**SIDER2s en el Chr10 de *L. infantum***.

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 10-23283d | 23283-23757 | 475 pb |  | Huérfano |
| 10A-60739d | 60739-61466 | 728 pb | 10A |  |
| 10A-79639d | 79639-80364 | 726 pb | 10A |  |
| 10-148339d | 148339-148591 | 253 pb |  | Huérfano |
| 10-152440d | 152440-153191 | 752 pb |  | Huérfano |
| 10B-175562d | 175562-176280 | 719 pb | 10B |  |
| 10B-178908d | 178908-179120 | 213 pb | 10B | Truncado en 5’ |
| 10B-184156d | 184156-184873 | 718 pb | 10B |  |
| 10C-231056d | 231056-231640 | 585 pb | 10C |  |
| 10C-257255d | 257255-257840 | 586 pb | 10C |  |
| 10C-330060r | 329442-330060 | 619 pb | 10C | Asociado a gen LinJ10\_v3.0760\* |
| 10C-332815r | 332261-332815 | 555 pb | 10C | Asociado a gen LinJ10\_v3.0770\* |
| 348117d | 348117-348219 | Microsatelite GCT |  | No es SIDER2 |
| 353085d | 353085-353259 |  |  | No es SIDER2 |
| 10-435294d | 435189-435659 | 366 pb |  | Huérfano |
| 10D-489617r | 489094-489617 | 524 pb | 10D |  |
| 10D-506655d | 506655-507047 | 393 pb | 10D | Truncado en 5’ |
| 10D-513685d | 513685-514058 | 374 pb | 10D | Truncado en 5’ |
| 10D-518827d | 518827-519354 | 528 pb | 10D |  |
| 10D-521042d | 521042-521592 | 551 pb | 10D |  |
| 10D-524275d | 524278-524828 | 551 pb | 10D |  |
| 10D-531640d | 531640-532186 | 547 pb | 10D |  |
| 10D-543391d | 543391-543852 | 462 pb | 10D | Truncado en 3’ |

>10-23283d

CTCATGACGGCGCATACTTCTCAGTGCGTGGTATCCAGGACCAGTACAGACTCTGTGAGGAAGCCAAGCAGTTCCTTAATCCCTGCCGAATGCCGATACCATCTGCAGTGGTGACCGGGTCAAGTGCCTACGACATACGGGGGAGGTGAGCGCGGTGTATCCCTACCGCTGTCAGAAGCCACGTCCTGGATGGCGTTTTCTCGGATCGAGCTGCGACAGCAAATATGCTTGCGCCATCCATGTGATAGGTAGAATGCCAGCGCAACTCGAGCGTATCCCACCTGTTCCTCGCTGCCTGCTGGTGAGAGAAGCCTGCGCCCCCTCGAGGGGGTGCACTAGGTAGCGATCGGCGAGGCGGGGGCGGGTAGAGTTTGAGGTAGAGGTCGTGCTCCGATGGCTGAGGGCACTGCTGTAACGTGCGACCTCGGCTGCTTGGCACCGCGGAATGGGGCCTGTGACAAAGCCGGGTAGTGTG

>10A-60739d

CACCGCCGCATACGCACACGCACATGCGCAACGGTGACCCGAGAACACCACCAGAGAGAGAGGGAGGAGGCGAAGGCAGAAGACCAGCCCTCGTGTACATTCTTCTCGGATACGTTTTCATCTTTATCAGTCGTCTCCGCTCCTCGTGATGACGTCGGGACACCGCTCAGCGCCGTGGTGGTGCCACAGGGCCCAGCACACCCGCTCTCTGTGCGGGAAAGCCAAAGTAGCCGTTCCCCCCCCCTCCCTGCTATCCCTGCCAATGCCGAGCCACTTCTGGTGGTGAAAGTTTCAAGCACCTACGACATGTGGAAGTTAGAGCGATGCGTGGCTGCTGGTGTCGGCGGCCAGGTCTTGGGCGGCGTGGCATCGGAGCGAGCCGAGCCCGTGAACACGTCTGTGCCATCCGCATGATGGGCGGAGAGTGTCCGCGTGGCTCGAACGTGTCTTGCCCCCGGCCCTCGCACCACCCACTGGTGTGGGGAGCCTGAGCGCCACACGGAGAGGTGCACGGGGCGGCGACCGGCAGAATGCGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCAGAGCAGGTGGTCGGTAGAGCTCGAGGCAGGGGCCGCGTTCTCAGATGACTGGGGGGGGGAGGCGGTGCGTTGGCTGTAACGCGTGTGCCTACGGCTGCTGTGTACGACGCGATGGGGCCTGCGACGGGCCGGGGCGCGTAGAGCGGAGTTTGACCTCATGTTGTCTGGTAG

>10A-79639d

CACTGCACGCATACGCACACGCACATGCGCAACGGTGACCCGAGAACACCACCAGAGAGAGAGGGAGGAGGCGAAGGCAGAAGACCAGCCCTCGTGTACATTCTTCTCGGATACGTTTTCATCTTTATCAGTCGTCTCCGCTCCTCGTGATGACGTCGGGACACCGCTCAGCGCGTGGTGGTGCCACAGGGCCCAGCACACCCGCTCTCTGTGCGGGAAAGCCAAAGTAGCCGTTCCCCCCCCCTCCCTGCTATCCCTGCCAATGCCGAGCCACTTCTGGTGGTGAAAGTTTCAAGCACCTACGACATGTGGAAGTTAGAGCGATGCGTGGCTGCTGGTGTCGGCGGCCAGGTCTTGGGCGGCGTGGCATCGGAGCGAGCCGAGCCCGTGAACACGTCTGTGCCATCCGCATGATGGGCGGAGAGTGTCCGCGTGGCTCGAACGTGTCTTGCCCCCGGCCCTCGCACCACCCACTGGTGTGGGGAGCCTGAGCGCCACACGGAGAGGTGCACGGGGCGGCGACCGGCACAATGCGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCAGAGCAGGTGGTCGGTAGAGCTCGAGGCAGGGGCCGCGTTCTCAGATGACTGGGGGGGAGGCGGTGCGTTGGCTGTAACGCGTGTGCCTACGGCTGCTGTGTACGACGCGATGGGGCCTGCGACGGGCCGGGGCGCGTAGAGCGGAGTTTGACCTCATGTTGTCTGGCAG

>10-148339d

CTCCTCCCCCGATCTCCGAGGGAGGTACCAGGTGGTGGCCGGCATGATGGGAGCGGCTGTGAGGCAACCTGCGAGGCAGTGAGTGGGTAGCGTTGGAGGCAGAGGCCGTGCTCAGATGTCTGAGGTGTGGCAGCAGCCGCAGCGTGTTTGCCTACGGCTGCCATCGCGTGGACGCGACGGGTGCCTCTGACAGCGCCGCGAGTGGGGGGAGAGTAGGGCAGAGTTGGGCCTCGTGCTCTATGGCGGCAAAAAA

>10-152440d

GCCTGAAATGAGCGCGCGTGTGTACTCGTATTGGTTCCGAGCTTCTTCATCATGCCCGCTCCTCGTGACGCCGTCGAAAACGACCTCTGCATGTAAGCAGGCACACACACACACACACAGGCACGCATGTGCGCAAGTCTAATCGGCTCGCGACGTGGCGCGTGGCTCTCAGCTATCCGTATGCAGCCTGCGCGTAACGCGTGCGTTCTTTTCAGGCACCCTTTTGCCCATAGCCCCCTCCCCCGGTGAAGCGGTATGGCGGTGCTCCTTTTCGATGCCGCCTGACCTCGCCGTGCCCTCTCCCGGCGGCCCCACCTTCGGAGCTTGAAAGAAGACTTTTATTGCCACAGCCCGCTATTCCCGGCTCCAGCGCGCTCACCCCACCCACACGCATACACCTCAGCGCGCGGTATTCCAGGGCCCGTTTGGCTATGGCGTAGGGGAGGTCAGAGCGATGCATCGCTGCTGATGTCGGCGTCCAGGTCCTCTGTGGCGTTACATCAGAGGAGGAGGGCCTGTGACAGTGAGTACGCTTGTGCCATCTCTACAGTGGGGCAGAGTGTCCGCGCAACACGGAGATACCTCACCTGGCCCTCACACTGGCCACTGGTGTGGGGGGGAGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGAGGCGGCGGTGAGGCACCCTGAGAGGGCAGGGACCCGTGCTCGCAGGTGACGGAGCTGGGGCATTAGCTGTGGCGCACGCGCGCCTGCGATTGCCGTCGCACCACGGGGG

>10B-175562d

TGTGTGTGTGCCTGTGTGTTCTCCTCCGACGCTGCGCTCCCTCGCTGTCGCACTGAGATGGGCGTCGTAAAACGTCGGCCTCTGCGAGCATGTGTGGGTGTGTGCTGGCTTTTGTCTTGTCGGGTGAGAGTGCGAACGGGACGGGCAGTGCCGCTCACGCATCTCTCCTTTGGGTGTTGTTTTGTTTTCTCTAAGTGCGTGTGTGCCCCGATGAAGCCGGCCACCCAAACGCGCGGTAGCTCAGCGTCCAGTGCCCCTACTCTGAGTGTTTGGGGGGGGGAGAGCCAGAGCAGCCCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGTCCTGGGTGGCGTGGCGTCGGAGCGACCTGCACTACTGAGCACGCTTGCGCCATCCATATTATGATCAAAACCTTAAAGCAACTCGAACGCACCCCACCCTGCCCTCACTGCTTACTGGTGGTGTGTGTGGGGGAGGGGGGCGTGAGCCACCCCGAGGGGTGCACGAGGCTGCGACCGGCACAAGGGCAGCGCACTGTGAGGCGGTGTGCGGGCAACGCGTGAAGCAGAAGCCGTGCGCAGGTAGCGGGGGCGGCGCATGTGCTGTAACCCGTGTGTTCACGGCTGCCTCGCAGCACGTGATTGCGTCTGTGGCAGGGCGGTGCGTTGTGGTGAGGGGGCGGGAGAGGGCACGAGTGAACTCGTGTTGTATGACGGAGAAGCGGACACACGGTGCCAA

>10B-178908d

GCGCGAGGCAGCGCGCGGGGAGGCGGTGCAGGGCAACGCGTGAAGCAGAAGCCGTGCGCAGGTAGCGGGGGCGGCGCATGTGCTGTAACCCGTGTGTTCACGGCTGCCTCGCAGCACGTGATTGCGTCTGTGGCAGGGCGGTGCGTTGTGGTGAGGGGCCGGGAGAGGGCTCGAGTGAACTCGTGTTGTATGACGGAGAAGCGAACACTCATT

>10B-184156d

TGTGTGTGTGCCTGTGTGTTCTCCTCCGACGCTGCGCTCCCTCGCTGTCGCACTGAGATGGGCGTCGTAAAACGTCGGCCTCTGCGAGCATGTGTGGGTGTGTGCTGGCTTTTGTCTTGTCGGGTGAGAGTGCGAACGGGACGGGCAGTGCCGCTCACGCATCTCTCCTTTGGGTGTTGTTTTGTTTTCTCTAAGTGCGTGTGTGCCCCGATGAAGCCGGCCACCCAAACGCGCGGTAGCTCAGCGTCCAGTGCCCCCACTCTGAGTGTTTGGGGGGGGAGAGCCAGAGCAGCCCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGTCCTGGGTGGCGTGGCGTCGGAGCGACCTGCACTACTGAGCACGCTTGCGCCATCCATATTATGATCAAAACCTTAAAGCAACTCGAACGCACCCCACCCTGCCCTCACTGCTTACTGGTGGTGTGTGTGGGGGAGGGGGGCGTGAGCCACCCCGAGGGGTGCACGAGGCTGCGACCGGCACAAGGGCAGCGCACTGTGAGGCGGTGTGCGGGCAACGCGTGAAGCAGAAGCCGTGCGCAGGTAGCGGGGGCGGCGCATGTGCTGTAACCCGTGTGTTCACGGCTGCCTCGCAGCACGTGATTGCGTCTGTGGCAGGGCGGTGCGTTGTGGTGAGGGGGCGGGAGAGGGCACGAGTGAACTCGCGTTGTATGACGGAGAAGCGGACACACGTTGCCAA

>10C-231056d

TTTCTTTCCTTTTTCCTCTATTGTGCGTGCACCCCTTGATGGCGAGGGGGGGGGTGCGCACACGCGCCGCCATGCACGGTATCCCCCAGGGTCCAGTGGGCCCCACTCTGTTTGGGGTGGAAGCCAAGCAGCCCCCTCCCCCTCTCCTCCTCCATCCCCTGCCAATGCCGAGCCGCCTCTGCTGGCGACGTGGTCACGTGCCTACGGCGTGGGGAGGTCGAAGCGATGCGCCGCTACCGCTGTGTCGGCGCACATGTCCCGGACATGGTGGCGGCGCGGCGGCCTGCGACAGCGAGCACACCTCTACGCCGTCCCTCTGACAGGCGAAATGCCGGCGCAATTCGAACGCATCCCATCCGGCCATCACTGCCTGCTGGCGGTGAGGCGGGCCTGCGACGCGTGGAGGTCGGGTAGAGCCTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGGTAGCTGGGTCGGCGCACTGCTGTAGCGCGTGTGTGTCTACCGATACCCCGCGCCACGCGATGAGGTCTGTGGCAGGGCTGGTCGGGAGGGGGCCGGTTCAGCGTGGCGGTCTGACCCCATGCTGTGCACCGCAGAGAATGGGCAC

>10C-257255d

TTTCTTTCCTTTTTCCTCTATTGTGCGTGCACCCCTTGATGACGAGGGGGGGGTGCGCACACGCGCCGCCATGCACGGTATCCCCCAGGGTCCAGTGGGCCCCACTCTGTTTGGGGTGGAAGCCAAGCAGCCCCCTCCCCCTCTCCTCCTTCATCCCCTGCCAATGCCGAGCCGCCTCTGCTGGCGACGTGGTCACGTGCCTACGGCGTGGGGAGGTCGAAGCGATGCGCCGCTACCGCTGTGTCGGCGCACATGTCCCGGACATGGTGGCGGCGCGGCGGCCTGCGACAGCGAGCACACCTCTACGCCGTCCCTCTGACAGGCGAAATGCCGGCGCAATTCGAACGCATCCCATCCGGCCATCACTGCCTGCTGGCGGGGAGGCGGGCCTGCGACGCGTGGAGGTCGGGTAGAGCCTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGGTAGCTGGGTCGGCGCACTGCTGTAGCGCGTGTGTGTCTACCGATACCCCGCGCCACGCGATGAGGTCTGTGGCAGGGCTGGTCGGGAGGGGGCCGGTTCAGCGTGGCGGTCTGACCCCATGCTGTGCACCGCAGAGAATGGACGCAC

>10C-330060r

CCCCTTGATGACGAGGGGGGGCGCGCACACGCGCCGCCATGCACGGTATCCCCCAGGGTCCAGTGGGCCCCACTCTGTTTGGGGTGGAAGCCAAGCAGCCCCCTCCCCCTCTCCTCCTTCATCCCCTGCCAATGCCGAGCCGCCTCTGCTGGCGACGTGGTCACGTGCCTACGACGTGGGGAGGTCGAGGCGATGCACCGCTACCGCTGTGTCGGCGCACATGTCCCGGACATGGTGGCGGCGCGGCGGCCTGCGGCAGCGAGCACACCTCTACGCCGTCCCTCTGACAGGCGAAATGCCGGCGCAATTCGAACGCATCCCATCCGGCCATCACTGCCTGCTGGCGGGGAGCCTGTGCGTTGCCCTGAGGGGGTGCACCAGGTGGTGGCCGGCACAATATGGGTGCCGGCGGTGAGGCGGGCCTGCGACGCGTGGAGGTCGGGTAGAGCCTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGGTAGCTGGGTCGGCGCACTGCTGTAGCGCGTGTGTGTCTACCGATACCCCGCGCCACGCGATGAGGTCTGTGGCAGGGCTGGTCGGGAGGGGGCCGGTTCAGCGTGGCGGTCTGACCCCATGCTGCGCACCGCAGAGAACGGACACAC

>10C-332815r

CCCCTTGATGACGAGGGGGGGCGCGCACACGCGCCGCCATGCACGGTATCCCCCAGGGTCCAAGTGGGCCCCACTCTGTTTGGGGTGGAAGCCAAGCAGCCCCCTCCCCCTCTCCTCCTTCATCCCCTGCCAATGCCGAGCCGCCTCTGCTGGCGACGTGGTCACGTGCCTACGACGTGGGGAGGTCGAGGCGATGCACCGCTACCGCTGTGTCGGCGCACATGTCCCGGACATGGTGGCGGCGCGGCGGCCTGCGGCAGCGAGCACACCTCTACGCCGTCCCTCTGACAGGCGAAATGCCGGCGCAATTCGAACGCATCCCATCCGGCCATCACTGCCTGCTGGCGGGGAGGCGGGCCTGCGACGCGTGGAGGTCGGGTAGAGCCTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGGTAGCTGGGTCGGCGCACTGCTGTAGCGCGTGTGTGTCTACCGATACCCCGCGCCACGCGATGAGGTCTGTGGCAGGGCTGGTCGGGAGGGGGCCGGTTCAGCGTGGCGGTCTGACCCCATGCTGCGCACCGCAGAGAATGGGCACAC

>10D-489617r

CTGCTGACGTAGGGATACCCCTCTCCGTGTGTGGTGTCAGGGCTCAGTACCCCGACTCTGCGTGGGGGGAAGCCATGCACCCTCTTAACCCCTGTCGATGTCAAGCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATGGGGACGCTGTGACAAGGCCGGATAGAGGGAG

>10D-506655d

GCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATAGG

>10D-513685d

CAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATGGGGACGCTGTGACGGGCCGGGGATAGGGTGGAG

>10D-518827d

CTGATGATGTGAGGATACACCTCTCCGTGTGTGGTGTCAGGGCTCAGTACCCCGACTCTGCGTGGGGGGAAGCCAGGCGCCCTCTTAACCCCTGTCGATGTCAAGCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGGTGCATGGCTGCTGATGTCGGCCGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATGAGTTCATGACAACGCCGGGGGTAGGGTGGAG

>10D-521042d

CTGATGATGTGAGGATACACCTCTCCGTGTGTGGTGTCAGGGCTCAGTACCCCGACTCTGCGTGAGGGGAAGCCAGGCGCCCTCTTAACCCCTGTCGATGTCAAGCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATGGGGACGCTGTGACGGGCCGGGGGTAGGGTGGAGGTCAGATCATGCGGTATGGGA

>10D-524278d

CTGATGATGTGAGGATACACCTCTCCGTGTGTGGTGTCAGGGCTCAGTACCCCGACTCTGCGTGAGGGGAAGCCATGCACCCTCTTAACCCCTGTCGATGTCAAGCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATGGGGACGCTGTGACGGGCCGGGGGTAGGGTGGAGGTCAGATCATGCGGTATGAGA

>10D-531640d

CTGATGATGTGAGGATACACCTCTCCGTGTGTGGTGTCAGGGCTCAGTACCCCGACTCTGCGTGAGGGGAAGCCATGCACCCTCTTAACCCCTGTCGATGTCAAGCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGTGCTGCGGTGCCCACGTGGGCATTGCGGTAGCACTTGTCTGCTGCTGCATGGCACCACGCGATGGGGACGCTGTGACGGGCCGGGGGTAGGGTGGAGGTCAGATCATACGGTATGAGA

>10D-543391d

CTGCTGACGTAGGGATACCCCTCTCCGTGTGTGGTGTCAGGGCTCAGTACCCCGACTCTGCGTGGGGGGAAGCCAGGCGCCCTCTTAACCCCTGTCGATGTCAAGCCACCTCTGGTTGTGCCAGCGACAATCACCCACGCGGTTGAGGATGCCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGCGGTGGGGTGGTGGACGGCGTTGCGTTGGAGCGGCCTGAGACAGCGAACACGCGTGTGCCATCCACATCATGGGCACAGTGCCAATGCCACTCCAATGCATCTTCACCCCGCCCTGGCACTGCCTGCAGGTGTGGGGCGCCTGAGCCACCTCGAGGGGGATGCATCAGGTGGCTGCCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGACCTGCGAGGCAGGGGGGCGGGTAGAGTGTGAGGCAGAGGCTGCGCTGCGACAACGGGGCCGGCGTATTGCTGT