

标题：使用 Quarto 的 L^AT_EX 模板

Hugo ¹*

¹ 重庆医科大学基础医学院

联系方式:

giantlinlinlin@gmail.com

* 第一作者

现地址: 重庆医科大学基础医学院, 重庆市渝中区石油路, 400016, 中国

数据可用性: 数据和可用代码详见 [GitHub](#)

经费支持: 为爱发电。

利益冲突: 作者声明不存在利益冲突。

摘要

这是一个精简的单文件稿件版本。核心章节直接在主文档中撰写, 减少外部文件依赖并简化维护, 同时保留标题、作者、边注、页脚和分节样式。

引言

该模板展示了简洁的预印本版式, 支持公式、图表与参考文献。对于协作写作, 将核心叙述集中在一个文件中可以减少路径问题并提升迭代效率。本文档已配置 XeLaTeX 引擎, 可稳定处理中英文混排场景。这里给出第一条文献引用示例 (Aton et al. 2025)。

材料与方法

我们采用以可复现性为核心的最小化流程, 包括研究问题定义、数据处理规则记录、统计方法声明, 以及软件版本追踪。所有关键元信息都可放入 YAML 和正文中统一管理。这里给出第二条文献引用示例 (Lin 2025)。

结果

该样式在保留标准结构的同时降低了排版负担。通过统一颜色、标题层级、边注区与页脚规则, 文档可在初稿、预印本和内部审阅之间平滑切换¹。

i Callout 示例

这是一个 Quarto callout 语法示例, 可用于提示关键信息、注意事项或操作建议。

讨论

单文件组织方式提升了可移植性, 并降低投稿时章节文件缺失的风险。对于更大型项目, 后续仍可拆分为多文件并通过 `include` 机制组合, 不影响已有版式定义。

¹ 这是一个示例的脚注。

25 致谢

26 本模板为示例性重构版本，用于展示 Quarto + XeLaTeX 的预印本排版能力。

27 参考文献

- 28 Aton, Matthew, Daniel McDonald, Jorge Cañardo Alastuey, Raeed Azom, Paarth
29 Batra, Valentyn Bezshapkin, Evan Bolyen, et al. 2025. “176.scikit-Bio: A Fun-
30 damental Python Library for Biological Omic Data Analysis.” *Nature Methods*,
31 December. <https://doi.org/10.1038/s41592-025-02981-z>.
32 Lin, Zhicheng. 2025. “178.FOCUS: An AI-Assisted Reading Workflow for Information
33 Overload.” *Nature Biotechnology* 43 (12): 2070–75. [https://doi.org/10.1038/s415](https://doi.org/10.1038/s41587-025-02947-8)
34 [87-025-02947-8](https://doi.org/10.1038/s41587-025-02947-8).