subsequence = lis(seq)
    write_result(length, subsequence, OUTPUT_PATH)
```

Объяснение: Код реализует алгоритм нахождения наибольшей возрастающей подпоследовательности (LIS) в массиве с временной сложностью O(nlogn)O(n \log n). Функция lis принимает последовательность seq и возвращает её длину и саму подпоследовательность. Алгоритм использует массив tail для хранения последних элементов возрастающих подпоследовательностей каждой длины. Для восстановления LIS создаются вспомогательные массивы: parent, чтобы отслеживать предшественников элементов, и ends, указывающий на индексы последних элементов подпоследовательностей. В процессе обработки каждого элемента seq[i] определяется его место в tail через бинарный поиск. Если элемент расширяет текущую подпоследовательность, он добавляется в tail; иначе, заменяет ближайший больший элемент. После обработки восстанавливается подпоследовательность, начиная с последнего элемента LIS. Функция task6 считывает входные данные, вызывает lis, и записывает длину и подпоследовательность в файл.

input	output
6	3
3 29 5 5 28 6	3 5 28

	Затраты памяти (Мб)	Время выполнения (с)
Нижняя граница	0.002	0.004
Пример	0.008	0.020
Верхняя граница	25.000	31.01.00

Вывод: Код эффективно находит наибольшую возрастающую подпоследовательность с использованием бинарного поиска для вставки элементов, обеспечивая сложность O(nlogn)O(n \log n). Алгоритм поддерживает баланс между вычислительной сложностью и памятью, сохраняя вспомогательные данные для восстановления LIS. Результат включает длину и саму подпоследовательность, что делает алгоритм полезным для анализа последовательностей любых размеров.

Задача №7 Шаблоны

Условие:

Многие операционные системы используют шаблоны для ссылки на группы объектов: файлов, пользователей, и т. д. Ваша задача – реализовать простейший алгоритм проверки шаблонов для имен файлов.

В этой задаче алфавит состоит из маленьких букв английского алфавита и точки («.»). Шаблоны могут содержать произвольные символы алфавита, а также два специальных символа: «?» и «*». Знак вопроса («?») соответствует ровно одному произвольному символу. Звездочка «+» соответствует подстроке произвольной длины (возможно, нулевой). Символы алфавита, встречающиеся в шаблоне, отображаются на ровно один такой же символ в проверяемой строчке. Строка считается подходящей под шаблон, если символы шаблона можно последовательно отобразить на символы строки таким образом, как описано выше. Например, строчки «аb», «ааb» и «beda.» подходят под шаблон «*a?», а строчки «bebe», «а» и «ba» –нет.

- Формат ввода / входного файла (input.txt). Первая строка входного файла определяет шаблон. Вторая строка S состоит только из символов алфавита.
 Ее необходимо проверить на соответствие шаблону. Длины обеих строк не превосходят 10 000. Строки могут быть пустыми – будьте внимательны!
- Формат вывода / выходного файла (output.txt). Если данная строка подходит под шаблон, выведите YES. Иначе выведите NO.
- Ограничение по времени. 2 сек.
- Ограничение по памяти. 256 мб.

Объяснение:Код реализует алгоритм проверки строки на соответствие шаблону с использованием динамического программирования. В шаблоне символ? заменяет ровно один символ, * — любую последовательность символов (включая пустую строку), а остальные символы требуют точного совпадения. Функция match pattern создаёт таблицу dp размером (len(pattern)+1) x (len(text)+1), где dp[i][i] показывает, совпадают ли первые і символов шаблона и і символов текста. Пустой шаблон соответствует пустому тексту, а начальные * могут быть равны пустой строке. Далее перебираются все символы шаблона и текста. Если текущие символы совпадают или шаблон содержит?, то значение берётся из предыдущего состояния. При * допускаются два случая: символ пропускается (dp[i-1][j]) или включается (dp[i] [j-1]). Функция возвращает результат совпадения всей строки и шаблона. В task7 из файла считываются шаблон и текст, проверяется их совпадение, и результат записывается в выходной файл YES или NO.

input	output
k?t*n	YES
kitten	

	Затраты памяти (Мб)	Время выполнения (с)
Нижняя граница	0.001	0.001
Пример	0.005	0.010
Верхняя граница	05.00	0.500

Вывод: Алгоритм решает задачу проверки соответствия строки шаблону с использованием динамического программирования, обеспечивая временную сложность O(p x t), где p — длина шаблона, t — длина текста. Пространственная сложность также составляет O(p x t) из-за использования таблицы. Код стабилен и эффективен для обработки шаблонов с произвольной длиной и количеством * или ?, предоставляя точный результат.

Вывод по лабораторной: Отчет по лабораторной работе №7 по теме «Динамическое программирование». Реализованы задачи на нахождение наибольшей общей подпоследовательности, проверки соответствия строки шаблону, а также задачи на поиск наибольшей возрастающей подпоследовательности. Продемонстрирована эффективность алгоритмов с использованием динамического программирования. Задачи выполнены успешно, результаты подтверждены примерами.