

Αποτελέσματα Αναερόβιας Χώνευσης σε BMPs

Vidianos Giannitsis

April 5, 2024

Contents

1	Dependencies	2
2	Acetate Experiment data reading	2
3	FW Hydrolysate Experiment 1 Data Reading	4
4	Data Processing	5
4.1	Curve Fitting	6
4.2	Plotting	8
5	Acetate Experiment Processing	10
5.1	Acetate Test FW	10
5.2	Acetate Test 0	11
5.3	Acetate Test 1	13
5.4	Acetate Test 2	15
5.5	Acetate Test 4	16
5.6	Παραγωγή μεθανίου χωρίς feed από το δείγμα Ac	17
5.7	Update all helper	18
5.8	Γενικά σχόλια για αυτόν τον κύκλο πειραμάτων	19
6	FW Hydrolysate 1 Processing	19
6.1	Sample 0	19
6.1.1	Results	20
6.2	Sample 1	22
6.2.1	Results	23
6.3	Sample 2	25
6.3.1	Results	26
6.4	Sample 4	28
6.4.1	Results	29
6.5	Untreated FW	31
6.6	Update all	31

Σκοπός του αρχείου αυτού είναι η ανάλυση όλων των αποτελεσμάτων των διάφορων πειραμάτων αναερόβιας χώνευσης στην διάταξη για την εύρεση του biomethane potential. Θα αναλυθούν 3 βασικά πειράματα. Το πρώτο είναι η κινητική παραγωγής μεθανίου από οξικό οξύ, ενώ μετά θα αναλυθούν δύο πειράματα παραγωγής μεθανίου από το υδρόλυμα των αποβλήτων τροφών που παράχθηκε στο προηγούμενο στάδιο. Το αρχείο `./hplc_analysis_notebook.org` περιέχει τα αποτελέσματα των σχετικών πειραμάτων και αναφέρει τα πλεονεκτήματα και μειονεκτήματά τους.

1 Dependencies

Στο αρχείο αυτό θα οριστούν κάποια functions για να διευκολυνθεί η ανάλυση των BMPs, τα οποία θα είναι generic και μετά θα υπάρχουν κάποια specific code blocks για την εφαρμογή σε κάθε πείραμα. Πριν ξεκινήσουμε, κάνουμε activate το DrWatson project για reproducibility. Επίσης κάνουμε load το Dates.jl που θα χρειαστεί παρακάτω, καθώς και τα CSV.jl και DataFrames.jl που είναι πάντα χρήσιμα σε tabular data. Ακόμη, παρακάτω θα χρειαστούν τα LsqFit.jl για την προσαρμογή του μοντέλου Gompertz, StatsBase για υπολογισμό μέσων και Plots.jl για plotting. Το code block αυτό δεν κάνει tangle πουθενά καθώς είναι κομμάτι του generic code που θα χρησιμοποιηθεί σε πολλά σημεία.

deps

```
using DrWatson
@quickactivate "Masters_Thesis"

using Dates
using StatsBase
using CSV, DataFrames
using LsqFit
using Plots
```

2 Acetate Experiment data reading

Τα δεδομένα της αναερόβιας χώνευσης είναι φωτογραφίες των προχωρίδων της διάταξης. Εξετάζοντας πόσο έχει μεταβληθεί η στάθμη τους, μπορούμε να υπολογίσουμε τον παραγόμενο όγκο μεθανίου. Αλλά πρώτα, πρέπει να ξέρουμε σε τι χρόνους έγιναν sampled τα δείγματα. Όλες οι φωτογραφίες έχουν ένα timestamp το οποίο μας βοηθάει να τα διακρίνουμε. Μπορούμε να αναλύσουμε αυτά ώστε να πάρουμε τις στιγμές που βγήκαν οι φωτογραφίες. Αρχικά, παίρνουμε όλα τα filenames με ls. Θα χρησιμοποιήσουμε τα flags -m και -Q για να πάρουμε comma separated output και το κάθε string να έχει double quotes.

lsoutputacetate

```
ls -mQ ../bmp_pictures/Acet_kinetics_screenshots/

"bandicam 2024-03-27 18-45-55-857.jpg", "bandicam 2024-03-27 18-46-57-161.jpg",
"bandicam 2024-03-27 18-48-57-160.jpg", "bandicam 2024-03-27 18-50-57-170.jpg",
"bandicam 2024-03-27 18-52-57-164.jpg", "bandicam 2024-03-27 18-54-57-162.jpg",
"bandicam 2024-03-27 18-56-57-167.jpg", "bandicam 2024-03-27 18-58-57-165.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-00-57-170.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-02-57-179.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-04-57-173.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-06-57-182.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-08-57-185.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-10-57-184.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-12-57-189.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-14-57-187.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-15-06-279.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-19-06-273.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-21-06-276.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-23-06-285.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-25-06-290.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-27-06-301.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-29-06-303.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-31-06-301.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-33-06-297.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-35-06-305.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-37-06-299.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-39-06-297.jpg",
```

```
"bandicam 2024-03-27 19-41-06-307.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-43-06-299.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-45-06-298.jpg", "bandicam 2024-03-27 19-47-06-304.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-48-50-591.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-23-36-175.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-23-50-142.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-24-50-161.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-25-50-156.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-26-50-168.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-27-26-514.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-28-26-502.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-29-26-497.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-29-39-894.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-30-39-902.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-31-39-897.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-32-05-844.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-33-05-843.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-34-05-832.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-35-05-836.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-36-05-835.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-37-05-858.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-38-06-101.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-38-47-045.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-39-47-039.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-40-47-050.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-41-47-047.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-42-47-057.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-43-42-169.jpg", "bandicam 2024-03-29 12-44-41-398.jpg"
```

Αρχικά, κάνουμε load τα dependencies στο script στο οποίο θα γίνει η ανάλυση του πειράματος αυτού.

```
<<deps>>
```

Έπειτα, ξεκινάμε την ανάλυση αποθηκεύοντας τα file names σε ένα vector της Julia κάνοντας copy τα shell results. Αυτό το vector θα γίνεται loaded σε όλα τα code blocks, για να είναι το κάθε ένα reproducible από μόνο του. Έτσι, στο τελικό script θα υπάρχουν πολλές επαναλήψεις.

```
date saving acetate
```

```
file_vec = ["bandicam 2024-03-27 18-45-55-857.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 18-46-57-161.jpg",
"bandicam 2024-03-27 18-48-57-160.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 18-50-57-170.jpg",
"bandicam 2024-03-27 18-52-57-164.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 18-54-57-162.jpg",
"bandicam 2024-03-27 18-56-57-167.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 18-58-57-165.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-00-57-170.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 19-02-57-179.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-04-57-173.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 19-06-57-182.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-08-57-185.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 19-10-57-184.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-12-57-189.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 19-14-57-187.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-15-06-279.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 19-19-06-273.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-21-06-276.jpg", "bandicam 2024-03-27
↳ 19-23-06-285.jpg",
```

```

"bandicam 2024-03-27 19-25-06-290.jpg", "bandicam 2024-03-27
↪ 19-27-06-301.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-29-06-303.jpg", "bandicam 2024-03-27
↪ 19-31-06-301.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-33-06-297.jpg", "bandicam 2024-03-27
↪ 19-35-06-305.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-37-06-299.jpg", "bandicam 2024-03-27
↪ 19-39-06-297.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-41-06-307.jpg", "bandicam 2024-03-27
↪ 19-43-06-299.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-45-06-298.jpg", "bandicam 2024-03-27
↪ 19-47-06-304.jpg",
"bandicam 2024-03-27 19-48-50-591.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-23-36-175.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-23-50-142.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-24-50-161.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-25-50-156.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-26-50-168.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-27-26-514.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-28-26-502.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-29-26-497.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-29-39-894.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-30-39-902.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-31-39-897.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-32-05-844.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-33-05-843.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-34-05-832.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-35-05-836.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-36-05-835.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-37-05-858.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-38-06-101.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-38-47-045.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-39-47-039.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-40-47-050.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-41-47-047.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-42-47-057.jpg",
"bandicam 2024-03-29 12-43-42-169.jpg", "bandicam 2024-03-29
↪ 12-44-41-398.jpg"
]

```

3 FW Hydrolysate Experiment 1 Data Reading

Με την ίδια λογική με παραπάνω, κάνουμε load ότι θα χρειαστεί για αυτό το πείραμα.

```
lsOutputfw1
```

```
ls -mQ ../bmp_pictures/Hydrolyzed_FW_1/
```

```
<<deps>>
```

```

file_vec = ["bandicam 2024-04-01 11-05-53-069.jpg", "bandicam 2024-04-01
↪ 11-09-37-035.jpg",
"bandicam 2024-04-01 11-11-37-051.jpg", "bandicam 2024-04-01
↪ 11-12-37-060.jpg",
"bandicam 2024-04-01 11-13-26-776.jpg", "bandicam 2024-04-01
↪ 11-14-26-770.jpg",
"bandicam 2024-04-01 11-15-26-780.jpg", "bandicam 2024-04-01
↪ 11-21-53-098.jpg",
"bandicam 2024-04-01 11-52-12-665.jpg", "bandicam 2024-04-01
↪ 12-22-12-663.jpg",
"bandicam 2024-04-01 16-52-12-699.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 10-54-01-344.jpg",
"bandicam 2024-04-02 12-54-01-788.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 13-24-01-783.jpg",
"bandicam 2024-04-02 13-54-01-797.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 14-24-01-798.jpg",
"bandicam 2024-04-02 14-54-01-793.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 15-24-01-786.jpg",
"bandicam 2024-04-02 15-54-01-785.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 16-24-01-800.jpg",
"bandicam 2024-04-02 16-54-01-801.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 17-24-01-784.jpg",
"bandicam 2024-04-02 17-54-02-191.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 19-54-02-222.jpg",
"bandicam 2024-04-02 21-54-02-318.jpg", "bandicam 2024-04-02
↪ 23-54-02-573.jpg",
"bandicam 2024-04-03 01-54-02-576.jpg", "bandicam 2024-04-03
↪ 03-54-02-564.jpg",
"bandicam 2024-04-03 05-54-02-863.jpg", "bandicam 2024-04-03
↪ 07-54-02-978.jpg",
"bandicam 2024-04-03 09-54-02-983.jpg", "bandicam 2024-04-03
↪ 12-54-03-516.jpg",
"bandicam 2024-04-03 13-54-03-505.jpg", "bandicam 2024-04-03
↪ 14-24-03-564.jpg"
]

```

4 Data Processing

Έπειτα, μπορούμε να κάνουμε extract τις πληροφορίες που θέλουμε, με το Dates.jl package της Julia. Σε αυτό το code block, δεν θα ορίσουμε το file vector και αυτό θα υποτεθεί defined. Έτσι, δεν μπορούμε να τρέξουμε independently το block αυτό, αλλά μόνο chained σε ένα definition των files, για να μπορεί να τρέξει αντίστοιχα σε κάθε πείραμα. Επίσης, εκτός από να κάνουμε extract τα time stamps, φτιάχνουμε και ένα δεύτερο vector με time stamp dd/mmHH:MM το οποίο είναι πιο βολικό στη χρήση για εμένα.

Στη συνέχεια, ορίζουμε άλλη μία μεταβλητή η οποία δεν υπάρχει, η `inds`. Αυτή είναι τα νούμερα στο `date_vec` που αντιστοιχούν σε ένα ορισμένο πείραμα. Παίρνουμε τα time stamps

και στην αρχική αλλά και στην formatted μορφή για αυτό το πείραμα και μετά υπολογίζουμε τα time steps και σε δευτερόλεπτα αλλά και σε λεπτά. Η αφαίρεση δύο DateTime objects δίνει αποτέλεσμα σε Millisecond, οπότε ο χρόνος σε δευτερόλεπτα διαιρεί με 1000 Millisecond ενώ σε λεπτά με 60000 Millisecond. Έπειτα, ορίζουμε ένα τρίτο undefined variable το exp_meth_vol, το οποίο είναι η παραγωγή μεθανίου μεταξύ των δύο φωτογραφιών, όπως σημειώνεται σε αυτές. Για την κινητική, θέλουμε την αθροιστική παραγωγή μεθανίου, οπότε χρησιμοποιούμε την συνάρτηση cumsum.

Τέλος, αποθηκεύουμε όλα αυτά τα δεδομένα σε ένα table του Tables.jl interface, ώστε να μπορούμε να το κάνουμε DataFrame με headers για καλύτερο readability ή να το κάνουμε export σε csv. Για το csv export χρειαζόμαστε ένα file name. Αυτό μπορεί για άλλη μία φορά να μην οριστεί εδώ και να χρησιμοποιηθεί ως variable. Βέβαια, ένα σημαντικό σημείο είναι πως τα πειράματα με οξικό πάνε γρήγορα, ενώ με το υδρόλυμα των FW αρκετά πιο αργά. Οπότε, αν το variable source είναι ίσο με "Hydrolyzed FW", κάνουμε save τον χρόνο σε λεπτά και ώρες, αλλιώς σε λεπτά και δευτερόλεπτα.

bmpdataprocessing

```
date_vec = [DateTime(SubString(file_vec[i], 10, 32), "yyyy-mm-dd
→ HH-MM-SS-sss") for i in 1:length(file_vec)]
formatted_date = [Dates.format(date_vec[i], "dd/mm_HH:MM") for i in
→ 1:length(date_vec)]

exp_stamps = date_vec[inds]
exp_formatted = formatted_date[inds]
exp_sec = round.([(exp_stamps[i] - exp_stamps[1])/Millisecond(1000) for i
→ in 1:length(inds)]; digits = 4)
exp_min = round.([(exp_stamps[i] - exp_stamps[1])/Millisecond(60000) for i
→ in 1:length(inds)]; digits = 4)
exp_hour = round.([(exp_stamps[i] - exp_stamps[1])/Millisecond(3600000)
→ for i in 1:length(inds)]; digits = 4)
exp_cum_meth_vol = round.(cumsum(exp_meth_vol); digits = 3)

if source == "Hydrolyzed FW"
    exp_data = Tables.table(hcat(exp_formatted, exp_min, exp_hour,
→ exp_meth_vol, exp_cum_meth_vol), header = [:Timestamp, :Minutes,
→ :Hours, :Methane_Volume, :Cumulative_Methane_Volume])
else
    exp_data = Tables.table(hcat(exp_formatted, exp_sec, exp_min,
→ exp_meth_vol, exp_cum_meth_vol), header = [:Timestamp, :Seconds,
→ :Minutes, :Methane_Volume, :Cumulative_Methane_Volume])
end

CSV.write(datadir("exp_pro", exp_name*".csv"), exp_data)
exp_df = DataFrame(exp_data)
```

4.1 Curve Fitting

Επίσης, θέλουμε να κάνουμε fit τα δεδομένα σε κάποιο κινητικό μοντέλο για την διεργασία, κάτι το οποίο θα βοηθήσει στη μοντελοποίηση της. Το μοντέλο Gompertz είναι ένα μοντέλο

που χρησιμοποιείται συχνά για kinetic modelling διεργασιών όπως η παραγωγή μεθανίου μέσω αναερόβιας χώνευσης, οπότε θα χρησιμοποιηθεί αυτό. Η εξίσωση που θα πρέπει να προσαρμοστεί είναι η

$$P(t) = P_{\max} \exp \left(- \exp \left[\frac{R_{\max} e (\lambda - t)}{P_{\max}} + 1 \right] \right)$$

όπου $P(t)$ η παραγωγή μεθανίου την στιγμή t , P_{\max} η μέγιστη ποσότητα μεθανίου που μπορεί να παραχθεί από το υπόστρωμα αυτό, R_{\max} ο ειδικός ρυθμός παραγωγής μεθανίου, λ το lag time και e η σταθερά Euler. Παρακάτω φαίνεται το fit των δεδομένων στην συνάρτηση αυτή. Αξίζει να αναφερθεί η χρήση της μεταβλητής `input_cod` που φαίνεται παρακάτω. Η μεταβλητή αυτή εκφράζει το COD της τροφοδοσίας. Διαιρούμε τον όγκο μεθανίου με αυτήν ώστε το διάγραμμα να εκφράζει ειδικό ρυθμό παραγωγής μεθανίου σε $\frac{\text{mL CH}_4}{\text{g sCOD}}$, το οποίο είναι πιο εύκολα συγκρίσιμο με βιβλιογραφία, σε σχέση με τον όγκο μεθανίου. Επίσης, αξίζει να σημειωθεί η χρήση bounded optimization. Οι παραμέτροι του μοντέλου έχουν νόημα μόνο ως θετικοί αριθμοί. Στα πειράματα με χρήση οξικό ως υπόστρωμα, όπου οι μικροοργανισμοί αντιδρούν ταχύτατα στην αλλαγή του περιβάλλοντος, η προσαρμογή του μοντέλου έδινε αρνητικό lag time. Αυτό προφανώς δεν έχει νόημα και στην πράξη, το συμπέρασμα είναι πως το lag time είναι μηδενικό (σχεδόν ακαριαία αντίδραση των μικροοργανισμών στην προσθήκη οξικού στο σύστημα). Επίσης, αξίζει να αναφερθεί η μεταβλητή `kinetics`. Σε κάποια πειράματα (πχ τις μετρήσεις παραγωγής μεθανίου χωρίς προσθήκη υποστρώματος που έγινε σε ένα δείγμα) δεν θέλουμε να κάνουμε προσαρμογή με το μοντέλο Gompertz. Αυτή η μεταβλητή είναι στην ουσία ένα toggle off του plot με την κινητική, για όσα πειράματα δεν το χρειάζονται.

Παρακάτω υπάρχουν 2 code blocks. Το πρώτο κάνει fit σε timescale λεπτών ενώ το δεύτερο σε ωρών. Ανάλογα με το πείραμα, μπορεί να βγάλουν ίδια αποτελέσματα, αλλά ενδέχεται να είναι και διαφορετικά.

bmppcurvefittingmin

```
gompertz(t, p) = @. p[1]*exp(-exp(((p[2]*exp(1))/p[1])*(p[3] - t)) + 1))

lb = [0.0, 0.0, 0.0]
ub = [Inf, Inf, Inf]
specific_meth_vol = exp_cum_meth_vol./input_cod

fit = curve_fit(gompertz, exp_min, specific_meth_vol, p0, lower = lb,
    ↪ upper = ub)

model_params = fit.param
gompertz(t) = gompertz(t, model_params)

model_res = fit.resid
SS_res = sum(model_res.^2)
SS_tot = sum([(specific_meth_vol[i] - mean(specific_meth_vol)).^2 for i in
    ↪ 1:length(specific_meth_vol)])
r_squared = 1 - SS_res/SS_tot

kinetics = true
timescale = "min"
```

bmppcurvefittinghour

```

gompertz(t, p) = @. p[1]*exp(-exp(((p[2]*exp(1))/p[1])*(p[3] - t)) + 1))
lb = [0.0, 0.0, 0.0]
ub = [Inf, Inf, Inf]
specific_meth_vol = exp_cum_meth_vol./input_cod

fit = curve_fit(gompertz, exp_hour, specific_meth_vol, p0, lower = lb,
    ↪ upper = ub)

model_params = fit.param
gompertz(t) = gompertz(t, model_params)

model_res = fit.resid
SS_res = sum(model_res.^2)
SS_tot = sum([(specific_meth_vol[i] - mean(specific_meth_vol)).^2 for i in
    ↪ 1:length(specific_meth_vol)])
r_squared = 1 - SS_res/SS_tot

kinetics = true
timescale = "hour"

```

4.2 Plotting

Τέλος, έχοντας προσαρμόσει το μοντέλο Gompertz σε κάθε σετ δεδομένων, θέλουμε να φτιάξουμε κάποια διαγράμματα με τα δεδομένα, τα οποία να δείχνουν την παραγόμενη ποσότητα μεθανίου στον χρόνο. Τα πειραματικά δεδομένα θα γίνουν plotted σε scatter plots. Χάριν ευκολίας, μπορούν να γίνουν plotted διαγράμματα και της στιγμιαίας αλλά και της συνολικής παραγωγής μεθανίου και σε άξονα χρόνου είτε λεπτά ή δευτερόλεπτα. Ο παραπάνω κώδικας υπολογίζει το fit του cumulative methane production σε λεπτά, καθώς θεωρείται η πιο χρήσιμη έκφραση, οπότε αυτό θα είναι και το διάγραμμα που έχει fit την καμπύλη. Εδώ θα εκμεταλλευτούμε τα variables που υπολογίζονται παραπάνω καθώς και 2 ακόμη, το `sample` και το `source`. Το `source` είναι ένα απλό variable το οποίο εκφράζει αν η τροφοδοσία ήταν οξικό ή υδρόλυμα για να τα ξεχωρίζουμε πιο εύκολα. Επίσης, χρησιμοποιείται για να κάνει generate τα σωστά plots (δευτερόλεπτα και λεπτά με fitting σε λεπτά για οξικό, λεπτά και ώρες με fitting ανάλογα το timescale για τα υδρόλύματα). Το `sample` εκφράζει το νούμερο του δείγματος για να είναι πιο εύκολο το naming scheme.

bmpdataplotting

```

if source == "Hydrolyzed FW"
    bmp_cumulative_scatter_min = scatter(exp_min, exp_cum_meth_vol,
    ↪ markersize = 5, legend = false, xlabel = "Time (min)", ylabel =
    ↪ "Cumulative Methane Volume (mL)", title = "Cumulative Methane
    ↪ Production from "*source*" - "*sample, size = (700, 470))
    savefig(bmp_cumulative_scatter_min, plotsdir("BMPs", source,
    ↪ "cumulative_"*exp_name*"_min.png"))

```



```

bmp_cumulative_scatter_hour = scatter(exp_hour, exp_cum_meth_vol,
↪ markersize = 5, legend = false, xlabel = "Time (hour)", ylabel =
↪ "Cumulative Methane Volume (mL)", title = "Cumulative Methane
↪ Production from "*source*" - "*sample, size = (700, 470))
savefig(bmp_cumulative_scatter_hour, plotsdir("BMPs", source,
↪ "cumulative_"*exp_name*"_hour.png"))

if timescale == "hour"
    bmp_specific_methane = scatter(exp_hour, specific_meth_vol,
↪ markersize = 5, label = "Experimental Data", xlabel = "Time
↪ (hour)", ylabel = "Cumulative Methane Production (mL/g sCOD)",
↪ title = "Methane Production Kinetics from "*source*" -
↪ "*sample, size = (700, 470), legend = :bottomright)
    plot!(exp_hour, gompertz(exp_hour), label = "Gompertz Model with
↪  $R^2 =$ "*string(round(r_squared, digits = 3)))
    savefig(bmp_specific_methane, plotsdir("BMPs", source,
↪ "methane_kinetics_"*exp_name*"_*timescale*.png"))
elseif timescale == "min"
    bmp_specific_methane = scatter(exp_min, specific_meth_vol,
↪ markersize = 5, label = "Experimental Data", xlabel = "Time
↪ (min)", ylabel = "Cumulative Methane Production (mL/g sCOD)",
↪ title = "Methane Production Kinetics from "*source*" -
↪ "*sample, size = (700, 470), legend = :bottomright)
    plot!(exp_min, gompertz(exp_min), label = "Gompertz Model with  $R^2$ 
↪ = "string(round(r_squared, digits = 3)))
    savefig(bmp_specific_methane, plotsdir("BMPs", source,
↪ "methane_kinetics_"*exp_name*"_*timescale*.png"))
end
else
    bmp_cumulative_scatter_min = scatter(exp_min, exp_cum_meth_vol,
↪ markersize = 5, legend = false, xlabel = "Time (min)", ylabel =
↪ "Cumulative Methane Volume (mL)", title = "Cumulative Methane
↪ Production from "*source*" - "*sample, size = (700, 470))
    savefig(bmp_cumulative_scatter_min, plotsdir("BMPs", source,
↪ "cumulative_"*exp_name*"_min.png"))

    bmp_cumulative_scatter_sec = scatter(exp_sec, exp_cum_meth_vol,
↪ markersize = 5, legend = false, xlabel = "Time (sec)", ylabel =
↪ "Cumulative Methane Volume (mL)", title = "Cumulative Methane
↪ Production from "*source*" - "*sample, size = (700, 470))
    savefig(bmp_cumulative_scatter_sec, plotsdir("BMPs", source,
↪ "cumulative_"*exp_name*"_sec.png"))

    if kinetics
        bmp_specific_methane = scatter(exp_min, specific_meth_vol,
↪ markersize = 5, label = "Experimental Data", xlabel = "Time
↪ (min)", ylabel = "Cumulative Methane Production (mL/g sCOD)",
↪ title = "Methane Production Kinetics from "*source*" -
↪ "*sample, size = (700, 470), legend = :bottomright)

```

```

plot!(exp_min, gompertz(exp_min), label = "Gompertz Model with R^2
↪ = "*string(round(r_squared, digits = 3)))
savefig(bmp_specific_methane, plotsdir("BMPs", source,
↪ "methane_kinetics_"*exp_name*".png"))
end
end

```

5 Acetate Experiment Processing

Παρακάτω αναφέρονται οι δοκιμές που έγιναν με 100 μL οξικό σε κάθε δείγμα και θα χρησιμοποιηθούν πιθανόν συγκριτικά σε σχέση με τα FW. Μετά από τα code blocks που τρέχουν τον κώδικα θα υπάρχουν και κάποια από τα corresponding αποτελέσματα. Συγκεκριμένα, ο πίνακας με τα κινητικά δεδομένα, το διάγραμμα παραγωγής μεθανίου το οποίο έχει το curve fitting και το διάγραμμα στιγμιαίας παραγωγής μεθανίου. Υπάρχουν και κάποια άλλα χρήσιμα διαγράμματα, τα οποία είναι αποθηκευμένα, αλλά εδώ παρατίθενται κάποια για καλύτερη ανάγνωση του αρχείου.

5.1 Acetate Test FW

Το section αυτό αναφέρεται στη δοκιμή με 100 μL οξικό στο δείγμα labelled ως FW (στο οποίο θα τροφοδοτηθούν untreated FW). Notably, δεν είχε διαρροή στις 27/03, αλλά για κάποιον λόγο, στην επαναδοκιμή στις 29/03 δεν παρήγαγε μεθάνιο (τουλάχιστον στην προχοίδα). Οπότε, θα χρησιμοποιηθεί αυτό της 27/03.

acet_{testFW}

Data Analysis on Sample FW

<<date_saving_acetate>>

```

inds = 1:12
exp_meth_vol = [0, 12, 5, 3, 1.5, 1.5, 1, 1.5, 1, 0.5, 0.5, 0.5]
exp_name = "acet_test_fw"
source = "Acetate"
sample = "Sample FW"
input_cod = 0.1
p0 = [250.0, 60.0, 1.0]

```

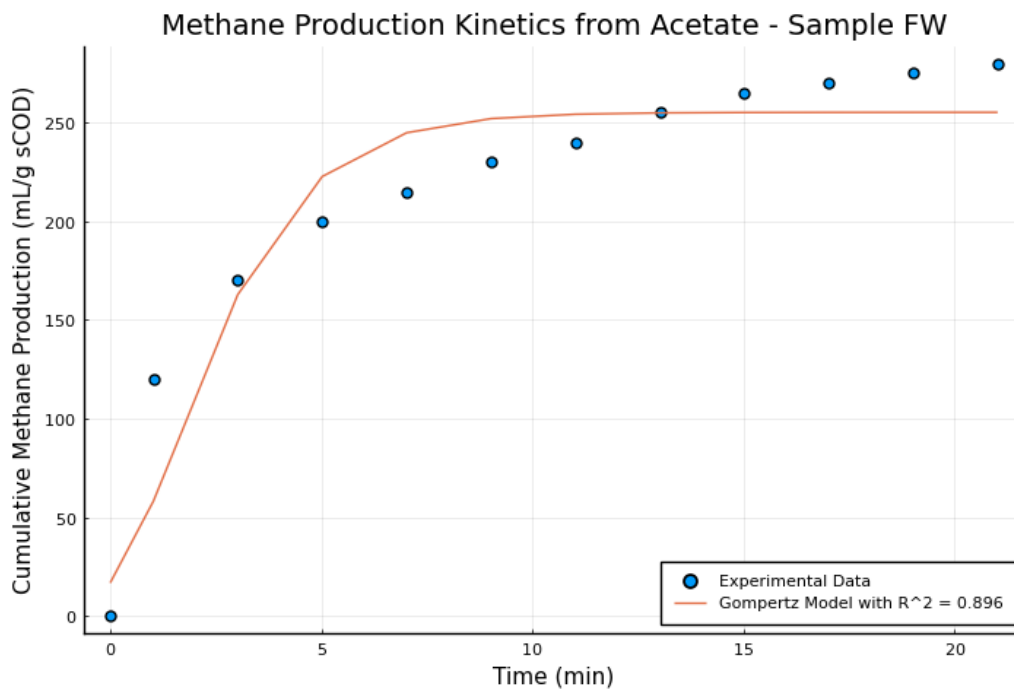
```

<<bmp_data_processing>>
<<bmp_curve_fitting_min>>
model_acet_1 = vcat(sample, model_params, r_squared)
<<bmp_data_plotting>>

```

Table 1: Κινητικά δεδομένα

Timestamp	Seconds	Minutes	Methane _{Volume}	CumulativeMethaneVolume
27/03 _{18:45}	0.0	0.0	0.0	0.0
27/03 _{18:46}	61.304	1.02173	12.0	12.0
27/03 _{18:48}	181.303	3.02172	5.0	17.0
27/03 _{18:50}	301.313	5.02188	3.0	20.0
27/03 _{18:52}	421.307	7.02178	1.5	21.5
27/03 _{18:54}	541.305	9.02175	1.5	23.0
27/03 _{18:56}	661.31	11.0218	1.0	24.0
27/03 _{18:58}	781.308	13.0218	1.5	25.5
27/03 _{19:00}	901.313	15.0219	1.0	26.5
27/03 _{19:02}	1021.322	17.0220	0.5	27.0
27/03 _{19:04}	1141.316	19.0219	0.5	27.5
27/03 _{19:06}	1261.325	21.0220	0.5	28.0



5.2 Acetate Test 0

Το section αυτό αναφέρεται στη δοκιμή με 100 μL οξικό στο δείγμα (0).

`acettest0`

Data Analysis on Sample 0

`<<date_saving_acetate>>`

`inds = 34:51`

`exp_meth_vol = [0, 4, 12, 7.5, 4.5, 2.5, 2.5, 4, 0.5, 2, 2, 1, 1, 1, 1, 1,
↪ 0.5, 0.5]`

`exp_name = "acet_test_0"`

```

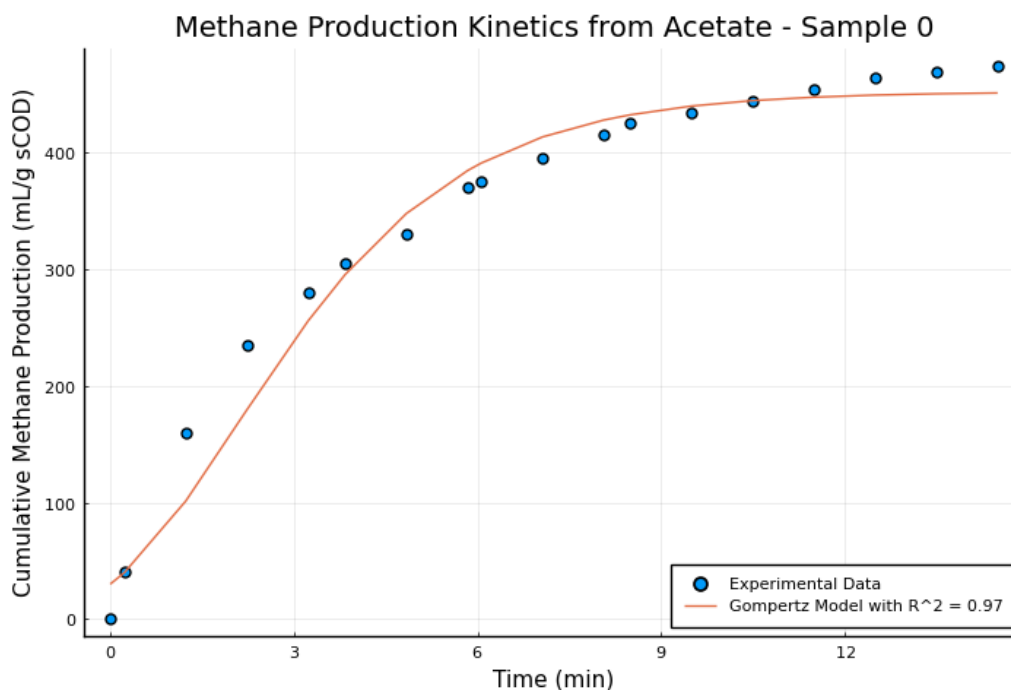
source = "Acetate"
sample = "Sample 0"
input_cod = 0.1
p0 = [400.0, 80.0, 1.0]

<<bmp_data_processing>>
<<bmp_curve_fitting_min>>
model_acet_0 = vcat(sample, model_params, r_squared)
<<bmp_data_plotting>>

```

Table 2: Κινητικά δεδομένα

Timestamp	Seconds	Minutes	MethaneVolume	CumulativeMethaneVolume
29/03 ₁₂ :23	0.0	0.0	0.0	0.0
29/03 ₁₂ :23	13.967	0.2327	4.0	4.0
29/03 ₁₂ :24	73.986	1.2331	12.0	16.0
29/03 ₁₂ :25	133.981	2.2330	7.5	23.5
29/03 ₁₂ :26	193.993	3.2332	4.5	28.0
29/03 ₁₂ :27	230.339	3.8389	2.5	30.5
29/03 ₁₂ :28	290.327	4.8388	2.5	33.0
29/03 ₁₂ :29	350.322	5.8387	4.0	37.0
29/03 ₁₂ :29	363.719	6.0619	0.5	37.5
29/03 ₁₂ :30	423.727	7.0621	2.0	39.5
29/03 ₁₂ :31	483.722	8.0620	2.0	41.5
29/03 ₁₂ :32	509.669	8.4945	1.0	42.5
29/03 ₁₂ :33	569.668	9.4945	1.0	43.5
29/03 ₁₂ :34	629.657	10.4943	1.0	44.5
29/03 ₁₂ :35	689.661	11.4943	1.0	45.5
29/03 ₁₂ :36	749.66	12.4943	1.0	46.5
29/03 ₁₂ :37	809.683	13.4947	0.5	47.0
29/03 ₁₂ :38	869.926	14.4987	0.5	47.5



5.3 Acetate Test 1

Το section αυτό αναφέρεται στη δοκιμή με 100 μL οξικό στο δείγμα (1). Αξίζει να αναφερθεί πως την πρώτη πειραματική ημέρα (27/03), παρήγαγε αέριο χωρίς να τροφοδοτηθεί με κάποιο υπόστρωμα. Η κινητική αυτής της παραγωγής (η οποία δεν ξέρουμε σε τι ευθύνεται) θα αναλυθεί παρακάτω. Βέβαια, μόλις τροφοδοτήθηκε με οξικό και η παραγωγή του τελείωσε, σταμάτησε και εκείνη η παραγωγή. Βέβαια, είχε την χαμηλότερη παραγωγή βιοαερίου μόλις τροφοδοτήθηκε με οξικό, οπότε ενδέχεται αυτή η μέτρηση να ήταν προβληματική.

`acettest1`

Data Analysis on Sample 1

`<<date_saving_acetate>>`

`inds = 38:56`

`exp_meth_vol = [0, 6.5, 5, 3, 0.5, 1.5, 1.5, 0.5, 1, 0.5, 0.5, 0.3, 0.2,`
`↪ 0.2, 0.1, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05]`

`exp_name = "acet_test_1"`

`source = "Acetate"`

`sample = "Sample 1"`

`input_cod = 0.1`

`p0 = [200.0, 40.0, 1.0]`

`<<bmp_data_processing>>`

`<<bmp_curve_fitting_min>>`

`model_acet_ac = vcat(sample, model_params, r_squared)`

`<<bmp_data_plotting>>`

`sys:1: UserWarning: No data for colormapping provided via 'c'. Parameters 'vmin', 'vmax' wi`

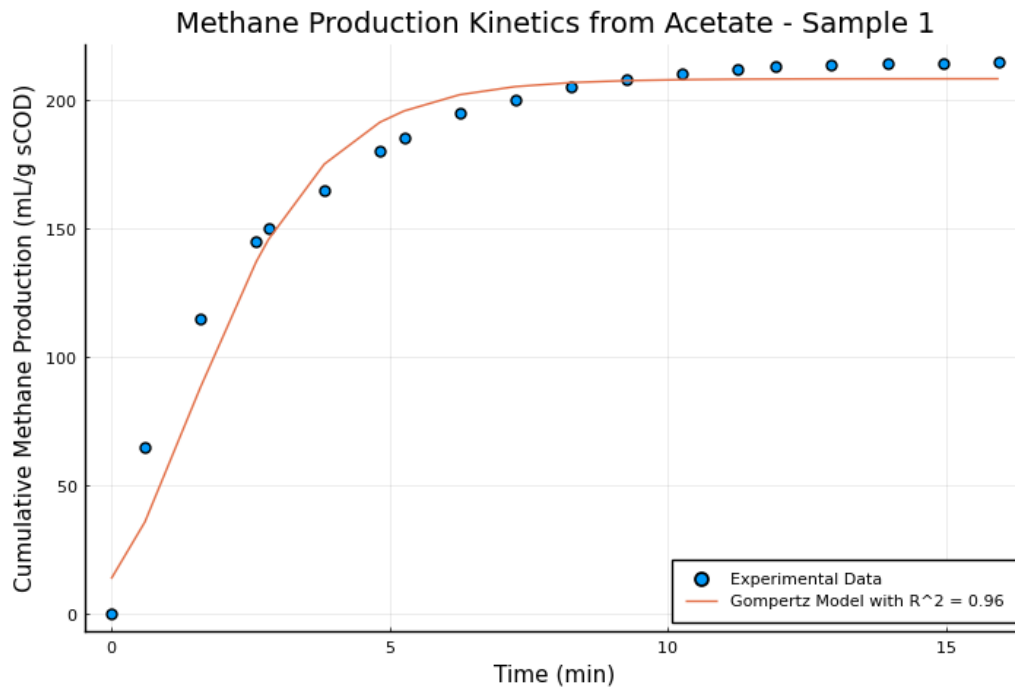
sys:1: UserWarning: No data for colormapping provided via 'c'. Parameters 'vmin', 'vmax' will be used.

sys:1: UserWarning: No data for colormapping provided via 'c'. Parameters 'vmin', 'vmax' will be used.

"/home/vidianos/Documents/9o_εξάμηνο/Masters_Thesis/plots/BMPs/Acetate/methane_kinetics_acetate"

Table 3: Κινητικά δεδομένα

Timestamp	Seconds	Minutes	Methane _{Volume}	Cumulative _{Methane} Volume
29/03 ₁₂ :26	0.0	0.0	0.0	0.0
29/03 ₁₂ :27	36.346	0.6058	6.5	6.5
29/03 ₁₂ :28	96.334	1.6055	5.0	11.5
29/03 ₁₂ :29	156.329	2.6055	3.0	14.5
29/03 ₁₂ :29	169.726	2.8288	0.5	15.0
29/03 ₁₂ :30	229.734	3.8289	1.5	16.5
29/03 ₁₂ :31	289.729	4.8288	1.5	18.0
29/03 ₁₂ :32	315.676	5.2613	0.5	18.5
29/03 ₁₂ :33	375.675	6.2612	1.0	19.5
29/03 ₁₂ :34	435.664	7.2610	0.5	20.0
29/03 ₁₂ :35	495.668	8.2611	0.5	20.5
29/03 ₁₂ :36	555.667	9.2611	0.3	20.8
29/03 ₁₂ :37	615.69	10.2615	0.2	21.0
29/03 ₁₂ :38	675.933	11.2655	0.2	21.2
29/03 ₁₂ :38	716.877	11.9479	0.1	21.3
29/03 ₁₂ :39	776.871	12.9479	0.05	21.35
29/03 ₁₂ :40	836.882	13.9480	0.05	21.4
29/03 ₁₂ :41	896.879	14.9479	0.05	21.45
29/03 ₁₂ :42	956.889	15.9482	0.05	21.50



5.4 Acetate Test 2

To section αυτό αναφέρεται στη δοκιμή με 100 μL οξικό στο δείγμα (2).

`acettest2`

Data Analysis on Sample 2

`<<date_saving_acetate>>`

`inds = 44:57`

`exp_meth_vol = [0, 4, 7, 5.5, 4.5, 2.5, 2, 1, 1, 1, 0.5, 0.5, 0.45, 0.05]`

`exp_name = "acet_test_2"`

`source = "Acetate"`

`sample = "Sample 2"`

`input_cod = 0.1`

`p0 = [300.0, 60.0, 1.0]`

`<<bmp_data_processing>>`

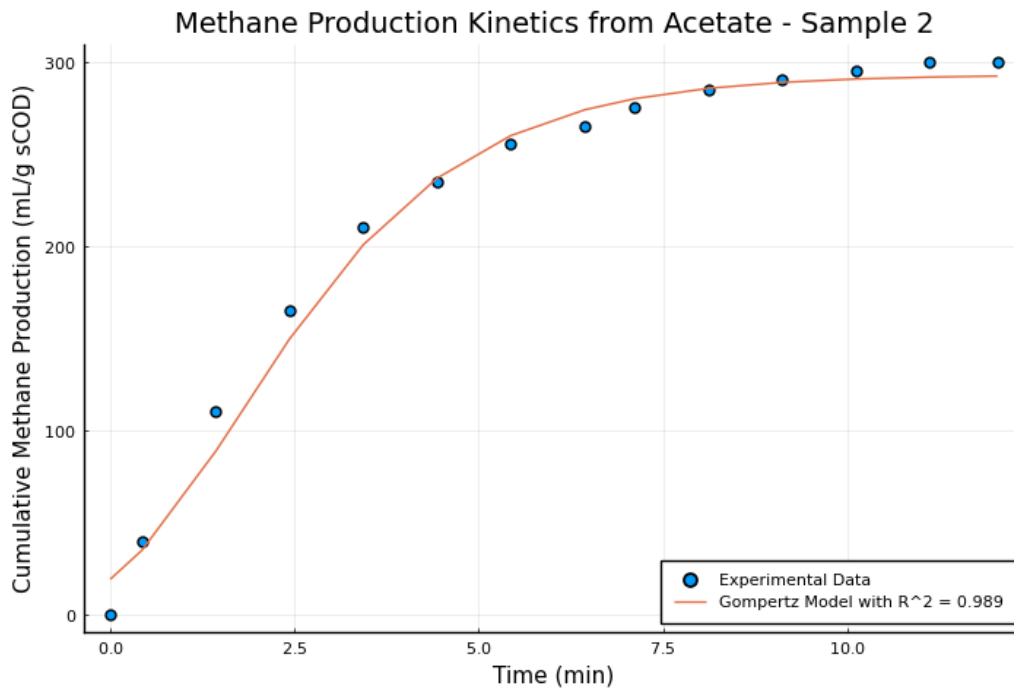
`<<bmp_curve_fitting_min>>`

`model_acet_2 = vcat(sample, model_params, r_squared)`

`<<bmp_data_plotting>>`

Table 4: Κινητικά Δεδομένα

Timestamp	Seconds	Minutes	MethaneVolume	CumulativeMethaneVolume
29/03 ₁₂ :31	0.0	0.0	0.0	0.0
29/03 ₁₂ :32	25.947	0.4324	4.0	4.0
29/03 ₁₂ :33	85.946	1.4324	7.0	11.0
29/03 ₁₂ :34	145.935	2.4322	5.5	16.5
29/03 ₁₂ :35	205.939	3.4323	4.5	21.0
29/03 ₁₂ :36	265.938	4.4323	2.5	23.5
29/03 ₁₂ :37	325.961	5.4327	2.0	25.5
29/03 ₁₂ :38	386.204	6.4367	1.0	26.5
29/03 ₁₂ :38	427.148	7.1191	1.0	27.5
29/03 ₁₂ :39	487.142	8.1190	1.0	28.5
29/03 ₁₂ :40	547.153	9.1192	0.5	29.0
29/03 ₁₂ :41	607.15	10.1192	0.5	29.5
29/03 ₁₂ :42	667.16	11.1193	0.45	29.95
29/03 ₁₂ :43	722.272	12.0379	0.05	30.0



5.5 Acetate Test 4

Το section αυτό αναφέρεται στη δοκιμή με 100 μL οξικό στο δείγμα (4).

`acettest4`

Data Analysis on Sample 4

`<<date_saving_acetate>>`

`inds = 41:50`

`exp_meth_vol = [0, 4, 10, 9, 4, 5, 5, 4, 3, 3]`

`exp_name = "acet_test_4"`

`source = "Acetate"`

`sample = "Sample 4"`

`input_cod = 0.1`

`p0 = [400.0, 100.0, 1.0]`

`<<bmp_data_processing>>`

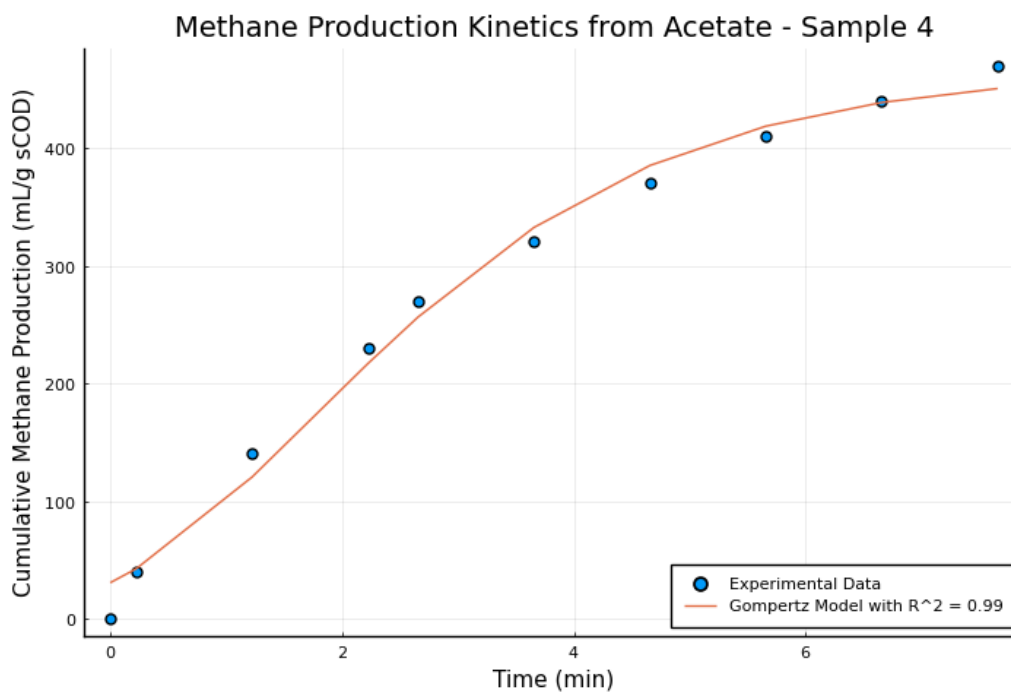
`<<bmp_curve_fitting_min>>`

`model_acet_4 = vcat(sample, model_params, r_squared)`

`<<bmp_data_plotting>>`

Table 5: Κινητικά δεδομένα

Timestamp	Seconds	Minutes	Methane _{Volume}	CumulativeMethaneVolume
29/03 _{12:29}	0.0	0.0	0	0
29/03 _{12:29}	13.397	0.2233	4	4
29/03 _{12:30}	73.405	1.2234	10	14
29/03 _{12:31}	133.4	2.2233	9	23
29/03 _{12:32}	159.347	2.6558	4	27
29/03 _{12:33}	219.346	3.6557	5	32
29/03 _{12:34}	279.335	4.6556	5	37
29/03 _{12:35}	339.339	5.6556	4	41
29/03 _{12:36}	399.338	6.6556	3	44
29/03 _{12:37}	459.361	7.6560	3	47



5.6 Παραγωγή μεθανίου χωρίς feed από το δείγμα Ac

Όπως προαναφέρθηκε, το δείγμα Ac παρήγαγε μεθάνιο χωρίς να τροφοδοτηθεί με κάτι για κάποιον ανεξήγητο λόγο. Καθώς έχουμε πειραματικά δεδομένα για αυτή την κατανάλωση (και μάλιστα 2 data sets), θα γίνει και μία ανάλυση για αυτό.

no_{feed}ac1

No Feed Data Analysis

<<date_saving_acetate>>

inds = 1:17

exp_meth_vol = [0, 9, 3, 2, 3, 3, 3, 2.5, 2.5, 2.5, 1.5, 3, 1, 1, 1.5,
↪ 0.5, 0.1]

exp_name = "no_feed_ac_1"

```

source = "No_Feed"
sample = "Sample Ac"
kinetics = false

<<bmp_data_processing>>
<<bmp_data_plotting>>

nofeedac2

<<date_saving_acetate>>

inds = 18:33
exp_meth_vol = [0, 3, 2, 2, 2, 3, 2, 2, 3, 2, 2.5, 2.5, 2, 2.5, 2.5, 2]
exp_name = "no_feed_ac_2"
source = "No_Feed"
sample = "Sample Ac"
kinetics = false

<<bmp_data_processing>>
<<bmp_data_plotting>>

```

5.7 Update all helper

Σε αυτό το section θα υπάρχει ένα helper code block που θα κάνει evaluate όλα τα παραπάνω. Έτσι, αν αλλάξει κάτι το οποίο επηρεάζει περισσότερα από ένα code blocks, θα μπορούν να γίνουν updated ταυτόχρονα πιο εύκολα. Επίσης, μία επιπλέον χρησιμότητα του code block αυτού είναι ότι αποθηκεύει ένα CSV που συγκεντρώνει όλα τα δεδομένα των κινητικών παραμέτρων από την προσαρμογή που έγινε παραπάνω, το οποίο είναι χρήσιμο για συγκρίσεις, παρόλο που τα συγκεκριμένα πειράματα δεν είναι τόσο σημαντικό να συγκριθούν.

```

updateacetatetests

<<acet_test_0>>
<<acet_test_1>>
<<acet_test_2>>
<<acet_test_4>>
<<acet_test_ac>>
<<no_feed_ac_1>>
<<no_feed_ac_2>>

model_fit_table = Tables.table(vcat(reshape(model_acet_ac, 1, 5),
→ reshape(model_acet_0, 1, 5), reshape(model_acet_1, 1, 5),
→ reshape(model_acet_2, 1, 5), reshape(model_acet_4, 1, 5)), header =
→ [:Sample_Name, :Methane_Production_Potential,
→ :Methane_Production_Rate, :Lag_Time, :R_squared])
CSV.write(datadir("exp_pro", "methane_from_acetate_kinetics.csv"),
→ model_fit_table)
DataFrame(model_fit_table)

```

Table 6: Kinetic Models				
SampleName	ProductionPotential	ProductionRate	LagTime	R_squared
Sample 0	452.518	80.388	0.0	0.967
Sample 1	208.238	55.028	0.0	0.960
Sample 2	292.865	61.914	0.0	0.989
Sample 4	466.239	97.778	0.0	0.990
Sample FW	255.214	55.941	0.0	0.896

5.8 Γενικά σχόλια για αυτόν τον κύκλο πειραμάτων

Ο πρώτος αυτός κύκλος πειραμάτων ήταν για την δοκιμή προσθήκης οξικού οξέος, του ιδανικού υποστρώματος της μεθανογένεσης, για να δούμε πως θα αντιδράσει σε αυτό το σύστημα. Δεν έχει τόσο συγκριτικό χαρακτήρα μεταξύ των πειραμάτων (παρόλο που ένα σχόλιο που μπορεί να γίνει είναι πως τα πειράματα τα οποία ήταν ίδια πρακτικά στην αρχή, είχαν αρκετά διαφορετική απόκριση στην προσθήκη οξικού), αλλά τον χαρακτήρα της βέλτιστης δυνατής μεθανογένεσης από κάποιο υπόστρωμα. Από την μελέτη αυτή, προέκυψαν αρκετά συμπεράσματα.

Ένα ενδιαφέρον σχόλιο είναι πως το σύστημα ανταποκρίνεται στην προσθήκη του οξικού πολύ γρήγορα (μετά από μερικά δευτερόλεπτα κιόλας βλέπουμε παραγωγή μεθανίου) και στο μοντέλο αυτό μεταφράζεται ως μηδενικό lag-phase.

Το δείγμα 4 είχε αναπάντεχα υψηλό ρυθμό παραγωγής μεθανίου, το οποίο φάνηκε από το γεγονός ότι παράχθηκε την μέγιστη ποσότητα οξικού που περιμέναμε σε περίπου 7 λεπτά ενώ τα υπόλοιπα χρειάστηκαν τουλάχιστον 15 λεπτά. Αυτό φάνηκε και στο μοντέλο, όπου το δείγμα αυτό είχε πολύ υψηλό ειδικό ρυθμό παραγωγής μεθανίου. Το δείγμα Ac ήταν αυτό που παρήγαγε αέριο χωρίς κάποιο υπόστρωμα. Μόλις προστέθηκε οξικό, αντέδρασε σε αυτό και ο ρυθμός του αυξήθηκε, αλλά επιβράδυνε πολύ γρήγορα, με αποτέλεσμα να έχει πολύ αργό ρυθμό παραγωγής μεθανίου και το χαμηλότερο δυναμικό παραγωγής μεθανίου. Μπορεί η αλλαγή αυτή να ευθύνεται σε αυτήν την απόκριση. Τα δείγματα 0 και 4 είχαν πολύ μεγαλύτερη παραγωγικότητα από τα άλλα 3, χωρίς να υπάρχει κάποια εύκολη εξήγηση για αυτό.

6 FW Hydrolysate 1 Processing

Στο section αυτό θα αναλυθούν τα αποτελέσματα του πρώτου πειράματος που χρησιμοποίησε FW hydrolysate ως υπόστρωμα. Σκοπός είναι να γίνει μία σύγκριση αυτού με το οξικό για κάθε δοχείο για να προκύψουν αποτελέσματα για το κάθε πείραμα. Οι 5 δοκιμές που έγιναν ήταν στα δείγματα 0, 1, 2 και 4 (τα οποία πλέον έχουν νόημα επειδή εκφράζουν την ποσότητα mix που προστέθηκε κατά την υδρόλυση) αλλά επίσης έγινε και ένα πείραμα για να μετρηθεί η απόδοση σε μεθάνιο του δείγματος μόνο με FW (ενδέχεται να υπήρξε διαρροή στο δείγμα αυτό καθώς η παραγωγή ήταν απειροελάχιστη).

6.1 Sample 0

Το δείγμα αυτό είναι labelled ως δείγμα 0 καθώς είναι το δείγμα το οποίο τροφοδοτήθηκε με treated FW, όμως χωρίς προσθήκη του μιξ ενζύμων και μικροοργανισμών. Όπως έχουμε δει, όλες οι αντιδράσεις που γίνονται κατά την υδρόλυση και ζύμωση μπορούν να γίνουν και χωρίς το μιξ. Όμως, γινόντουσαν πιο αποτελεσματικά με την προσθήκη αυτού. Οπότε, ελπίζουμε πως το δείγμα αυτό θα έχει χειρότερα αποτελέσματα από τα άλλα, το οποίο θα μας οδηγήσει στην υπόθεση ότι το μιξ βελτιώνει όχι μόνο τα κριτήρια υδρόλυσης και οξογένεσης αλλά και αυτό της μεθανογένεσης.

hydrolysate_{0ad}

Data Analysis on Hydrolysate with 0 ml

<<date_saving_fw_1>>

inds = 1:34

exp_meth_vol = [0, 1.0, 0.2, 0.02, 0.02, 0.01, 0.2, 0.2, 0.5, 0.2, 0.5,
→ 1.5, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1,
→ 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.05, 0.05, 0.05]

exp_name = "hydrolysate_0"

source = "Hydrolyzed FW"

sample = "Sample 0"

input_cod = 0.1

<<bmp_data_processing>>

The same model is fit either with min or hour

p0 = [50.0, 0.4, 1.0]

<<bmp_curve_fitting_min>>

model_hydro_0_min = vcat(sample, model_params, r_squared)

<<bmp_data_plotting>>

p0 = [40.0, 1.0, 1.0]

<<bmp_curve_fitting_hour>>

model_hydro_0_hour = vcat(sample, model_params, r_squared)

<<bmp_data_plotting>>

6.1.1 Results

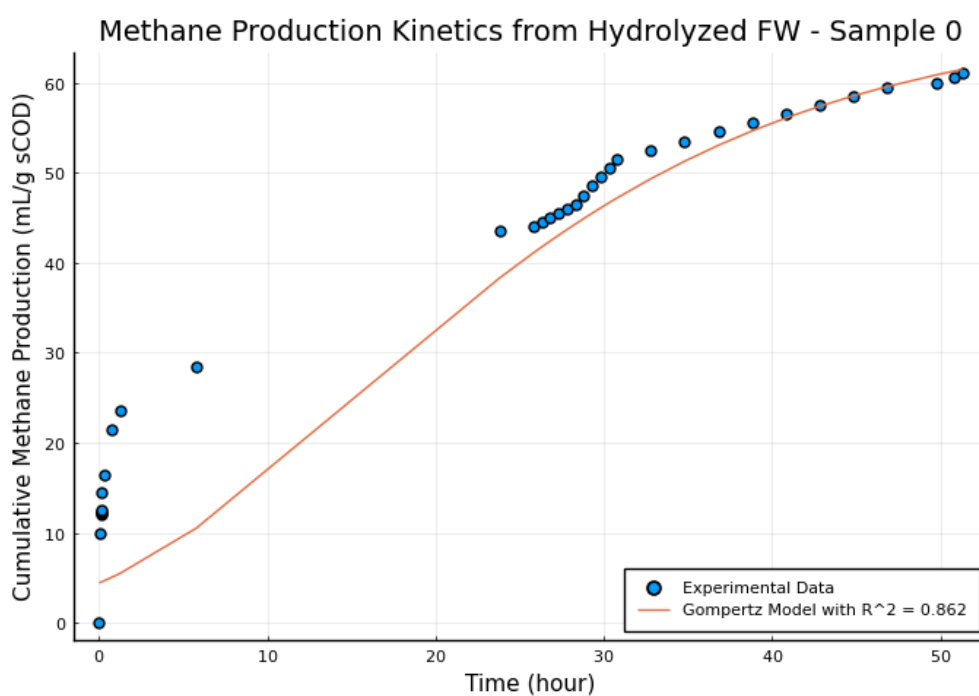
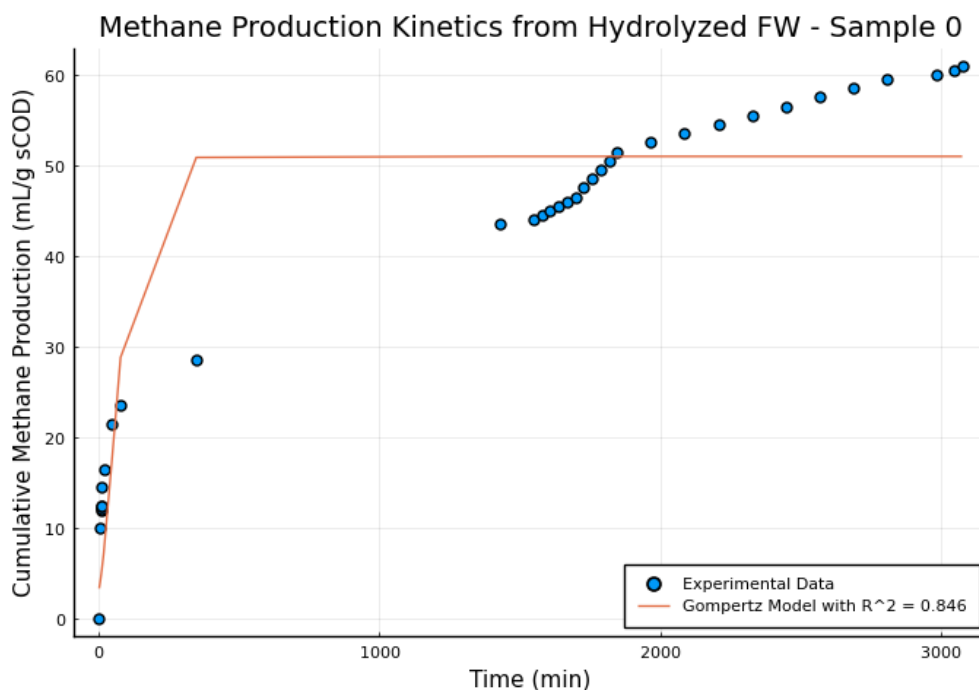
Παρακάτω φαίνονται τα αποτελέσματα του σχετικού πειράματος.

Παρήγαγε 6.1 ml μεθανίου, το οποίο είναι το 12.8% του πειράματος με οξικό. Σχετικά με την προσαρμογή των δεδομένων του σε ένα μοντέλο Gompertz, υπάρχουν 2 πιθανά μοντέλα που ταιριάζουν στο πείραμα. Στο πρώτο, ο ειδικός ρυθμός ανάπτυξης είναι μεγάλος, το οποίο κάνει fit τέλεια στις μετρήσεις της πρώτης ώρας όπου η παραγωγή είναι γρήγορη. Όμως, προβλέπει την στάσιμη φάση λίγες ώρες μετά, το οποίο δεν ισχύει καθώς την 2η μέρα υπάρχει μία καλή παραγωγικότητα μεθανίου. Παρόλα αυτά, έχει καλό R^2 . Αυτό το μοντέλο είναι πιο εύκολο να προβλεφθεί με x άξονα σε λεπτά, όπου δεν χρειάζεται πάρα πολύ υψηλή αρχική συνθήκη. Ο προβλεπόμενος ειδικός ρυθμός ανάπτυξης θα είναι $0.384 \frac{ml}{g \ sCOD_{min}}$ ή $23.03 \frac{ml}{g \ sCOD_{hour}}$.

Όμως, υπάρχει και ένα δεύτερο μοντέλο με καλή προσαρμογή (μάλιστα είναι ελαφρώς καλύτερη). Αν ο ειδικός ρυθμός ανάπτυξης είναι χαμηλός, υπάρχει μοντέλο που προσαρμόζεται σχεδόν τέλεια στην 2η και 3η μέρα. Συγκεκριμένα, με ειδικό ρυθμό $1.636 \frac{ml}{g \ sCOD_{hour}}$ πετυχαίνεται μία πολύ καλή προσαρμογή. Όμως, αυτό είναι αρκετά λάθος για την πρώτη μέρα.

Ένα πιθανό συμπέρασμα μπορεί να είναι πως κάτι συμβαίνει στον αντιδραστήρα το οποίο επιβραδύνει σημαντικά τον μέγιστο ειδικό ρυθμό ανάπτυξης, ο οποίος μπαίνει στο μοντέλο.

Timestamp	Minutes	Hours	MethaneVolume	CumulativeMethaneVolume
01/04 ₁₁ :05	0.0	0.0	0.0	0.0
01/04 ₁₁ :09	3.7328	0.0622	1.0	1.0
01/04 ₁₁ :11	5.733	0.0956	0.2	1.2
01/04 ₁₁ :12	6.7332	0.1122	0.02	1.22
01/04 ₁₁ :13	7.5618	0.126	0.02	1.24
01/04 ₁₁ :14	8.5617	0.1427	0.01	1.25
01/04 ₁₁ :15	9.5618	0.1594	0.2	1.45
01/04 ₁₁ :21	16.0005	0.2667	0.2	1.65
01/04 ₁₁ :52	46.3266	0.7721	0.5	2.15
01/04 ₁₂ :22	76.3266	1.2721	0.2	2.35
01/04 ₁₆ :52	346.3272	5.7721	0.5	2.85
02/04 ₁₀ :54	1428.1379	23.8023	1.5	4.35
02/04 ₁₂ :54	1548.1453	25.8024	0.05	4.4
02/04 ₁₃ :24	1578.1452	26.3024	0.05	4.45
02/04 ₁₃ :54	1608.1455	26.8024	0.05	4.5
02/04 ₁₄ :24	1638.1455	27.3024	0.05	4.55
02/04 ₁₄ :54	1668.1454	27.8024	0.05	4.6
02/04 ₁₅ :24	1698.1453	28.3024	0.05	4.65
02/04 ₁₅ :54	1728.1453	28.8024	0.1	4.75
02/04 ₁₆ :24	1758.1455	29.3024	0.1	4.85
02/04 ₁₆ :54	1788.1455	29.8024	0.1	4.95
02/04 ₁₇ :24	1818.1452	30.3024	0.1	5.05
02/04 ₁₇ :54	1848.152	30.8025	0.1	5.15
02/04 ₁₉ :54	1968.1526	32.8025	0.1	5.25
02/04 ₂₁ :54	2088.1542	34.8026	0.1	5.35
02/04 ₂₃ :54	2208.1584	36.8026	0.1	5.45
03/04 ₀₁ :54	2328.1584	38.8026	0.1	5.55
03/04 ₀₃ :54	2448.1582	40.8026	0.1	5.65
03/04 ₀₅ :54	2568.1632	42.8027	0.1	5.75
03/04 ₀₇ :54	2688.1651	44.8028	0.1	5.85
03/04 ₀₉ :54	2808.1652	46.8028	0.1	5.95
03/04 ₁₂ :54	2988.1741	49.8029	0.05	6.0
03/04 ₁₃ :54	3048.1739	50.8029	0.05	6.05
03/04 ₁₄ :24	3078.1749	51.3029	0.05	6.1



6.2 Sample 1

Το δείγμα αυτό τροφοδοτήθηκε με το υδρόλυμα το οποίο είχε προσθήκη 1 ml mix. Στο αρχικό κινητικό πείραμα, το δείγμα αυτό είχε αρκετά παρόμοια συμπεριφορά με το 0 και χειρότερη αυτής του 1. Από την μέτρηση του COD του, είχε αναπάντεχα υψηλό sCOD. Αυτό σημαίνει είτε πως έγινε κάποιο λάθος στην ανάλυση ή ότι απλώς έγινε πολύ καλύτερη υδρόλυση από ότι περιμέναμε στο πείραμα αυτό. Με βάση το sCOD του, αναμένεται να έχει καλά αποτελέσματα. Με βάση την HPLC του αρχικού πειράματος, θα περιμέναμε να είναι λίγο καλύτερο από το 0.

hydrolysate_{1ad}

```
### Data Analysis on Hydrolysate with 1 ml ###
```

```
<<date_saving_fw_1>>
```

```
inds = 2:34
```

```
exp_meth_vol = [0, 2.0, 0.5, 0.5, 0.5, 0.5, 0.5, 0, 0.2, 0.5, 2.0, 0.3,  
→ 0.3, 0.3, 0.1, 0.6, 0.6, 0.5, 0.5, 0.5, 0.4, 0.6, 0.1, 0.05, 0.05,  
→ 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.3, 0.2, 0.2]
```

```
exp_name = "hydrolysate_1"
```

```
source = "Hydrolyzed FW"
```

```
sample = "Sample 1"
```

```
input_cod = 0.1
```

```
p0 = [130.0, 10.0, 1.0]
```

```
<<bmp_data_processing>>
```

```
<<bmp_curve_fitting_min>>
```

```
model_hydro_1_min = vcat(sample, model_params, r_squared)
```

```
<<bmp_data_plotting>>
```

```
p0 = [200.0, 5.0, 1.0]
```

```
<<bmp_curve_fitting_hour>>
```

```
model_hydro_1_hour = vcat(sample, model_params, r_squared)
```

```
<<bmp_data_plotting>>
```

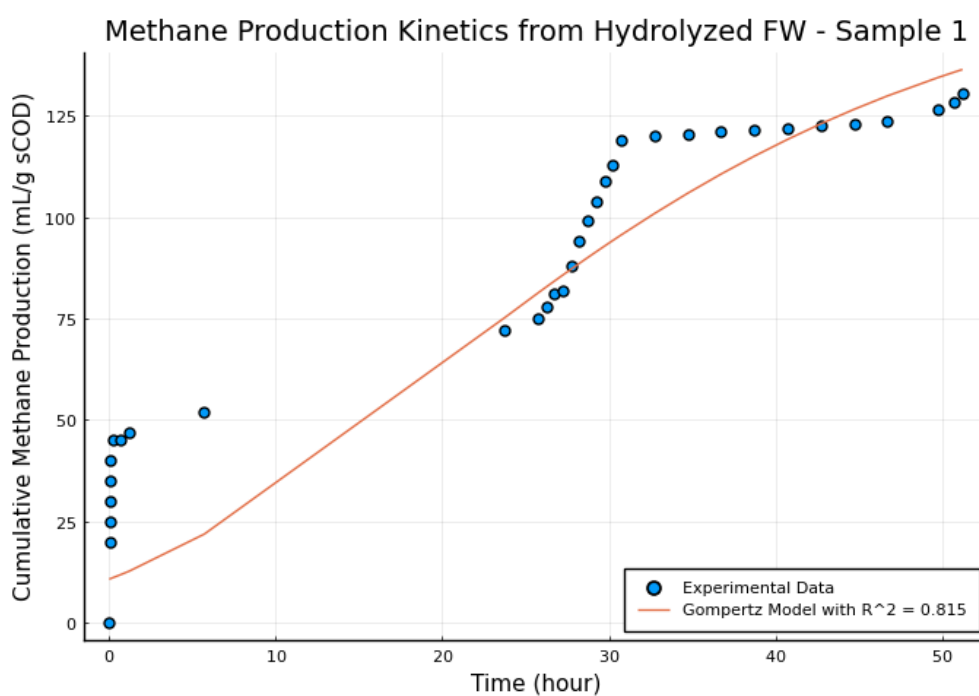
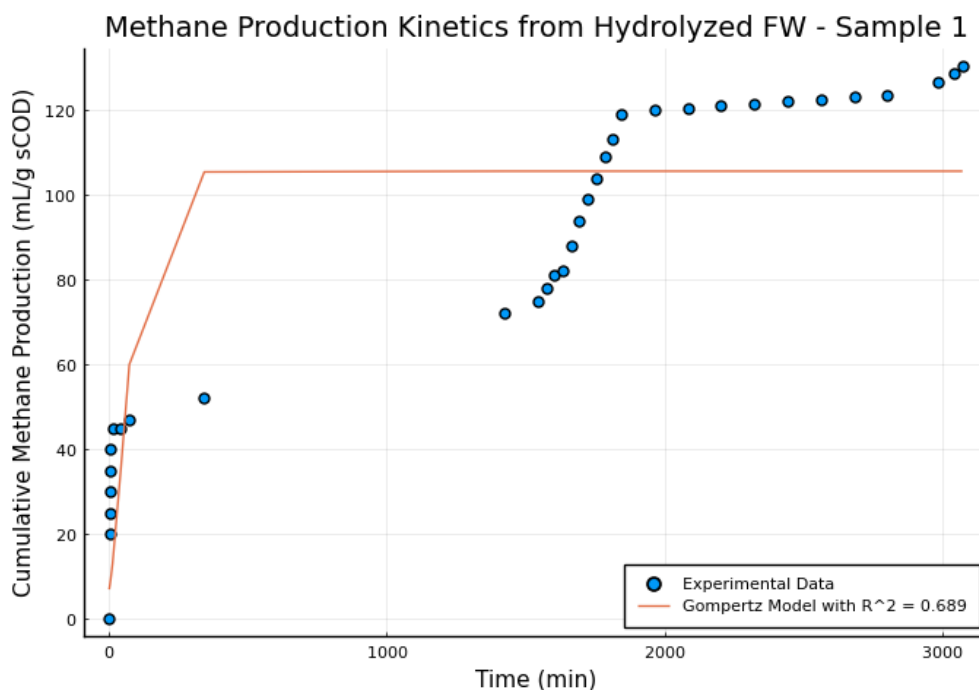
6.2.1 Results

Το πείραμα αυτό παρήγαγε 13.05 ml μεθάνιο, το οποίο είναι το 60.7% του πειράματος με οξικό καθώς εκείνο το πείραμα είχε μία σχετικά χαμηλή παραγωγικότητα για οξικό. Υπάρχει η σκέψη ότι μπορεί λόγω της διεργασίας που συνέβαινε αρχικά στο δείγμα αυτό (παραγωγή μεθανίου χωρίς τροφή) να επηρεάστηκε η παραγωγικότητα του και αυτό το ποσοστό να μην είναι τόσο έμπιστο.

Από άποψη προσαρμογής, το πείραμα αυτό έχει το πρόβλημα πως μεταξύ της 2ης και 3ης μέρας όχι μόνο επιβραδύνθηκε αρκετά το πείραμα (όπως στο 0 ml) αλλά σχεδόν σταμάτησε. Όμως, το πρωί της τρίτης μέρας, λίγο πριν σταματήσουμε το πείραμα, η παραγωγή αυξήθηκε σχετικά σημαντικά. Οπότε, η προσαρμογή του είναι λίγο πιο δύσκολη. Υπάρχει πάλι το φαινόμενο των 2 ρυθμών (ενός γρήγορου για τα δείγματα της 1ης μέρας και ενός αργού για μετά), όμως, ο γρήγορος είναι σημαντικά χειρότερος εδώ (R^2 0.689 αντί για 0.815), προβλέπει με λιγότερη ακρίβεια ακόμη και την πρώτη μέρα και η στάσιμη φάση του είναι πολύ χαμηλά. Ο αργός ρυθμός είναι και αυτός σχετικά λάθος επειδή δεν μπορεί να προβλέψει την δημιουργία στάσιμης φάσης και μετά επανεκίνησης της χώνευσης (κάτι που δεν νομίζω να προβλέπεται από οποιοδήποτε μοντέλο). Οπότε, κάνει underestimate το σημείο που ακόμη παράγει και overestimate όταν έχει αρχίσει η στάσιμη φάση. Βέβαια, για τόσα πειραματικά σημεία (τα οποία έχουν και κάποια προβλήματα που δεν μπορούν να εξηγηθούν εύκολα), η προσαρμογή με $R^2 = 0.815$ είναι σχετικά καλή.

Το μοντέλο με τον γρήγορο ρυθμό έχει ειδικό ρυθμό ανάπτυξης $0.841 \frac{ml}{g \ sCOD_{min}}$ ή $50.43 \frac{ml}{g \ sCOD_{hour}}$ ενώ το αργό έχει ρυθμό $3.175 \frac{ml}{g \ sCOD_{hour}}$.

Timestamp	Minutes	Hours	MethaneVolume	CumulativeMethaneVolume
01/04 ₁₁ :09	0.0	0.0	0.0	0.0
01/04 ₁₁ :11	2.0003	0.0333	2.0	2.0
01/04 ₁₁ :12	3.0004	0.05	0.5	2.5
01/04 ₁₁ :13	3.829	0.0638	0.5	3.0
01/04 ₁₁ :14	4.8289	0.0805	0.5	3.5
01/04 ₁₁ :15	5.8291	0.0972	0.5	4.0
01/04 ₁₁ :21	12.2677	0.2045	0.5	4.5
01/04 ₁₁ :52	42.5938	0.7099	0.0	4.5
01/04 ₁₂ :22	72.5938	1.2099	0.2	4.7
01/04 ₁₆ :52	342.5944	5.7099	0.5	5.2
02/04 ₁₀ :54	1424.4052	23.7401	2.0	7.2
02/04 ₁₂ :54	1544.4126	25.7402	0.3	7.5
02/04 ₁₃ :24	1574.4125	26.2402	0.3	7.8
02/04 ₁₃ :54	1604.4127	26.7402	0.3	8.1
02/04 ₁₄ :24	1634.4127	27.2402	0.1	8.2
02/04 ₁₄ :54	1664.4126	27.7402	0.6	8.8
02/04 ₁₅ :24	1694.4125	28.2402	0.6	9.4
02/04 ₁₅ :54	1724.4125	28.7402	0.5	9.9
02/04 ₁₆ :24	1754.4128	29.2402	0.5	10.4
02/04 ₁₆ :54	1784.4128	29.7402	0.5	10.9
02/04 ₁₇ :24	1814.4125	30.2402	0.4	11.3
02/04 ₁₇ :54	1844.4193	30.7403	0.6	11.9
02/04 ₁₉ :54	1964.4198	32.7403	0.1	12.0
02/04 ₂₁ :54	2084.4214	34.7404	0.05	12.05
02/04 ₂₃ :54	2204.4256	36.7404	0.05	12.1
03/04 ₀₁ :54	2324.4257	38.7404	0.05	12.15
03/04 ₀₃ :54	2444.4255	40.7404	0.05	12.2
03/04 ₀₅ :54	2564.4305	42.7405	0.05	12.25
03/04 ₀₇ :54	2684.4324	44.7405	0.05	12.3
03/04 ₀₉ :54	2804.4325	46.7405	0.05	12.35
03/04 ₁₂ :54	2984.4414	49.7407	0.3	12.65
03/04 ₁₃ :54	3044.4412	50.7407	0.2	12.85
03/04 ₁₄ :24	3074.4422	51.2407	0.2	13.05



6.3 Sample 2

Το δείγμα το οποίο στην υδρόλυση είχε 2 ml από το μιξ. Με βάση το αρχικό πείραμα υδρόλυσης, αυτό και το 4 ml είχαν το καλύτερο performance και ελάχιστη διαφορά μεταξύ τους (κατά βάση στην συγκέντρωση γαλακτικού οξέος) οπότε θα αναμέναμε εδώ να παρατηρηθεί η καλύτερη μεθανογένεση.

hydrolysate_{2ad}

Data Analysis on Hydrolysate with 2 ml

```

<<date_saving_fw_1>>

inds = 7:34
exp_meth_vol = [0, 6, 0.5, 0.1, 0.5, 1.5, 0.2, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1,
↳ 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1, 0.1,
↳ 0.2, 0.2]
exp_name = "hydrolysate_2"
source = "Hydrolyzed FW"
sample = "Sample 2"
input_cod = 0.1

<<bmp_data_processing>>

p0 = [100.0, 0.01, 1.0]
<<bmp_curve_fitting_min>>
model_hydro_2_min = vcat(sample, model_params, r_squared)
<<bmp_data_plotting>>

p0 = [100.0, 1000.0, 0.03]
<<bmp_curve_fitting_hour>>
model_hydro_2_hour = vcat(sample, model_params, r_squared)
<<bmp_data_plotting>>

```

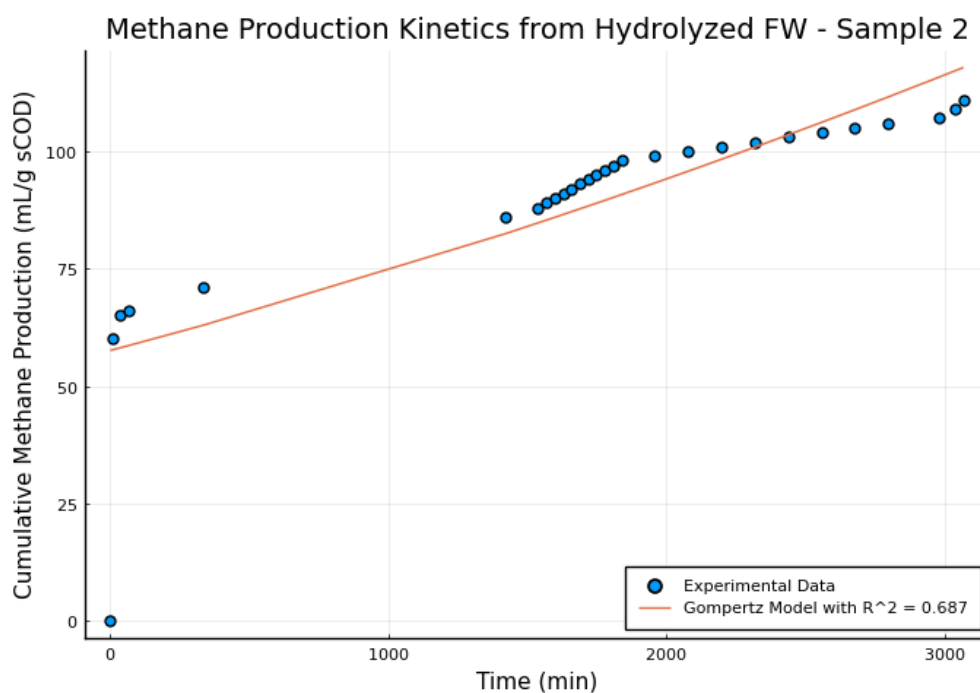
6.3.1 Results

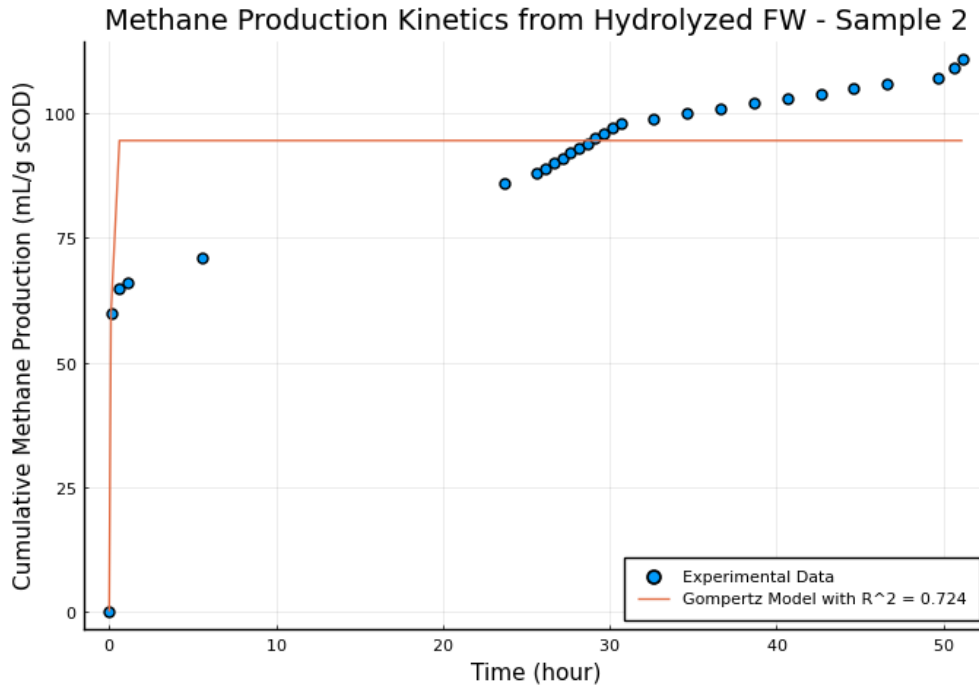
Το παραγώμενο μεθάνιο είναι 11.1 ml, δηλαδή 37% του προβλεπόμενου μεθανίου με βάση το οξικό.

Ένα πολύ βασικό πρόβλημα του πειράματος αυτού είναι πως έχουμε μία μεγάλη παραγωγικότητα μεθανίου στην πρώτη φωτογραφία, όμως αυτή ήταν 6.5 λεπτά μετά την αρχή. Οπότε, δύνανται να υπάρχουν πάρα πολλά κινητικά μοντέλα τα οποία είναι αποδεχτά. Αξίζει να σημειωθεί πως το καλύτερο R^2 είναι 0.724, το οποίο δείχνει πως κανένα από τα μοντέλα δεν είναι ιδιαίτερα αξιόπιστο. Το πρόβλημα της δειγματοληψίας αυτής είναι πιθανόν να φταίει.

Τα τέσσερα δυνατά μοντέλα διακρίνονται ως εξής: Μπορεί ο ρυθμός να είναι αρκετά χαμηλός ώστε να προσομοιώνει το τέλος της χώνευσης, το οποίο είναι αργό. Ο ρυθμός αυτός είναι $0.032 \frac{ml}{g \text{ sCOD min}}$ ή $1.92 \frac{ml}{g \text{ sCOD min}}$, ο οποίος είναι παρόμοιας τάξης μεγέθους με τον αργό ρυθμό των άλλων δειγμάτων. Όπως και στο sample 1 όμως, το αποτέλεσμα αυτό δεν έχει καλό R^2 και μάλλον δεν θεωρείται έμπιστο. Το άλλο μοντέλο που ακολουθεί την λογική των παραπάνω είναι το χειρότερο δυνατό μοντέλο ($R^2 = 0.639$) το οποίο έχει ειδικό ρυθμό ανάπτυξης $1.192 \frac{ml}{g \text{ sCOD min}}$ (ο οποίος είναι παρόμοιας τάξης μεγέθους με τους άλλους 2, αλλά λίγο μεγαλύτερος) και την λογική ότι στα πρώτα 6 λεπτά παράχθηκε το περισσότερο μεθάνιο. Το καλύτερο δυνατό μοντέλο έχει παρόμοια λογική πολύ γρήγορου ειδικού ρυθμού ανάπτυξης ($15.483 \frac{ml}{g \text{ sCOD min}}$), αλλά ένα lag phase 2.42 λεπτών. Η λογική που μπορούν να ισχύουν και τα δύο είναι ότι βλέπουμε αποτέλεσμα σε 6.5 λεπτά περίπου, οπότε, μπορεί να υπήρχε ένα lag time στην αρχή και μετά να εξελίχθηκε πιο γρήγορα το φαινόμενο. Επίσης, ένα μοντέλο με ακόμη μεγαλύτερο lag time αλλά και ειδικό ρυθμό ανάπτυξης προέκυψε και είχε σχεδόν identical R^2 με το παραπάνω. Καθώς κανένα άλλο μοντέλο δεν έχει παρουσιάσει lag time, το πιο εύλογο θα ήταν να ισχύει ένα από τα 2 πρώτα μοντέλα. Όμως, απουσία άλλων δεδομένων, το καλύτερο μοντέλο είναι αυτό με το μικρό lag phase.

Timestamp	Minutes	Hours	Methane _{Volume}	Cumulative _{Methane} Volume
01/04 ₁₁ :15	0.0	0.0	0.0	0.0
01/04 ₁₁ :21	6.4386	0.1073	6.0	6.0
01/04 ₁₁ :52	36.7648	0.6127	0.5	6.5
01/04 ₁₂ :22	66.7647	1.1127	0.1	6.6
01/04 ₁₆ :52	336.7653	5.6128	0.5	7.1
02/04 ₁₀ :54	1418.5761	23.6429	1.5	8.6
02/04 ₁₂ :54	1538.5835	25.6431	0.2	8.8
02/04 ₁₃ :24	1568.5834	26.1431	0.1	8.9
02/04 ₁₃ :54	1598.5836	26.6431	0.1	9.0
02/04 ₁₄ :24	1628.5836	27.1431	0.1	9.1
02/04 ₁₄ :54	1658.5836	27.6431	0.1	9.2
02/04 ₁₅ :24	1688.5834	28.1431	0.1	9.3
02/04 ₁₅ :54	1718.5834	28.6431	0.1	9.4
02/04 ₁₆ :24	1748.5837	29.1431	0.1	9.5
02/04 ₁₆ :54	1778.5837	29.6431	0.1	9.6
02/04 ₁₇ :24	1808.5834	30.1431	0.1	9.7
02/04 ₁₇ :54	1838.5902	30.6432	0.1	9.8
02/04 ₁₉ :54	1958.5907	32.6432	0.1	9.9
02/04 ₂₁ :54	2078.5923	34.6432	0.1	10.0
02/04 ₂₃ :54	2198.5966	36.6433	0.1	10.1
03/04 ₀₁ :54	2318.5966	38.6433	0.1	10.2
03/04 ₀₃ :54	2438.5964	40.6433	0.1	10.3
03/04 ₀₅ :54	2558.6014	42.6434	0.1	10.4
03/04 ₀₇ :54	2678.6033	44.6434	0.1	10.5
03/04 ₀₉ :54	2798.6034	46.6434	0.1	10.6
03/04 ₁₂ :54	2978.6123	49.6435	0.1	10.7
03/04 ₁₃ :54	3038.6121	50.6435	0.2	10.9
03/04 ₁₄ :24	3068.6131	51.1436	0.2	11.1





6.4 Sample 4

Το δείγμα 4 ήταν αυτό με τα 4 ml mix στην υδρόλυση. Είναι η μέγιστη ποσότητα που χρησιμοποιήθηκε για τα πειράματα χώνευσης καθώς το 8 ml δεν είχε ιδιαίτερα μεγάλη διαφορά και είναι πολύ πιο ακριβό. Όπως προαναφέρθηκε, αναμένουμε να έχει παρόμοια ποιότητα με το 2 ml καθώς με εξαίρεση μίας ποσότητας γαλακτικού είναι σχεδόν ίδια.

hydrolysate_{4ad}

Data Analysis on Hydrolysate with 4 ml

```
<<date_saving_fw_1>>
```

```
inds = 5:34
```

```
exp_meth_vol = [0, 13, 0.1, 0.2, 0.1, 0.2, 0.5, 1, 0.4, 0.1, 0.3, 0.1,
→ 0.1, 0.1, 0.0, 0.0, 0.0, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05, 0.05,
→ 0.05, 0.05, 0.2, 0.2, 0.2, 0.1]
```

```
exp_name = "hydrolysate_4"
```

```
source = "Hydrolyzed FW"
```

```
sample = "Sample 4"
```

```
input_cod = 0.1
```

```
<<bmp_data_processing>>
```

```
p0 = [170.0, 150.0, 1.0]
```

```
<<bmp_curve_fitting_min>>
```

```
model_hydro_4_min = vcat(sample, model_params, r_squared)
```

```
<<bmp_data_plotting>>
```

```
p0 = [170.0, 1000.0, 0.1]
```

```
<<bmp_curve_fitting_hour>>
model_hydro_4_hour = vcat(sample, model_params, r_squared)
<<bmp_data_plotting>>
```

6.4.1 Results

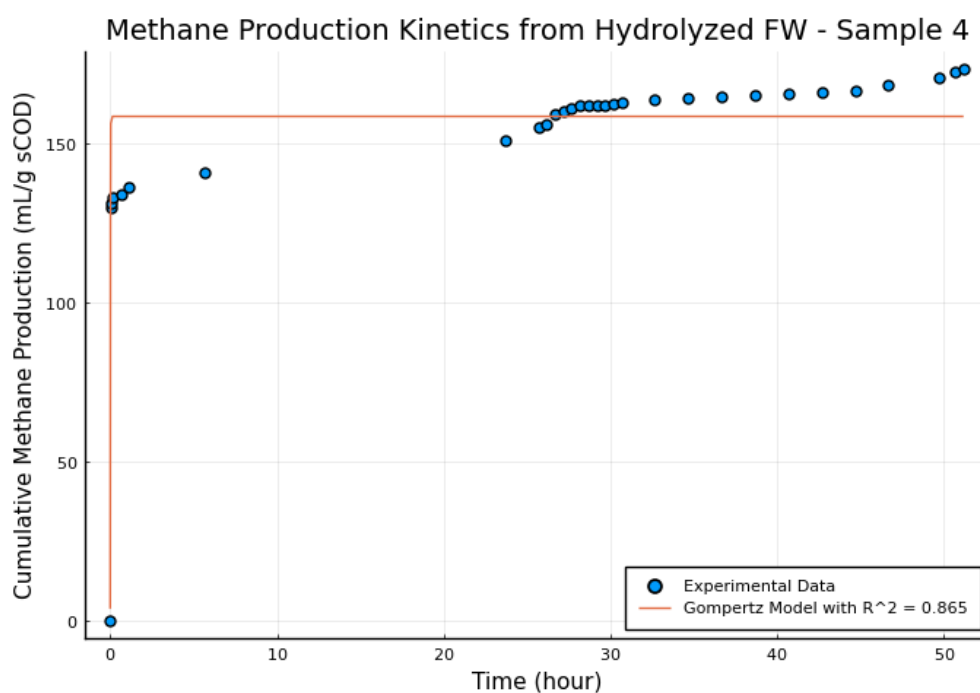
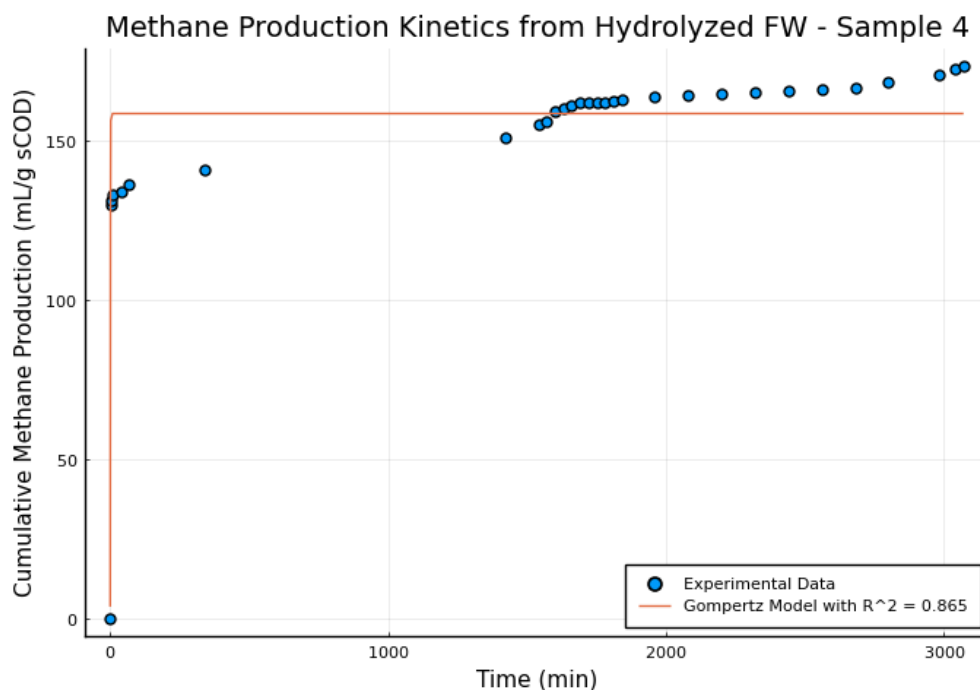
Το δείγμα αυτό είχε την ιδιαιτερότητα της μεγαλύτερης παραγωγής μεθανίου από όλα τα δείγματα σε αρκετά γρήγορο ρυθμό, κάτι που προβλέπεται καθώς ήταν και η συμπεριφορά της λάσπης του. Η παραγωγή 17.35 ml μεθανίου είναι το 36.9% αυτής του οξικού οξέος. Το γεγονός ότι είναι το ίδιο ποσοστό με αυτό του 2 ml είναι αρκετά καλό.

Επίσης, η παραγωγή είναι περίεργη καθώς παράγονται 13 ml μέσα σε ένα λεπτό και μετά το σύστημα μπαίνει σε μία σχεδόν στάσιμη φάση όπου η παραγωγή μεθανίου έχει επιβραδυνθεί σημαντικά, αλλά συνεχίζει να παράγει κάποια μικρή ποσότητα μέχρι και τις 51 ώρες όπου σταμάτησε το πείραμα. Οπότε, το γεγονός ότι το μοντέλο που προβλέπεται είναι ένα με πάρα πολύ υψηλό ειδικό ρυθμό ανάπτυξης το οποίο φτάνει σε στάσιμη φάση στα πρώτα λεπτά είναι αναμενόμενο.

Όμως, σε αντίθεση με τα άλλα πειράματα, αυτό είναι σχεδόν ολόσωστο σαν ιδέα καθώς 51 ώρες δεν παρήγαγαν ούτε το μισό του πρώτου λεπτού, οπότε παρόλο που θα αναμέναμε λίγο περισσότερη καμπύλη και όχι την μορφή που προκύπτει (η οποία είναι ουσιαστικά μία κατακόρυφη και μία οριζόντια γραμμή), η εξίσωση αυτή προβλέπει σχετικά καλά την πραγματικότητα και το R^2 είναι 0.865, το οποίο είναι η καλύτερη προσαρμογή που έχουμε δει σε ένα από αυτά τα πειράματα. Ο ειδικός ρυθμός ανάπτυξης που έχει προβλεφθεί είναι $162.84 \frac{ml}{g \ sCOD_{min}}$ ή $9732.61 \frac{ml}{g \ sCOD_{hour}}$ το οποίο είναι τεράστια διαφορά σε σχέση με τα άλλα πειράματα, ακόμη και αν χρησιμοποιηθεί το μοντέλο τους με τον γρήγορο ρυθμό.

Όπως αναφέρθηκε όμως, η συμπεριφορά αυτή είναι αναμενόμενη καθώς η λάσπη στο δοχείο αυτό είχε αυτή την ιδιαιτερότητα από την τροφοδοσία με το οξικό (παρόλο που εδώ φάνηκε πολύ πιο έντονα). Βέβαια, αξίζει να αναφερθεί πως παρότι ο ρυθμός αναμένεται να είναι μεγάλος, η τιμή αυτή είναι σχεδόν διπλάσια από τον αντίστοιχο ειδικό ρυθμό ανάπτυξης για τροφοδοσία με οξικό, το οποίο είναι αρκετά περίεργο.

Timestamp	Minutes	Hours	MethaneVolume	CumulativeMethaneVolume
01/04 ₁₁ :13	0.0	0.0	0.0	0.0
01/04 ₁₁ :14	0.9999	0.0167	13.0	13.0
01/04 ₁₁ :15	2.0001	0.0333	0.1	13.1
01/04 ₁₁ :21	8.4387	0.1406	0.2	13.3
01/04 ₁₁ :52	38.7648	0.6461	0.1	13.4
01/04 ₁₂ :22	68.7648	1.1461	0.2	13.6
01/04 ₁₆ :52	338.7654	5.6461	0.5	14.1
02/04 ₁₀ :54	1420.5761	23.6763	1.0	15.1
02/04 ₁₂ :54	1540.5835	25.6764	0.4	15.5
02/04 ₁₃ :24	1570.5834	26.1764	0.1	15.6
02/04 ₁₃ :54	1600.5837	26.6764	0.3	15.9
02/04 ₁₄ :24	1630.5837	27.1764	0.1	16.0
02/04 ₁₄ :54	1660.5836	27.6764	0.1	16.1
02/04 ₁₅ :24	1690.5835	28.1764	0.1	16.2
02/04 ₁₅ :54	1720.5835	28.6764	0.0	16.2
02/04 ₁₆ :24	1750.5837	29.1764	0.0	16.2
02/04 ₁₆ :54	1780.5838	29.6764	0.0	16.2
02/04 ₁₇ :24	1810.5835	30.1764	0.05	16.25
02/04 ₁₇ :54	1840.5902	30.6765	0.05	16.3
02/04 ₁₉ :54	1960.5908	32.6765	0.05	16.35
02/04 ₂₁ :54	2080.5924	34.6765	0.05	16.4
02/04 ₂₃ :54	2200.5966	36.6766	0.05	16.45
03/04 ₀₁ :54	2320.5967	38.6766	0.05	16.5
03/04 ₀₃ :54	2440.5965	40.6766	0.05	16.55
03/04 ₀₅ :54	2560.6014	42.6767	0.05	16.6
03/04 ₀₇ :54	2680.6034	44.6767	0.05	16.65
03/04 ₀₉ :54	2800.6034	46.6767	0.2	16.85
03/04 ₁₂ :54	2980.6123	49.6769	0.2	17.05
03/04 ₁₃ :54	3040.6122	50.6769	0.2	17.25
03/04 ₁₄ :24	3070.6131	51.1769	0.1	17.35



6.5 Untreated FW

6.6 Update all

Όπως και παραπάνω για τα πειράματα στο οξικό, θα υπάρχει και ένα code block το οποίο θα κάνει update όλα τα code blocks, θα τα κάνει tangle σε ένα script file και θα αποθηκεύει ένα CSV με όλα τα κινητικά αποτελέσματα.

```
updatehydrolysate tests
```

```
<<hydrolysate_0_ad>>
```

```

<<hydrolysate_1_ad>>
<<hydrolysate_2_ad>>
<<hydrolysate_4_ad>>

model_fit_table_min = Tables.table(vcat(reshape(model_hydro_0_min, 1, 5),
→ reshape(model_hydro_1_min, 1, 5), reshape(model_hydro_2_min, 1, 5),
→ reshape(model_hydro_4_min, 1, 5)), header = [:Sample_Name,
→ :Methane_Production_Potential, :Methane_Production_Rate, :Lag_Time,
→ :R_squared])
CSV.write(datadir("exp_pro", "methane_from_hydrolysate_kinetics_min.csv"),
→ model_fit_table_min)

model_fit_table_hour = Tables.table(vcat(reshape(model_hydro_0_hour, 1,
→ 5), reshape(model_hydro_1_hour, 1, 5), reshape(model_hydro_2_hour, 1,
→ 5), reshape(model_hydro_4_hour, 1, 5)), header = [:Sample_Name,
→ :Methane_Production_Potential, :Methane_Production_Rate, :Lag_Time,
→ :R_squared])
CSV.write(datadir("exp_pro",
→ "methane_from_hydrolysate_kinetics_hour.csv"), model_fit_table_hour)

```

Table 7: Kinetics with timescale in hours

SampleName	ProductionPotential	ProductionRate	LagTime	R2
Sample 0	67.363	1.636	0.0	0.862
Sample 1	163.745	3.175	0.0	0.815
Sample 2	94.538	929.102	0.0404	0.724
Sample 4	158.432	9732.61	0.00186	0.865

Table 8: Kinetics with timescale in minutes

SampleName	ProductionPotential	ProductionRate	LagTime	R2
Sample 0	50.980	0.384	0.0	0.846
Sample 1	105.569	0.840	0.0	0.689
Sample 2	872.706	0.0320	0.0	0.687
Sample 4	158.428	162.838	0.112	0.865