**SIDER2s presentes en el cromosoma 16 de *L. infantum* (GeneDB)**

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 16A-26361r | 26085-26361 | 277 | 16A |  |
| 16A-30202r | 29994-30202 | 227 | 16A |  |
| 16A-48810r | 48555-48810 | 256 | 16A |  |
| 16A-69675r | 69476-69675 | 200 | 16A |  |
| 16A-73887r | 73444-73887 | 444 | 16A |  |
| 16A-89498r | 89056-89498 | 443 | 16A |  |
| 16B-150965r | 150571-150965 | 395 | 16B |  |
| 16B-156881r | 156483-156881 | 399 | 16B |  |
| 16B-162021r | 161850-162021 | 172 | 16B | Truncado en 5’, extensión 3’ compartida con 16B-176478r |
| 16B-176478r | 176044-176478 | 435 | 16B | Extensión 3’ compartida con 16B-162021r |
| 16B-195126r | 194671-195126 | 456 | 16B |  |
| 16B-208643d | 208643-209100 | 458 | 16B |  |
| 16B-271487r | 271058-271487 | 430 | 16B |  |
| 16B-314074r | 313645-314074 | 430 | 16B |  |
| 16-357314r | 357143-357314 | 172 |  | Huérfano |
| 16C-380473d | 380473-380915 | 443 | 16C | Truncado en 5’ |
| 16C-425525d | 425525-425967 | 443 | 16C | Truncado en 5’ |
| 16C-454291r | 453934-454291 | 358 | 16C | Truncado en 3’ |
| 16C-457167r | 456545-457167 | 623 | 16C |  |
| 16C-499314r | 498826-499314 | 489 | 16C | Truncado en 5’ |
| 16-566028r | 565792-566028 | 237 |  | Huérfano |
| 16D-622983r | 622480-622983 | 504 | 16D |  |
| 16D-631202r | 630654-631202 | 549 | 16D |  |
| 16D-684097r | 683546-684097 | 552 | 16D |  |

>16A-26361r

TATCCCTGCCAATACCGAACTATTCTGGGTGACAGGGTGAAGTGGCGACGGCGTACGGGGAGGGGGAGCTCCGTGCGCGGTGTCGCTGCCGCTGTCCGGTCGCGGGTGGCGTTGTGCGTCGCGGCGACCGGCGACAGTGTGAGCACGTTTGTGCTATTTGTATGTGGTGTGCAAGGCCACCATGCGCCTCGAGCGTATCCCACCCGGCCGTCACACTGCCTACTGCTGGTGTGTGTGTGTGGGGGGGCGAGTGGCGCTGGAGCCATGCCAGCGTGGC

>16A-30202r

GCGCGCGGGGTGGGGGAGCTCCGTGCGCGGTGTCGCTGCCGCTGTCCGGTCGCGGGTGGCGTTGTGCGTCGCGGCGACCGGCGACAGTGTGAGCACGTTTGTGCTATTTGTATGTGGTGTGCAAGGCCACCATGCGCCTCGAGCGTATCCCACCCGGCCGTCACACTGCCTACTGCTGGTGTGTGTGTGTGGGGGGGCGAGTGGCGCTGGAGCCATGCCGCGATAGC

>16A-48810r

TATCGGTGCCAATACCGAACTATTCTGGGTGACAGGGTGAAGTGGCGACGGCGTACGGGGAGGGGGAGGGGGAGCTCCGTGCGCGGTGTCGCTGCCGCTGTCCGGTCGCGGGTGGCGTTGTGCGTCGCGGCGACCGGCGACAGTGTGAGCACGTTTGTGCTATTTGTATGTGGTGTGCAAGGCCACCATGCGCCTCGAGCGTATCCCACCCGGCCGTCACACTGCCTACTGCTGGTGTGTGTGTGTGGGGGGGGCG

>16A-69675r

GGGAGGGGGGAGGGGGAGGCCCGTGCGCGGTGTCGCTGCCGCTGTCCGGTCGCGGGTGGCGTTGTGCGTCGCGGCGACCGGCGACAGTGTGAGCACGGTTGTGCCATTTGTATGTGGTGTGCAAGGCCACCATGCGCCTCGAGCGTATCCCACCCGGCCGTCACACTGCCTACTGCTGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGGGG

>16A-73887r

GGGGGGAGTGTCTAAGGGCGCGATATCACAGTGCTCAGCACACCCGCTCTGTGTGCGGAGAGGCCAGCCCCTCCTCCCTCCTATATCCCTGCCAGTGCCGAACCGCTTCTCTTGGTGACAGGGTGAAGTGGCGACGGCGTACGGGGAGGGGGGAGGGGGAGGCCCGTGCGCTGTATCGCTGCCGCTGTCCGGTCGCGGGTGGCGTTGTGCGTCGCGGCGACCGGCGACAGTGTGAGCACGGTTGTGCTATTTGTATGTGGTGTGCAAGGCCACCATGCGCCTCGAGCGTATCCCACCCGGCCGTCACACTGCCTACTGCTGGTGTGTGTGTGTGGGGGGGGGGTGTGGGGCTGTGACAGGCCCTCTGTGTGTGTGTGGGGCCGAGTGGCGCTGGAGCCATGCCGCCGTGGCAGCTAGATGGGCGCGACGCAGCACGGGCAGTGC

>16A-89498r

GGGGGGAGTGTCTAAGGGCGCGATATCACAGTGCTCAGCACACCCGCTCTGTGTGCGGAGAGGCCAGCCCCTCCTCCCTCCTATATCCCTGCCAGTGCCGAACCGCTTCTCTTGGTGACAGGGTGAAGTGGCGACGGCGTACGGGGAGGGGGAGGGGGAGGCCCGTGCGCGGTGTCGCTGCCGCTGTCCGGTCGCGGGTGGCGTTGTGCGTCGCGGCGACCGGCGACAGTGTGAGCACGGTTGTGCTATTTGTATGTGGTGTGCAAGGCCACCATGCGCCTCGAGCGTATCCCACCCGGCCGTCACACTGCCTACTGCTGGTGTGTGTGTGTGGGGGGGGGGTGTGGGGCTGTGACAGGCCCTCTGTGTGTGTGTGGGGCCGAGTGGCGCTGGAGCCATGCCGCCGTGGCAGCTAGATGGGCGCGACGCAGCACGGGCAGAGC

>16B-150965r

CTGCCGGTTTGGGGCCTCCCCTGGTGACTGGAGAGACACCGCTTGGCGTGGTGTCCAGTGCACGGTGCCTCGCTCCGTATGGGGAGACCCAGCAGCAGCCCTCACCCCCATCCCTGCCGAACGCCGCACCACCTCCGGCGGTGACAGGCTCAGGCACCTGCGACGTGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGCCTGCGTGGCGTCGCGGCGGCATGCGAAGCGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGAGGCGGGGGCCGTGCTCCCCGACGACCGAGTCGGCGCACTGCTGTACCGTGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCACCAGACGACGGGCGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGAGGTGCATGTGTGTCTGTGTG

>16B-156881r

CTGCCGGTTTGGGGCCTCCCCTGGTGACTGGAGAGACACCGCTTGGCGTGGTGTCCAGTGCACGGTGCCTCGCTCCGTATGGGGAGACCCAGCAGCAGCCCTCACCCCCATCCCTGCCGAACGCCGCACCACCTCCGGCGGTGACAGGCTCAGGCACCTGCGACGTGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGCCTGCGTGGCGTCGGGCCGACATGCGAAGCGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGGGGCGGGGGGCCGTGCTCCCCGACGACCGAGTCGGCGCACTGCTGTACCGTGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCACCAGACGACGGGCGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGAGGTGCGTGTGTGTGCGTCTGCGG

>16B-162021r

CGACGTGGTCGGCGCACTGCTGTACCGTGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCACCAGACGACGGGCGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGAGGTGCATGTGTGTGCGTCAGAGGTGGCGGTGTAGGGTGTGGTGTTTGGCCTCGCCTGGTGCACGGCAGACAGTGAAGCACAGAACAC

>16B-176478r

CCTCCACGCGCGGCATCTCAGGGCCCAGCATCCCCCCACCCCAGCCCCGCTCCGTGTGCCAAGACGCCAGGGGATCTCCCCCGTCCCTGCCGAACGCCGCACCACCTCCGGCGGTGACAGGCTCAGGCACCTGCGACGTGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGCCTGCGTGGCGTCGCGGCGGCATGCGAAGCGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGGGGCGGGGGCCGTGCTCCCCGACGACCGAGTCGGCGCACTGCTGTACCGTGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCACCAGACGACGGGCGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGAGGTGTGTGTGTGTGTGTCAGAGGTGGCGGTGTAGGGTGTGGTGTTTGGCCTCGCCTGGTGCACGGCAGACAGTGAAGCACAGAACAC

>16B-195126r

GTGTGCGTGTGTGTGTGTGTGATCTTCTTTTGATGCTTCATGTGAGTAGCGCACCCCCCCACCCCAGCCCCGCTCCGTGTGCCAAGACGCCAGGGGATCTCCCCCGTCCCTGCCGAACGCCGCACCACCTCCGGCGGTGACAGGCTCAGGCACCTGCGACGTGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGCCTGCGTGGCGTCGCGGCGGCATGCGAAGCGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGAGGCGGGGGCCGTGCTCCCCGACGACCGAGTCGGCGCACTGCTGTACCGTGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCACCAGACGACGGGCGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGAGGTGCGTGTGTGTGTCAGAGGTGGCGGTGTAGGGTGTGGTGTTTGGCCTCGCCTGGTGCACGGCAGACAGACGAACTCGCCCTGA

>16B-208643d

GTGCGTGTATGTGTGTGTGTGATCTTCTTTTGATGCTTCATGTGAGTAGCGCACCCCCCCACCCCAGCCCCGCTCCGTGTGCCAAGACGCCAGGGGATCTCCCCCGTCCCTGCCGAACGCCGCACCACCTCCGGCGGCGACAAGCTCAGGCACCTGCGACGTGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGCCTGCGTGGCGTCGCGGCGGCATGCGAAGCGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGAGGCGGGGGCCGTGCTCCCCGACGACCGAGTCGGCGCACTGCTGTACCGTGTGCGTCTACGGCTGCTTCGCACCAGACGACGGGCGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGAGGTGTGTGTGTGTGTGTCAGAGGTGGCGGTGTAGGGTGTGGTGTTTGGCCTCGCCTGGTGCACGGCAGACAGACGAGCTCACCTTGA

>16B-271487r

CACCTCTCTCAGCGCGTGGTTTCTCAGGGCCCAGTGCCCCCTCAACTCTGTGTGTGGGAGGAGGCCCAGCAGCAGCCCCCACCCCTATTCCTGCCAAACGCCGAACCACCTCCGGCGGTGACAGGCTCAGGCACCTGCGACATGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGGCTGCGTGGCGTCGGAGCAGTCTGCGAGACGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGAGTCGCGAGGGCCGTGCTCCCTGATGACCGAGTCGGCGCGCTGCTGTGCCGCGTGTGCCCAAGGCTGCTTCGCATCCCGCGATGGGGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGGGGCAGTGTGGCGTTGAGCGCGTGCTGTGCGGCAGAGGGGGTGGGTGGGGCATGGCCTCACGCTGCAGAAAGGGGAAC

>16B-314074r

CACCCCTCTCAGCGCGCGGTATCTCAGGGCCCAGTGCCCCCTCAACTCTGTGTGTGGGAGGAGGCCCAGCAGCAGCCCCCACCCCTATTCCTGCCAAACGCCGAACCACCTCCGGCGGTGACAGGCTCAGGCACCTGCGACATGGCGAGGTCAGAGCGACGTATCGCTACAGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGCCTGCGTGGCGTCGGAGCAGCCTGCGAGACGGCTGTTGGTGGGTAGAGCTTGAGTCGCGAGGGCCGTGCTCCCTGATGACCGAGTCGGCGCGCTGCTGTGCCGCGTGTGCCCAAGGCTGCTTCGCATCCCGCGATGGGGCCCGTGGCAGGAGGGGCCGGGGGCAGTGTGGCGTTGAGCGCGTGCTGTGCGGCAGAGGGGGTGGGTGGGGCATGGCCTCACGCTGCAGAAAGGGAAAC

>16-357314r

GCTTTTAGGCGTGTGTGGGGGGGGGGAAGCTTGAGGCAGGGGCTGCGCTCAAAATGGCTGAGTCGGTGCATTGCTGCCCCGGCGTGTGTCGACGGCTTCTTTGCATCATGCGATGGGGGCCTGTGACGGGGGGGGGGGGGGGGGGTAGAGTTGAGCTCATGACGTATGGCAG

>16C-380473d

CCCCCGCCCTTTTATTCCCGGGCAAACGTCGCACAACTGCTGACGAATGCCAGGGCCCAGGCACCCACGGCGTGGCGAGGTCAGAGGGATGTATTGCTGCTGATGTCGGCGGCCAGACCCTGGAGGGCGCTGCGTCGGAGCGACCTGCGACGACGCACACGTTGGCGCCGTCCACATCATGGGCGGGGTGTCGGCGTGACTCAGGTGTATGCCACCCCCAGCCCTGGCTGCCCTGCTGGTGGGGTGGGGGGAGCCTGAGGAGGATGGAGTGGGCAGAGCTTGCGGCAGGGGCGCTGCTGCGGTGACGGATTCGGCGCACTGCTGTACCGCGCGTGTCTGGCGGCTGCCTCGCACGGGGTGACGAGGGCTTGTGACTGGAGCCACTGCGAAGGCAGCCGGACCAGCGTAGACGCTGAAAAAAGTGTTGTGGCAGTCGCTGCGGA

>16C-425525d

CCCCCGCCCTTCTATTCCCGGGCAAACGCCGCACCACTGCTGACGAGTGGCAGGGCCCAGGCACCCACGGCGTGGCGAGGTCAGAGCGATGTATTCCTGCTGATGTCGGCGGCCAGACCCTGGAGGGCGCTGCGTCGGAGCGACCTGCGACGACGCACACGTTGGCGCCGTCCACATCATGGGCGGGGTGTCGGCGTGACTCAGGTGTATGCCACCCCCAGCCCTGGCTGCCCTGCTGGTGGGGTGGGGGGAGCCTGAGGAGGATGGAGTGGGCAGAGCTTGCGGCAGGGGCGCTGCTGCGGTGACGGATTCGGCGCACTGCTGTACCGCGCGTGTCTGGCGGCTGCCTCGCACGGGGTGACGAGGGCTTGTGACTGGAGCCACTGCGAAGGCAGCCGGACCAGCGTAGACGCTGAAAAAAGTGGTGTGGCAGTCGCTGCGGA

>16C-454291r

CTGTTTCGGAGCGACCTGCGACGACACACACGTTGGCGCCGTCCACATCATGGGCGGGGTGTCGGCGTGACTCAGGTGTATGCCACCCCCAGCCCTGACTGCCCTGCTGGTAGGGTGGGGGGAAGCCCGAGGAGCATGGAGTGGGCAGAGCTTGCGGCAGGGGCGCTGCTGCGGTGACGGATTCGGCGCACTGCTGTACCGCGCGTGTCTGGCGGCTGCCTCGCACTGGATGGCGGGGGCGTGTGACGGATGCTGCACGGCCGCGGACTGGACGCGTTGGAAAGTACCTCACATATGGAATGGGCTCTTGGAAACGATGGGAGCGCAGCGGAGAGGTGCTGCGAGTCCTACGGCCCCG

>16C-457167r

CCGCCCAGCCCGCCTGTTATCGGCAATATGCCCTTCTATTCTCTCTTCACAATGTGCCCCCGTCTCTGATGACGGGAGAGGAGGGTGCCGCAGTGCGCGGTATCTCTCGCATACACACGCACACGGGCCAGCACCCCCCCCGCCCCTCTATTCCCGGGCAAACGCCGCACCACTGCTGACGAGTGGCAGGGCCCAGGCACCCACGGCGTGGCGAGGTCAGAGCGATGTATTCCTGCTGATGTCGGCGGCCAGACCCTGGAGGGCGCTGCGTCGGAGCGACCTGCGACGACGCACACGTTGGCGCCGTCCACATCATGGGCGGGGTGTCGGCGTGACTCAGGTGTATGCCACCCCCAGCCCTGACTGCCCTGCTGGTGGGGTGGGGGGAAGCCCGAGGAGCAGGGAGTGGGCAGAGCTTGCGGCAGGGGCGCTGCTGCGGTGACGGATTCGGCGCACTGCTGTACCGCGCGTGTCTGGCGGCTGCCTCGCACTGGATGGCGGGGGCGTGTGACGGATGCTGCACGGCCGCGGACTGGACGCGTTGGAAAGTACCTCACATATGGAATGGGCTCTTGGAAACGATGGGAGCGCAGCGGAGAGGTGCTGCGAGTCCAGCGGCCCCG

>16C-499314r

CCGCCCAGCCCGCCTGTTATCGGCAATATGCCCTTCTATTCTCTCTTCACAATGTGCCCCCGTCTCTGATGACGGGAGAGGAGGGTGCCGCAGTGCGCGGTATCTCTCGCATACACACGCACACGGGCCAGCACCCCCCCCGCCCCTCTATTCCCGGGCAAACGCCGCACCACTGCTGACGAGTGGCAGGGCCCAGGCACCCACGGCGTGGCGAGGTCAGAGCGATGTATTCCTGCTGATGTCGGCGGCCAGACCCTGGAGGGCGCTGCGTCGGAGCGACCTGCGACGACGCACACGTTGGCGCCGTCCACATCATGGGCGGGGTGTCGGCGTGACTCAGGTGTATGCCACCCCCAGCCCTGACTGCCCTGCTGGTGGGGTGGGGGGAAGCCCGAGGAGCATGGAGTGGGCAGAGCTTGCGGCAGGGGCGCTGCTGCGGTGACGGATTCGGCGCACTGCTGTACCGCGCGTGTCTGGCGGCTGCGTCGC

>16-566028r

CTCGTGCGGCATGCACCTGGGGTTGCAGCCAATATAATGTGAGCGGCTGTGAGGGGTGGGCGAGTGGGTAGAGTCTGAAGCAGAGGCCTTGCTGAGCTAAATGAGTCGTTGCGTTGCTGTAACGCGTGTGTCTAGCGCTGCACTGCACCAGGCGATGAGGGGCCTGCGGCAGGCCCAAGTGGGGGTCGAGTGGCGTTCAGCTCATGCTGTAAAGCCGAGAAATGGAGACGTTGAAAA

>16D-622983r

AGCCCGGCAGCCATGCAGCCCCCGCGAAATGCCGAGCCACCCCTGGCGGTGACAGGGCCGAGTGCCTACACCACAGGGAGGCCAGGGCGACCTATCGCTACTGATGTCGGCCGTGCCAGATCGTGGATGGCGTTGCGTCGGAGAGACCTGCGGCAGTAGACACACTAGTGCCGTCCACGCGGAGGGCGGGGTGTCAGCGTGGCTCGGACGCGGCTCCCCCGGCCCTCACACTGCCTTTGCTGGTGGTGCGGAGCCTGAGAGCCAACCCGAGCTGCATGCACCTGGGGTGGGGACCGGCATGATGTGGGCGGCTGTGAGGCGACGTGCGAAGCGGAGCTGGGTAGAGTTTGGTGCAGGGGCCGCGCTCTCAGATGACTGGGCCGGCAGCATTCTAACGCGTGTCTCCCGCTGCACCGCACCAGGCGATGGGGGCCTGCGGCATTCCGGCTTCGGCGGCGTTTGAGCCCGTGTTGCACGGCAGCGAAACGGGCATCTTGAAAGAAG

>16D-631202r

GGACACCTCAGCATGCTATCAGGGCCCGGTGCACCCTCCGTGGTGGGAAGCCCGGCAGCCATGCAGCCCCCGCGAAATGCCGAGCCACCCCTGGCGGTGACAGGGCCGAGTGCCTACACCACAGGGAGGCCAGGGCGACCTATCGCTACTGATGTCGGCCGTGCCAGATCGTGGATGGCGTTGCGTCGGAGAGACCTGCGGCAGTAGACACACTAGTGCCGTCCACGCGGAGGGCGGGGTGTCAGCGTGGCTCGGACGCGGCTCCCCCGGCCCTCACACTGCCTTTGCTGGTGGTGCGGAGCCTGAGAGCCAACCCGAGCTGCATGCACCTGGGGTGGGGACCGGCATGATGTGGGCGGCTGTGAGGCGACGTGCGAAGCGGAGCTGGGTAGAGTTTGGTGCAGGGGCCGCGCTCTCAGATGACTGGGCCGGCAGCATTCTAACGCGTGTCTCCCGCTGCACCGCACCAGGCGATGGGGGCCTGCGGCATTCCGGCTTCGGCGGCGTTTGAGCCCGTGTTGCACGGCAGCGAAACGGGCATCTTAAGAA

>16D-684097r

GGGCACCTCAGCATGCTATCAGGGCCCGGTGCACCCTCCGTGGTGGGAAGCCCGGCAGCCATGCAGCCCCCGCGAAATGCCGAGCCACCCCTGGCGGTGACAGGGCCGAGTGCCTACACCACAGGGAGGTCAGGGCGACCTATCGCTACTGATGTCGGCCGTGCCAGATCGTGGATGGCGTTGCGTCGGAGAGACCTGCGGCAGTAGACACACTAGTGCCGTCCACGCGGAGGGCGGGGTGTCAGCGTGGCTCGGACGCGGCTCCCCCGGCCCTCACACTGCCTTTGCTGGTGGTGCGGAGCCTGAGAGCCACCCCGAGCTGCATGCACCTGGGGTGGGGACCGGCATGATGTGGGCGGCTGTGAGGCGACGTGCGAAGCGGAGCTGGGTAGAGTTTGGTGCAGGGGCCGCGCTCTCAGATGACTGGGCCGGCAGCATTCTAACGCGTGTCTCCCGCTGCACCGCACCAGGCGATGGGGGCCTGCGGCATTCCGGCTGGGGCGGCGTTTGAGCCCGTGTTGCACGGCAGCAAAACGGGCATCTTGAAAAAAG