**SIDER2s presentes en el cromosoma 11 de *L. infantum* (GeneDB)**

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 11A-21363d | 21363-21671 | 309 pb | 11A |  |
| 11A-26541d | 26541-26858 | 318 pb | 11A |  |
| 11A-46440d | 46440-46752 | 313 pb | 11A |  |
| 11A-61648d | 61648-61952 | 305 pb | 11A |  |
| 11-126699r | 126380-126699 | 320 pb |  | Huérfano |
| 11-129732r | 129203-129732 | 530 pb |  | Huérfano |
| 11B-163696r | 163167-163696 | 530 pb | 11B |  |
| 11B-171692d | 171692-172078 | 387 pb | 11B | Truncado en 3’ |
| 11B-182984r | 182433-182984 | 552 pb | 11B |  |
| 11B-186861r | 186314-186861 | 552 pb | 11B |  |
| 11B-198030r | 197478-198030 | 553 pb | 11B |  |
| 11B-211365r | 210875-211365 | 491 pb | 11B |  |
| 11C-261354d | 261354-261958 | 605 pb | 11C |  |
| 11C-274355d | 274355-274948 | 594 pb | 11C |  |
| 11C-285485d | 285485-286084 | 600 pb | 11C |  |
| 11-328132d | 328132-328496 | 365 pb |  | Huérfano |
| 11D-354585d | 354585-355133 | 549 pb | 11D |  |
| 11D-369752d | 369752-370269 | 518 pb | 11D |  |
| 11D-379635d | 379635-380152 | 518 pb | 11D |  |
| 11D-394696d | 394696-395190 | 495 pb | 11D |  |
| 11D-452428d | 452428-452816 | 389 pb | 11D | Truncado en 3’ |
| 11E-531933d | 531933-532573 | 641 pb | 11E |  |
| 11E-560616r | 559976-560616 | 641 pb | 11E |  |

>11A-21363d

TGCTGCATCCATGTACTCCCCTGATGACAGGGACACACCTCGGCGCGCCGCATCAGGGCTCAGTGGCCCCACTCTGTGAAGGGGACAAGCAGGCCCCTTCCCCCCTATGCCTGCCAATGCCGGTCCACCTCCGGTGGCGGCAGGGTCAAGCGCCCGCGACGCAGCGAAGTGAGAGCGATGTATTGCTGCTGGTGTATGGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCTTTGCCCGACGCGATGGGGGCCTGTGTGAGCGGCCGGGGTCACGTGGCGTTCAGCTCACGTTGTATGGTGGTATGGACATGCTGA

>11A-26541d

TGCTGCATCCATGCGCTCCCCTGATGACAGGGGCACACCTCGGCGCGCCGCATCAGGGCTCAGTGGCCCCACTCTGTGTGTGAAGGGGACAAGCAGGCCCCTTCCCCCCTATGCCTGCCAATGCCGGTCCACCTCCGGTGGCGGCAGGGTCAAGCGCCCGCGACGCAGCGAAGTGAGAGCGATGTATTGCTGCTGGTGTATGGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCTTTGCCCGACGCGATGGGGGCCTGTGTGAGCGGCCGGGGTCACGTGGCGTTCAGCTCACGTTGTATGGTGGCATGGACATGTTGAACCGC

>11A-46440d

TGTTGCATCCATGCGCTCCCCTGATGACAGGGGCACACCTCGGCGCGCCGCATCAGGGCTCAGTGGCCCCACTCTGTGTGTGAAGGGGACAAGCAGGCCCCTTCCCCCCTATGCCTGCCAATGCCGGTCCACCTCCGGTGGCGGCAGGGTCAAGCGCCCGCGACGCAGCGAAGTGAGAGCGATGTATTGCTGCTGGTGTATGGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCTTTGCCCGACGCGATGGGGGCCTGTGTGAGCGGCCGGGGTCACGTGGCGTTCAGCTCACGTTGTATGGTGGCATGGACATGCTGA

>11A- 61648d

TCCCCTGATGACAGGGGCACACCTCGGCGCGCCGCATCAGGGCTCAGTGGCCCCACTCTGTGTGTGAAGGGGACAAGCAGGCCCCTTCCCCCCTATGCCTGCCAATGCCGGTCCACCTCCGGTGGCGGCAGGGTCAAGCGCCCGCGACGCAGCGAAGTGAGAGCGATGTATTGCTGCTGGTGTATGGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCTTTGCCCGACGCGATGGGGGCCTGTGTGAGCGGCCGGGGTCACGTGGCGTTCAGCTCACGTTGTATGGTGGCATGGACATGCTGAGCCGCAAG

>11-126699r

CCTGCTCAGAGTGTGGTATCGCAGGGCCCAGCCCCCCTTATCCCTGCCCCATGCCAAACCACGCCTGGTGGTGACCGGGCCAAAGTGCCGACAACGTAGCAAGGTCAGAGCGAGGCATATCGCTGCTGATGTCCGCGGGCCAGGCTCCGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGCCTGCTACAGTGCACAACGCTTGTGCCATCCCAACGATGGGTAGAGCTCGAGGCAGAGGGGGGGGGAGGGCGTGCTCAACCGGGTCGGCGCATTGCTTTCATGCGTGTCTGCGGCGGCGTCGCACCACGCGGATGGTGGTGGGGATGGCC

>11-129732r

CGCAACGCCATCAGCACCCGGATGACGGAGGGCACCTCCGTGCGTGGTATCTCGCGGTCCAGCACATCCACACTCTGTGTGGGAGGCAGCCAGGCAGCCCCCCTATCTCTGCCAAATGGCGAACCACCTTTGGTGGTGACACGGTCAGGTGCCTACGACGTAGGGGAGGTCAGAGCAACGCACGGTGACTGATGTCGGCGGCCATGTCCTGGATAGTGTTGCGCTGGAGAGACTCGCAACAGCGAACATGCATGTGCCATCCATATGATGGGCAGAGCGTCTCAACGTGACTGCAACGTACCCCACCCGGCACGTTGAGAGGAGCGACTGTGAGGCGAGGGGTGGGTGGGTAGAGTTCGAGGCAGAGGCCGTACTTGGATGACCGAGTCGGCATATTGCTGTAACGCGTGTCTCGGGCTGCTTCGCACGGCGCGATGTGGTGGGGGCGTGTGATCGGCTGTGTAGTGGTGGAGTGTGTGTGGAGGGGGGGTTTGAGCTCACGCGCCCCGCGGCGGCGAAACGAACACGTT

>11B-163696r

TCCGTCCGTGGCATCTCAGGGTCCGCCGCGCACCTTCTCTTTTGGGAGGCCGAGCAGCCCCCCCTCCCCCTTCCCTCTCGCTCTATCCTTGCCAGTGCTGAACAGCCCCTGGTGGTGACAGGGCCAAGCATCTATGGCGTAGGGGTGGCTAGAGCGATGTATCCCCACGGATGCCGGCGGCCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGGGCGGCCTGTGACCGTGCACGCGCCCGTGCCGTCCATGTGATGGGCGGGGTGTGTGCGCGACCCGAGCGTATCCCACGCCCGGCCCTCACGCTGCCTACTGGTGGGTGGGCCCGGGTGCCGCCGCGAGGGATGCACGACGTGGCGACCCGCCTGCTGTGCGCGGCTGCGAGGCGACCTGCGGGGCGGGAGGTGGGCAGTGCTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGCACCGCGTGTCTGGCGCTGCTTCGCACCGCGCGATGGGGGCGTGTGGCCGGCCGGGTGTGGGGTGGGGAGTGTAAGTCGTGTTGTACGGCAGAAAA

>11B-171692d

GAGGGGCATCTCCGTGCGTGGCATCTCAGGGTCCGCCGCGCACCTTCTCTTTTGGGAGGCCGAGCAGCCCCCCCTCCCCCTTCCCTCTCGCTCTATCCTTGCCAGTGCTGAACAGCCCCTGGTGGTGACAGGGCCAAGCATCTATGGCGTAGGGGTGGCTAGAGCGATGTATCCCCACGGATGCCGGCGGCCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGGGCGACCTGTGACCGTGCACGCGCCTGTGCCGTCCATGTGATGGGCGGGGTGTGTGCGCGACCCGAGCGTATCCCACGCCCGGCCCTCACGCTGCCTACTGGTGGGTGGGCCCGGGTGCCGCCGCGAGGGATGCACGACGTGGCGACCCGCCTGCTGTGCGCGGCTGCGAG

>11B-182984r

GGGGGGCGTCTCCGTGCGTGGCATCTCAGGGTCCACCGCGCACCTTCTCTTTTGGGAGGCCGAGCAGCCCCCCCTCCCCCTTCCCTCTCGCTCTATCCTTGCCAGTGCTGAACAGCCCCTGGTGGTGACAGGGCCAAGCATCTATGGCGTAGGGGTGGCCAGAGCGATGTATCCCCACTGATGCCGGCGGCCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGTCCGGGCGGCCTGTGACGTGCACGCGCCCGTGCCGTCCATGTGATGGGCGGGGTGTGTGCGCGACCCGAGCGTATCCCACGCCCGGCCCTCACGCTGCCTACTGGTGGGTGGGCCCGGGTGCCGCCGCGAGGGATGCACGACGTGGCGACCCGCCTGCTGTGCGCGGCTGCGAGGCGACCTGCGGGGCGGGAGGTGGGCAGTGCTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGCACCGCGTGTCTGGCGCTGCTTCGCACCGCGCGATGGGGGCGTGTGGCCGGCCGAGTGTGGGGTGGGGAGTGTAAGTCGTGTTGTACGGCAGAGAAACGCACACGCAGA

>11B-186861r

GAGGGGCATCTCCGTGCGTGGCATCTCAGGGTCCGCCGCGCACCTTCTCTTTTGGGAGGCCGAGCAGCCCCCCTCCCCCTTCCCTCTCGTTCTATCCTTGCCAGTGCTGAACAGCCCCTGGTGGTGACAGGGCCAAGCATCTATGGCGTAGGGGTGGCCAGAGCGATGTATCCCCACGGATGCCGGCGGCCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGGGCGGCCTGTGACCGTGCACGCGCCCGTGCCGTCCATGTGATGGGCGGGGTGTGTGCGCGACCCGAGCGTATCCCACGCCCGGCCCTCACGCTGCCTACTGGTGGGTGGGCCCGGGTGCCGCCGCGAGGGATGCACGACGTGGCGACCCGCCTGCTGTGCGCGGCTGCGAGGCGACCTGCGGGGCGGGAGGTGGGCAGTGCTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGCACCGCGTGTCTGGCGCTGCTTCGCACCGCGCGATGGGGGCGTGTGGCCGGCCGAGTGTGGGGTGGGGAGTGTAAGTCGTGTTGTACGGCAGAGAAACGCACACGTAGA

>11B-198030r

GGGGGGCATCTCCGTGCGTGGCATCTCAGGGTCCGCCGCGCACCTTCTCTTTTGAGAGGCCGAGCAGCCCCCCCTCCCCCTTCCCTCTCCCTCTATCCTTGCCAGTGCTGAACAGCCCCTGGTGGTGACAGGGCCAAGCATCTATGGCGTAGGGGTGGCCAGAGCGATGTATCCCCACGGATGCCGGCGGCCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGGGCGGCCTGTGACCGTGCACGCGCCCGTGCCGTCCATGTGATGGGCGGGGTGTGTGCGCGACCCGAGCGTATCCCACGCCCGGCCCTCACGCTGCCTACTGGTGGGTGGGCCCGGGTGCCGCCGCGAGGGATGCACGACGTGGCGACCCGCCTGCTGTGCGCGGCTGCGAGGCGACCTGCGGGGCGGGAGGTGGGCAGTGCTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGCACCGCGTGTCTGGCGCTGCTTCGCACCGCGCGATGGGGGCGTGTGGCCGGCCGGGTGTGGGGTGGGGAGTGTAAGTCGTGTTGTACGGCAGAGAAACGCACACGCAGA

>11B-211365r

GAAGGGCATCTCCGTCCGTGGCATCTCAGGGTCCGCCGCGCACCTTCTCTTTTGGGAGGCCGAGCAGCCCCCCCCTCCCCCTTCCCTCTCGCTCTACCCTTGCCAGTGCTGAACAGCCCCTGGTGGTGACAGGGCCAAGCATCTATGGCGTAGGGGTGGCCAGAGCGATGTATCCCCACGGATGCCGGCGGCCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGGGCGACTTGTGACCGTGCACGCGCCCGTGCCGTCCATGTGATGGGCGGGGTGTGTGCGCGACCCGAGCGTATCCCACGCCCGGCCCTCACGCTGCCTACTGGTGGGTGGGCCCGGGTGCCGCCGCGAGGGATGCACGACGTGGCGACCCGCCTGCTGTGCGCGGCTGCGAGGCGACCTGCGGGGCGGGAGGTGGGCAGTGCTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGCACCGCGTGTCTGGCGCTGCTTCGCACCGCGCGATGGGGGCGTGTG

>11C-261354d

ACGCACCCCCGGATGCCAGGGAGGAGGGCACACCTCTCAAGGCATGGCATCACAGCGCCCAGCACACCCCCTCTCTGAGGGAGAGCACAACAGCCCCTCCCCTCTACCCCTGCCAATACCCACCTACCTCTAGTACTGGCAGGGCCAGGTGCCTACGGTGCGAGGAGGTCACAGATATTTATTGCTGCTGATGCCGGCGGCCAGGTCCTGGATGGCGTGGCGCCGGAGCGACCTGCTGCAGTGCACACGTCTGACCCATCCACATGATGGGCAGCGTGTCCGCGCGACTCGAGCGTATCCGACCCCCGGCCCTCGCACTGCCTACTGGTGGGTGGGGAGCCTGAGCCACCGCAAGGGATGCCGCACGTGGCGACCGGTACGACGGTAGCTGCTGCGAGGCGCCCCGTGGGGCGGCGGGGGGTGGCCCGTGTTCGAGGCGGAAGCCGTGCTTGGATGACTGAGTCGGCATATTGCTGTAACGCGTGTCTAGGGCTGCTTCGCACGACGCGATGGGGTGGGGCCCATGACCGGCCGCGCAGTGCCGGAGTGGCGGTGGCGGGGGGCTTCGAGCTCGCGCGCCCTGCGGCGGCGAAACGGACACGTTA

>11C-274355d

ACGCACCCCCAGATGCCAGGGAGGAGGGCACACCTCTCAAGGCATGGCATCACAGCGCCCAGCACACCCCCTCTCTGAGGGAGAGCACAACAGCCCCTCCCCTCTACCCCTGCCAATACCCACCTACCTCTAGTACTGGCAGGGCCAGGTGCCTACGGTGCGAGGAGGTCACAGATATTTATTGCTGCTGATGCCGGCGGCCAGGTCCTGGATGGCGTGGCGCCGGAGCGACCTGCTGCAGTGCACACGTCTGACCCATCCACATGATGGGCAGCGTGTCCGCGCGACTCGAGCGTATCCGACCCCCGGCCCTCGCACTGCCTACTGGTGGGTGGGGAGCCTGAGCCACCGCAAGGGATGCCGCACGTGGCGACCGGTACGACGGTAGCTGCTGCGAGGCGCCCCGTGGGGCGGCGGGGGGTGGCCCGTGTTCGAGGCGGAATCCGTGCTTGGATGACTGAGTCGGCATATTGCTGTAACGCGTGTCTAGGGCTGCTTCGCACGACGCGATGGGGTGGGGCCCATGACCGGCCGCGCAGTGCCGGAGTGGCGGTGGCGGGGGGCTTCGAGCTCACGCGCCCTACGGCGGAGAAA

>11C-285485d

CCCCCGGGTGCCAGGGAGGAGGGCACACCTCTCAAGGCATGGCATCACAGCGCCCAGCACACCCCCTCTCTGAGGGAGAGCACAACAGCCCCTCCCCTCTACCCCTGCCAATACCCACCTACCTCTAGTACTGGCAGGGCCAGGTGCCTACGGTGCGAGGAGGTCACAGATATTTATTGCTGCTGATGCCGGCGGCCAGGTCCTGGATGGCGTGGCGCCGGAGCGACCTGCTGCAGTGCACACGTCTGACCCATCCACATGATGGGCAGCGTGTCCGCGCGACTCGAGCGTATCCGACCCCCGGCCCTCGCACTGCCTACTGGTGGGTGGGGAGCCTGAGCCACCGCAAGGGATGCCGCATGTGGCGACCGGTACGACGGTAGCTGCTGCGAGGCGCCCCGTGGGGCGGCGGGGGGTGGCCCGTGTTCGAGGCGGAAGCCGTGCTTGGATGACTGAGTCGGCATATTGCTGTAACGCGTGTCTAGGGCTGCTTCGCACGACGCGATGGGGTGGGGCCCATGACCGGCCGCGCAGTGCCGGAGTGGCGGTGGCGGGGGGCTTCGAGCTCGCGCGCCCTGCGGCGGCGAAACGGACACGTTA

>11-328132d

CATCTCACAGTCCATTGCACCCTCAATGTGTTTGTGAGGAGGCCAGGTACAACCACACTCCTATCCCTGCCAACACCGACCGACCTCTCGTGGTGACAGGTTCAGGCTCTGGATGGCGCTGCGTCGGAGAGACCTGCGACCGTGCACATGGTTTTACTGTCTATATGATGAGCAGTGTGCCCGTGCGACTCGAGCGTGTCCCACCGGGAATGATGGGGGAGCTGCTGCGGGGCGAGTGGTGGGCCGTGCTCGAGGCGGGGGCTGTACTCGGATGACTAAGTCGGCGCCTTGCTGTGACGCGCGTGCCGAGGGCTGCTTCGCGCGACGCGATGGGGGGGGCGTGTGGCGGGCCAGGAGGGGGGGAG

>11D-354585d

CTGATGACGAGGGGACAACGCCCCGCAGGGCGTGGTGTCTCAGGGTGCAGCGCAGCAGCCCCACCTACCCCTGCCAGTGCTCAACCGCTTCTCGTGGCGGCAGGGCGTGAGGTCCTGGACGGCGTTGCGTGGGGGAGGGGCGACCTGCCAGGGCGAACACGCTTCTGCGATCGATATGGTGGGCAGAGCGTCGGCGTGACTCGAGCGTCTCCCACCCCCGGCCCTCACACTGTCTACTGGCGTGGGGGTGCCTGAGTGCCACCCGCGAGGAGGATGCACGACGTGGCGACCTGCCTGATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACATGCGAGGCGGCGGATTTGTAGAGTCTGGGGCAGAGGCCGTGCTGCGATGACTGGGTCCGCATCGCTGTAACGCGCGTGTCTAGGGCTGCTGCGCGCGACGTGATGGGCGCCTGTGGGGCAGGCCGTGTGGTGGTGGTGGTGGTGTCGAGGGGAGCACTGACCTCATGCTGTATGGCAGAGAATGACCACGCGAGAGAAAGAAGAGCTTCTACGGCTGGACTGGCTGG

>11D-369752d

CTGATGACGAGGGGACAACGCCCCGCAGGGCGTGGCGTCTCAGGGTGCAGTGCAGCAGCCCCACCTACCCCTGCCAGTGCTCAACCGCTTCTCGTGGCGGCAGGGCGTGAGGTCCTGGACGGCGTTGCGTGGGGGAGGGGCGACCTGCCAGGGCGAACACGCTTCTGCGATCGATATGGTGGGCAGAGCGTCGGCGTGACTCGAGCGTCTCCCACCCCCGGCCCTCACACTGTCTACTGGCGTGGGGGTGCCTGAGTGCCACCCGCGAGGAGGATGCACGACGTGGCGACCTGCCTGATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACATGCGAGGCGGCGGATTTGTAGAGTCTGGGGCAGAGGCCGTGCTGCGATGACTGGGTCCGCATCGCTGTAACGCGCGTGTCTAGGGCTGCTGCGCGCGACGTGATGGGCGCCTGTGGGGCAGGCCGTGTGGTGGTGGTGGTGGTGTCGAGGGGAGCACTGACCTCATGCTGTATGGCAGAGAAGGAACAGGTTGGAA

>11D-379635d

CCAATGACGAGGGGACAACGCCCCGCAGGGCGTGGCGTCTCAGTGTGCAGCGCAGCAGCCCCACCTATCCCTGCCAGTGCTCAACCGCTTCTCGTGGCGGCAGGGCGTGAGGTCCTGGACGGCGTTGCGTGGGGGAGGGGCGACCTGCCAGGGCGAACACGCTTCTGCGATCGATATGGTGGGCAGAGCGTCGGCGTGACTCGAGCGTCTCCCACCCCCGGCCCTCACACTGTCTACTGGCGTGGGGGTGCCTGAGTGCCACCCGCGAGGAGGATGCACGACGTGGCGACCTGCCTGATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACATGCGAGGCGGCGGATTTGTAGAGTCTGGGGCAGAGGCCGTGCTGCGATGACTGGGTCCGCATCGCTGTAACGCGCGTGTCTAGGGCTGCTGCGCGCGACGTGATGGGCGCCTGTGGGGCAGGCCGTGTGGTGGTGGTGGTGGTGTCGAGGGGAGCACTGACCTCATGCTGTATGGCAGAGAAGGAACAGGTTGGAA

>11D-394696d

GCTGCACCACCTATCCCTGCCAGTGCTCAACCGCTTCTCGTGGCGGCAGGGCGTGAGGTCCTGGACGGCGTTGCGTGGGGGAGGGGCGACCTGCCAGGGCGAACACGCTTCTGCGATCGATATGGTGGGCAGAGCGTCGGCGTGACTCGAGCGTCTCCCACCCCCGGCCCTCACACTGTCTACTGGCGTGGGGGTGCCTGAGTGCCACCCGCGAGGAGGATGCACGACGTGGCGACCTGCCTGATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACATGCGAGGCGGCGGATTTGTAGAGTCTGGGGCAGAGGCCGTGCTGCGATGACTGGGTCCGCATCGCTGTAACGCGCGTGTCTAGGGCTGCTGCGCGCGACGTGATGGGCGCCTGTGGGGCAGGCCGTGTGGTGGTGGTGGTGGTGTCGAGGGGAGCACTGACCTCATGCTGTATGGCAGAGAATGACCACGCGAGAGAAAGAAGAGCTTCTACGGCTGGACTGGCTGG

>11D-452428d

GCAGCCCCACCTATCCCTGCCAGTGCTCAACCGCTTCTCGTGGCGGCAGGGCGTGAGGTCCTGGACGGCGTTGCGTGGGGGAGGGGCGACCTGCCAGGGCGAACACGCTTCTGCGATCGATATGGTGGGCAGAGCGTCGGCGTGACTCGAGCGTCTCCCACCCCCGGCCCTCACACTGTCTACTGACGTGGGGGTGCCTGAGTGCCACCCGCGAGGAGGATGCACGACGTGGCGACCTGCCTGATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACATGCGAGGCGGCGGATTTGTAGAGTCTGGGGCAGAGGCCGTGCTGCGATGACTGGGTCCGCATCGCTGTAACGCGCGTGTCTAGGGCTGCTGCGCGCGACGTGATGGGCGCCTGTGGGGCAG

>11E-531933d

CTTATTTTTCCCGGCGCGCCGTGCCTCTCTTCCTGACAACGGGGACCACACGTCACTGTGGCATCAGTGCCCAGTCCACATCCCCGCTCTCTGTGCGAGGAAGCCGAGCAGCCCCGCTATCCCTGCCGATGCCAAACCCACGTCTCGCCGTCAGAAGGACAGATGCCTAGGGCGTAGCGCAGTGAGCGCGATGGATCGCTGCTGACGTCTGCGGTCAGCTCTAGGACGGCCTGGCGTCGGAGCGGCCTGCGACAGCGTGAGCATACCTGGCCCATCCATATGATTAGGCACGAGTGCCCGCGTGACTCGAACGCACCCCACCCCCATCCCGGCCCTCAACGGCCCACCGGTGCGGGGAGCCTGAGGCCACCCCGAGGACGACGCACCAGGTGGCGAGCAGTATGATGGAAGCGGCTGCGAGGCGACCTGTAGAGCGCGGGGTGGGTGGAGTTTGAGGCAGTCGGCCGTGCTCTCAGACGGCTGGGTCGGCGCATTGCTGTAACGCGGGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCATCACGCGATGGGGGGTCTGTGTAGCACGCCGGGGAGGAGAAAAGGGGGAGCGGGTTAGAGCGGAACACCGACCTCCTGTTGCATAGCAGAGAATGGACACGTCGAAGATGAA

>11E-560616r

CTTTTTGTTTCCGCCGCGCCGTGCCTCTCTTCCTGACAACGGGGACCACACGTCACTGTGGCATCAGTGCCCAGTCCACATCCCCGCTCTCTGTGCGAGGAAGCCGAGCAGCCCCGCTATCCCTGCCGATGCCAAACCCACGTCTCGCCGTCAGAAGGACAGATGCCTAGGGCGTAGCGCAGTGAGCGCGATGGATCGCTGCTGACGTCTGCGGTCAGCTCTAGGACGGCCTGGCGTCGGAGCGGCCTGCGACAGCGTGAGCATACCTGGCCCATCCATATGATTAGGCACGAGTGCCCGCGTGACTCGAACGCACCCCACCCCCATCCCGGCCCTCAACGGCCCACCGGTGCGGGGAGCCTGAGGCCACCCCGAGGACGACGCACCAGGTGGCGAGCAGTATGATGGAAGCGGCTGCGAGGCGACCTGTAGAGCGCGGGGTGGGTGGAGTTTGAGGCAGTCGGCCGTGCTCTCAGACGGCTGGGTCGGCGCATTGCTGTAACGCGGGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCATCACGCGATGGGGGGTCTGTGTAGCACGCCGGGGAGGAGGAAAGGGGGAGCGGGTTAGAGCGGAACACTGACCTCCTGTTGCATAGCAGAGAATGGAGACGTCGAAAAGGAA