

Pareja	Posición variante	Alelo	Cambio (cadena)	Lecturas con la variante (%)	Lecturas en el paciente con posición patogénica / totales (%)	Lecturas en el progenitor con posición patogénica / totales (%)
Paciente - Madre D	173873053	Mutado	T>A (+)	536 (6,48)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873053	Normal	T>C (+)	496 (5,99)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873110	Mutado	A>C (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873110	Normal	A>C (-)	171 (2,07)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873109	Mutado	G>A (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873109	Normal	G>A (-)	171 (2,07)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873107	Mutado	C>G (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873107	Normal	C>A (-)	874 (10,56)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873105	Mutado	T>C (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873105	Normal	T>C (-)	177 (2,14)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873102	Mutado	C>T (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873102	Normal	C>T (-)	174 (2,10)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873100	Mutado	T>C (-)	3 (0,04)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873100	Normal	T>G (-)	175 (2,11)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873099	Mutado	G>T (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873099	Normal	G>T (-)	179 (2,16)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873097	Mutado	T>G (-)	2 (0,02)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)
	173873097	Normal	T>G (-)	179 (2,16)	8276 / 28709 (28,83)	21755 / 61051 (35,63)

Tabla 1: Variantes compartidas entre la madre y el paciente de la familia D.