**Elementos SIDER2s en el cromosoma 28 de *L. infantum***

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 28-33281d | 33281-33793 | 513 |  | Huérfano |
| 28A-80383d | 80383-80874 | 492 | 28A |  |
| 28A-119620d | 119620-120145 | 526 | 28A |  |
| 28A-133640d | 133640-134203 | 564 | 28A |  |
| 28A-159614d | 159614-159950 | 337 | 28A | Truncado en 5’ |
| 28A-164797d | 164797-165298 | 502 | 28A |  |
| 28A-169035r | 168514-169035 | 522 | 28A |  |
| 28A-172406r | 171902-172406 | 505 | 28A |  |
| 28B-283113r | 282704-283113 | 410 | 28B |  |
| 28B-311417d | 311417-311826 | 410 | 28B |  |
| 28C-417166r | 416627-417166 | 540 | 28C |  |
| 28C-428065d | 428065-428604 | 540 | 28C |  |
| 28-511704d | 511704-511988 | 285 |  | Huérfano |
| 28D-526277d | 526277-526735 | 459 | 28D |  |
| 28D-530701d | 530701-531156 | 456 | 28D |  |
| 28E-545683r | 545230-545683 | 454 | 28E |  |
| 28E-586649d | 586649-587218 | 570 | 28E |  |
| 28E-598277r | 597674-598277 | 604 | 28E |  |
| 28E-608778r | 608220-608778 | 559 | 28E |  |
| 28-659006r | 658463-659006 | 544 |  | Huérfano |
| 28F-781054r | 780491-781054 | 564 | 28F |  |
| 28F-795454r | 795191-795754 | 564 | 28F |  |
| 28F-829092r | 828543-829092 | 550 | 28F |  |
| 28F-837209r | 836780-837209 | 430 | 28F |  |
| 28F-842477d | 842477-843023 | 547 | 28F |  |
| 28F-848470r | 847928-848470 | 543 | 28F |  |
| 28F-886863d | 886863-887426 | 564 | 28F |  |
| 28G-918260d | 918260-918852 | 593 | 28G |  |
| 28G-938282d | 938282-938874 | 593 | 28G |  |
| 28G-943216d | 943216-943772 | 557 | 28G |  |
| 28G-987784d | 987784-988199 | 416 | 28G | Truncado en 3’ |
| 28G-1002713d | 1002713-1003180 | 468 | 28G |  |
| 28H-1103420r | 1102893-1103420 | 528 | 28H |  |
| 28H-1141196r | 1140669-1141196 | 528 | 28H |  |

>28-33281d

CCCAGCCCCCGCTCTGTGAGGAAGCCAAGCAGCCCCCCTACCCTCGCCAACGCCGAACCACTGCCGGCCGTGACCGGGCCGTGTGCCTGCGATGTGTGGGGAAGTGAGAGCGATGCATCGCTGATGAAATGCTGACGACCAGGTCCTGAACGGCGTTGCGTCGAAGAGAACCGCGGTAGTGGACACACGTGTGCCACTCATATGATTAGGCAGAGTGTCAGCGGGACTCGACCTAATCGCACCCATACCTCACTTCCTACTGGTGCTGGGACCTGGGCGTCACCGCGAGGGGGCGCACTAAGTGGCGGCCGGCATAATGGGAGCGGCTTTGAGGCGACTTGCGTGCCAGTGGTGGGTGAGTATCGTTTGAGGCAGAGGCCGTGCTCTTCGATGATTGAGTCGGCGCACTGCTGTAGCGCGTGTGCCCACGACCGCTTCGCACGACGCGATGGGGCGTGTGACAGGCCTGGGTGGAGCTGAGTTGAATCGCTGCTGTATGGCAGAGAGTGGGCA

>28A-80383d

ATGTCGTGCGGGGGTGGGGAGGGGCCACCTCAGCGTGGCATCTCAGGACGCAGGGGGGGGAGCTCGCTCGCTCTCTCTCTGTGTGCGGAGGAGCGAAGCAGCCCCCCACCGCCCACCCTCTTCGCTATCCCTGCCAATGCGAGGCCACTTCTGGTGGTGGCAAGCTCAAACGCGCCCTCATGATGTGTCCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGGTGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAATGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCACAGCGGCGGGGGTAGTGCGTAGAGTGCGAGCGGCGGTTGCCGTGGGCAGA

>28A-119620d

TTGTCACACTTGTCTGCACCCCCACCCGCTCATGACGTGCGGGGGTGGGGAGGGGCCACTTCAGCGTGGCATCTCAGGACACAGGGGGGGGGGCGCTCGCTCTCTCTCTCTGTGTGCGGAGGAACGAAGCAGCCCCCCACCGCCCACCCTCTTCGCTATCCCTGCCAATGCGAGGCCACTTCTGGTGGTGGCAAGCTCAAACGCGCCCTCATGATGTGTCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGGTGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAACGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGCGCCGGCGGGTGCCGGGTGGAGAGAAGCTGGGCTCATGCCGTACGGCAGAGAACG

>28A-133640d

TTCTCGCACGTCTCTGCACCCCCACCCGCTCATGACGTGCGGGGGTGGGGAGGGGCCACTTCAGCGTGGCATCTCAGGACACAGGGGGGGCGCTCGCTCTCTCTCTCTCTGTGTGCGGAGGAGCGAAGCAGCCCCCCACCGCCCACCCTCTTCGCTATCCCTGCCAATGCGAGGCCACTTCTGGTGGTGGCAAGCTCAAACGCGCCCTCATGATGTGTCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGGTGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAATGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCACAGCGGCGGGGGTAGTGCGTAGAGTGCGAGCGGCGGGTGCCGGGTGGAGAGAAGCTTGGCTCATGCCGTACGGCAGAGAACGAACACGTTGGA

>28A-159614d

CCGCCCTCATGATGTGTCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGATGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAATGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGCACCGGCGGGTGCCGGGTGGAGAGAAGCTTGGCTCATGTCGTGCGGCAGAGAACGGACACGTTGGA

>28A-164797d

TTCATCGTCCGCCCTCATGACGTGCGGGGGTGGGGAGGGGCCACTTCAGCGTGGCATCTCAGGACACAGGGGGGGGGCGCTCGCTCTCTCTCTCTCTGTGTGCGGAGGAGCGAAGCAGCCCCCCACCGCCCACCCTCTTCGCTATCCCTGCCAATGCGAGGCCACTTCTGGTGGTGGCAAGCTCAAACGCGCCCTCATGATGTGTCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGGTGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAATGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGCACCGGCGGGTGCCGGGTGGAGAGAAGCTTGGCTCACGCTGTA

>28A-169035r

TTCATCGTCCGCCCTCATGACGTGCGGGGGTGGGGAGGAGCCACTTCAGCGTGGCATCTCAGGACACAGGGGGGGGGCGCTCGCTCTCTCTCTCTCTCTGTGTGCGGAGGAGCGAAGCAGCCCCCCACCGCCCACCCTCTTCGCTATCCCTGCCAATGCGAGGCCACTTCTGGTGGTGGCAAGCTCAAACGCGCCCTCATGATGTGTCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGGTGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAACGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGCGCCGGCGGGTGCCGGGTGGAGAGAAGCTGGGCTCATGTCGTACGGCAGAGAGCGGACACGT

>28A-172406r

CTCATGACGTGCGGGGGTGGGGAGGGGCCACTTCAGCGTGGCATCTCAGGACACAGGGGGGGCGCTCGCTCTCTCTCTCTCTGTGTGCGGAGGAGCGAAGCAGCCCCCCACCGCCCACCCTCTTCGCTATCCCTGCCAATGCGAGGCCACTTCTGGTGGTGGCAAGCTCAAACGCGCCCTCATGATGTGTCGGAGGCGCCAGAGCGATGCGTCGCTGCTGACGCCGGCGGCCAGGTCCCGGAGTGGGGCGGTGTCGGTGCGACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCGCCCACATCGATGGGCAAAGCGCCAGCGGGAGTCGAGCGAATCCCACCCAACCCTCACACCGCCCACTGCGGGGGGGGGCCGGGGTGTCGCCCCGCGAGGGGTGCACCGCAGGGGTGGCGGCCGGCATAATGGGCCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGCACCGGCGGGTGCCGGGTGGAGAGAAGCTTGGCTCATGTTGTACGACAGAGAGCGGACACGT

>28B-283113r

GTGGGTGTGGGGTGCCAGACGCCCCCTCTTCCCCCTCTTATCCCTGCCAATGCCGAACCCCGCTTCTGGTCGTCGCAGGGTCGGGTGCCTATGACGTAGCGAAGTCAGGGCTATGCATGGCTGCTCATGTGGGTGGCCAGGTCCTGGCTGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACCTGCGACCGTGGACACGCCTGTGCCATCCATGCGATAGGCAAGGTGTCAGCGTGACTCGAACGCATCCGGCCCCCGGCCTGCGCTGCCTACTGGTGGGGAGCCTGGGCCGCCTTGAGGGATGCACCAGGTGGTGACCGGCACAATGGGAACGTCTGTGAGGCGACCTACTCCGCGGGTGTGGGTAGGGTTTGAGGCAGGGGTTGTGCTCCGATGGCTGAGTCGGCGCATCGCGGT

>28B-311417d

GTAGGTGTGGGGTGCCAGACGCCCCCTCTTCCCCCTCTTATCCCTGCCAATGCCGAACCCCGCTTCTGGTCGTCGCAGGGTCGGGTGCCTATGACGTAGCGAAGTCAGGGCTATGCATGGCTGCTCATGTGGGTGGCCAGGTCCTGGCTGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACCTGCGACCGTGGACACGCCTGTGCCATCCATGCGATAGGCAAGGTGTCAGCGTGACTCGAACGCATCCGGCCCCCGGCCTGCGCTGCCTACTGGTGGGGAGCCTGGGCCGCCTTGAGGGATGCACCAGGTGGTGACCGGCACAATGGGAACGTCTGTGAGGCGACCTACTCCGCGGGTGTGGGTAGGGTTTGAGGCAGGGGTTGTGCTCCGACGGCTGAGTCAGCTCAGCGCTGT

>28C-417166r

CAGGGCCCACTGCCCCTCCCCTTCCCTCTGCCACTCTCTCTGCCTGGGAAAGCCAGGCAGCCCCTCCCTACCCCTGCCAAATGCCGCGCCACTTCGGATGGTGCCAGTGCCTGGTGCCTGTGACGTAGATGTCAGAGCGATGCATCGCTGCTGACGTCGGTAGCCAGGCTCCGAATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACCGTGAGCACGCGTGCGCCATCCATGCGGTGGGCAGAGTGTCAGCGGGACTGGAGCGTGCATCATCCCCGGCCCTCGCCCTGCCTGCTGGTGCGGGGGGAGCCTGAGGGTTGCCCCGAGGGGGCTGCACCAGGTGGGGACAGGCATGATGGGCGAGCGGCCGTGCGGCGGCCTGCTCAGCGGAGGTGGATAGAGCTCGATGCAGGTGTGGCGCTGCGACGACTGCGTCGCCGTCGCGGTAGCACGTGTGTGCGGCTGCTTGGCATCACGCAAACGAGCCGGCGACGGGCCCGGGCCGAGTTCTGTTGGGCCCCATGCTCTGCAGCAGAGAGCGGGCACG

>28C-428065d

CAGGGCCCACTGCCCCTCCCCTTCCCTCTGCCACTCTCTCTGCCTGGGAAAGCCAGGCAGCCCCTCCCTACCCCTGCCAAATGCCGCGCCACTTCGGATGGTGCCAGTGCCTGGTGCCTGTGACGTAGATGTCAGAGCGATGCATCGCTGCTGACGTCGGTAGCCAGGCTCCGAATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACCGTGAGCACGCGTGCGCCATCCATGCGGTGGGCAGAGTGTCAGCGGGACTGGAGCGTGCATCATCCCCGGCCCTCGCCCTGCCTGCTGGTGCGGGGGGAGCCTGAGGGTTGCCCCGAGGGGGCTGCACCAGGTGGGGACAGGCATGATGGGCGAGCGGCCGTGCGGCGGCCTGCTCAGCGGAGGTGGATAGAGCTCGATGCAGGTGTGGCGCTGCGACGACTGCGTCGCCGTCGCGGTAGCACGTGTGTGCGGCTGCTTGGCATCACGCAAACGAGCCGGCGACGGGCCCGGGCCGAGTTCTGTTGGGCCCCATGCTCTGCAGCAGAGAGCGGGCACG

>28-511704d

GCTCCCATTTCATTGCGTGCTGGTGTTGAGAGCCTGAATGTCACCCCCGAGAGGGGATGCAGCAGGGGGCGGCCAGCACAGTGCGGGTGCGGCTGTGAGGCGAACTGCGGAGCACGGTGTGGATGGGTAGAGGTTGGAGTCAGAGGCCGTTCTCCAGTGACTGAGTCGGCGCGCTGCCGCACAGCGTGTATCAACTGCTACTTCGCACCACGCGATGGGGGGCCTGTGACAGGGCGGGCGGTAGAGAGGCGCTTGCATCCATGCACTATGGTCGAGAAATGGACA

>28D-526277d

CTGGTGGTTTCTCAGGCAGCCGGGGCCCCCTCCATCCTGTGATGTAAGAGCTCCTTGTCGCTACTACTTCGCGGCGGTCGGGCCCCGAATGGCGTTGCCTCGGAGCGACGCTCGACGGTGCGTACGTCTGTGTCATCCACAAGATTGGGCAGAGTGTCGGCATGACTCGAGCACAGCCCACCCCCACCCCTCACACCGCCTGCTGGTGTGGGAAGCCTGAATGCCACCCCCGAGAAGGGATGCACCAGGTGGCAACCTCCATGATGAGAGCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGAGGGGCGGGGTGGGTGGGTAGAGGTTGGGGTCAGAGGTCGTGCTCCGGCGCCTGAGTCGGCGCACTGCTGTAGCACCTGCCATTCGCTGCTTCGCATCACGCGACGGGGGGGGGCCTGTGACAGGGCGGGAGGTAGAGTGGCGCTTGAACGGATGTGCTAAGGCAGCGA

>28D-530691d

CTGGTGGTTTCTCAGGCAGCCGGGGCCCCCTCCATCCTGTGATGTAAGAGCTCCTTGTCGCTACTACTTCGCGGCGGTCGGGCCCCGAATGGCGTTGCCTCGGAGCGACGCTCGACGGTGCGTACGTCTGTGTCATCCACAAGATTGGGCAGAGTGTCGGCATGACTCGAGCACAGCCCACCCCCACCCCTCACACCGCCTGCTGGTGTGGGAAGCCTGAATGCCACCCCCGAGAAGGGATGCACCAGGTGGCAACCTCCATGATGAGAGCGGCTGTGAGGCGGCCTGCGAGGGGCGGGGTGGGTGGGTAGAGGTTGGGGTCAGAGGTCGTGCTCCGGCGCCTGAGTCGGCGCACTGCTGTAGCACCTGCCATTCGCTGCTTCGCATCACGCGACGGGGGGCCTGTGACAGGGCGGGAGGTAGAGTGGCGCTTGAACGGATGCGCTAAGGCAACGA

>28E-545683r

CTCTGTGGAGAAGCCGAGCCGCCGCCGTCCCCCTATCCCTGCCAATGCCGAGCCACCGCACCTGGCCCCGACAGGGTCCAGCGCCTGCGACACGGGGAGGCCAGTGTGATGTATCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCGTGAGAGCCACCGGCAACAGTGGAGATGTTTGCACCATGGGTATGCTCGGCAGAGTGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTGTCGCTCGGCGCAACAGGAGCGGCTGTGAGGCTGCCTGCGGAGCGGGGGTGGGTGGGTGGGGAGACAGGAGCCGTGCTCAGATGGACGAGTCGGCGCATCGCTGTAACGCGCGTCTACCGCTGCTTCACGCCACGTGATGGGTGGCCTGTGACGGGCCTGGGGTGTAGAGTGGCATTCAGCTCATGTTGTGCGGTAGAGAACGAACGCGCCGAGAAGGAAGAAG

>28E-586649d

GCCGTGGCCGGAAGCTGCTCTTTGTTTTCATAGCTGCCATCGCAGGAAAGGCGCCCCCTAATGACGCGGGGAACACCCCGGCGTGGTATGTGTCAGGGCCCTGTGCACCCCGCACTCTCTGTGGAGAAGCCGAGCCGCCGCCGTCCCCCTATCCCTGCCAATGCCGAGCCACCGCACCTGGCCCCGACAGGGTCCAGCGCCTGCGACACGGGGAGGCCAGTGTGATGTATCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCGTGAGAGCCACCGGCAACAGTGGAGATGTTTGCACCATGGGTATGCTCGGCAGAGTGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTGTCGCTCGGCGCAACGGGAGCGGCTGTGAGGCTGCCTGCGGAGCGGGGGTGGGTGGGTGGGGAGACAGGAGCCGTGCTCAGATGGACGAGTCGGCGCATCGCTGTAACGCGCGTCTACCGCTGCTTCACGCCACGTGATGGGTGGCCTGTGACGGGCCTGGGGTGTAGAGTGGCATTCAGCTCATGTTGTGCGGTAGAGAACGAACGCGCCGAGAAGGAAGAAG

>28E-598277r

GCCGTAGCCGGAAGCTGCTCTTTGTTTTCATAGCTGCCATCGCAGGAAAGGCGCCCCCTAATGACGCGGGGAACACCCCGGCGTGGTATGTGTCAGGGCCCTGTGCACCCCGCACTCTCTGTGGAGAAGCCGAGCCGCCGCCGTCCCCCTATCCCTGCCAATGCCGAGCCACCGCACCTGGCCCCGACAGGGTCCAGCGCCTGCGACACGGGGAGGCCAGTGTGATGTATCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCGTGAGAGCCACCGGCAACAGTGGAGATGTTTGCACCATGGGTATGCTCGGCAGAGTGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTGTCGCTCGGCGCAACGGGAGCGGCTGTGAGGCTGCCTGCGGAGCGGGGGTGGGTGGGTGGGGAGACAGGAGCCGTGCTCAGATGGACGAGTCGGCGCATCGCTGTAACGCGCGTCTACCGCTGCTTCACGCCACGTGATGGGTGGCCTGTGACGGGCCTGGGGTGTAGAGTGGCATTCAGCTCATGCTGTGCGGCAGAGAACGAACGCGTTAAAATGAAAAAAAAAAGAGAAAAGACGTTCTCGTCGCCGTGCGACGG

>28E-608778r

GAAAGGCGCCCCCTAATGACGCGGGGAACACCCCGGCGTGGTATGTGTCAGGGCCCTGTGCACCCCGCACTCTCTGTGGAGAAGCCGAGCCGCCGCCGTCCCCCTATCCCTGCCAATGCCGAGCCACCGCACCTGGCCCCGACAGGGTCCAGCGCCTGCGACACGGGGAGGCCAGTGTGATGTATCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGTCCTGGATGGCGCTGCGTGAGAGCCACCGGCAACAGTGGAGATGTTTGCACCATGGGTATGCTCGGCAGAGTGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTGTCGCTCGGCGCAACGGGAGCGGCTGCGAGGCTGCCTGCGGAGCGGGGGTGGGTAGGTGGGGAGACAGGAGCCGTGCTCAGATGGACGAGTCGGCGCATCGCTGTAACGCGCGTCTACCGCTGCTTCACGCCACGTGATGGGTGGCCTGTGACGGGCCTGGGGTGTAGAGTGGCATTCAGCTCATGCTGTGCGGCAGAGAACGAACGCGTTAAAATGAAAAAAAAAAGAGAAAAGACGTTCTCGTCGCCGTGCGACGG

>28-659006r

TGCCGCTCGCGCCTCTCAGCGCGTGGCATATCAGGGCCCAGTAATGCCGCTCTCTCTGGGTGGGTGGGGGTTGAGCAGCTTCTCCATATCCTTGCCAATGCCAAACCCATTTCAGGTGTTGACAGGGTCAAGTGCCTGCGGCTTAGGGAGCCCAGGGCGATGTATCCGTACTCATGCCAGCCGCTATGTGCATGGAGCTGCATCGGAGAAACCTGCGACAGTGAGCGCGTTGCTATCATTTCTACGACGAGGCAGAGTGTCAGCGCGACTCGATCGTATCTCACCCTCGGCCCTCGCTGCCTACTGGTGTGGGGAGCGTGCGTGTCACCCCCCGAGGGGAGGGGATGCACCAGGTGGCGACCGGCATGGCGGGAAGCGGCTATGAGGCGACCTGCGAAGCGTGGGTGGGCGGGTGAGTTGTACTTGGGACAGGGGGCGCGCTCCGATGACTGAGTCTGCGCAACGCTGCACCACGTGTCTAGCGCTGCTTTGCATCACGCGGGTGGGGACTGTGCCAGGACCTGGTGGTTGTGATGGTAAAGTG

>28F-781054r

GACGACGCGGGGGGGGGGCACATGCCTCTGTGCGTTGTGTCTCTGGGCCCAGTGCCCACTCTCTCTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCTATTCCTGCCACTGCACAACCACCTTTGGTGGTGACAGGGTCAGGCGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGCCCGCAGTGTCCGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGTCTGGGCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGCAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGCCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCAGAGATGAGCCTAAGCTATTGTTGTGTGGTGGCATGGGCGTGGAAGGAA

>28F-795454r

GACGACGCGGGGGGGGGCACATGCCTCTGTGCGTCGTGTCTCTGAGCCCAGTGCCCACTCTCTCTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCTATTCCTGCCACTGCACAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGCGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGTCCGCAGTGTCCGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGCCTGGCCCCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGCAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGCCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCAGAGATGAGCTTAGCTCTTGTTGTGTGGTGGCATGGGCGTGGAAGGAA

>28F-829092r

GGGGACACCTCAGCGTGGTATCAGGGTCCAGTACCCACTCTCTCTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCTATTCCTGCCACTGCACAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGCGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGTCCGCAGTGTCCGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGCCTGGCCCCCCCCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGCAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGTCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCAGAGATGAGCTTAGCTCTTGTTGTGTGGCAGAGAGGAGACGACAAAAAAA

>28F-837209r

GCCAAAGCACAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGTGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGCCCGCAGTGTCTGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGTCTGGGCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGCAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGTCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCGGAGACGAG

>28F-842477d

ATGGGCGACACCTCAGCGTGGTATCTGGGCCCAGTGCCCACTCTCTCTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCTATTCCTGCCACTGCACAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGTGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGCCCGCAGTGTCCGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGTCTGGGCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGAAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGTCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCAGAGATGAGCTTAGCTCTTGTTGTGTGGTGGCATGGACACGTTGAAAAAA

>28F-848470r

ATAGGTGACACCTCAGCGTGGTATCAGGGCCCAGTGCCCACTCTCTCTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCTATTCCTGCCACTGCACAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGTGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGCCCGCAGTGTCCGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGCCTGGCCCCCCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGCAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGTCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCAGAAATGAGCTTAGCTCTTGTTGTGTGGCGGCATGGACACGT

>28F-886863d

GACGACGCGGGGGGGGCACATGCCTCTGTGCGTTGTGTCTCTGGGCCCAGTGCCCACTCTCTCTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCTATTCCTGCCACTGCACAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGCGCGCGTGACGTAGGGACGTCAGAGCGATGTATCACTGCCGATGTCCGCAGTGTCCGGTGCTGGACGGCGTGGCGCCGGAGCGACCCGCGGCCGCGCACACGTTTTCGCCATCCACAGGATGGGCGGAGTGTCGGCGTGACTCGAACGCGTCCCACCCCCGGCCCTCACTGCCCACTGGGGGCGGGGTGAGCCTGGCCCCCCCCCGAGAGGGATGCCCCGGGTGATGGCCAGCATAATGTGCGTGGCTGTGGGGCGACCTGTGGGGCGGGGTTGGGTAAGGTTCGAGGCAGAAGCCATGCACCGATGACCGGGTCTGGGCATTGCTGCACCTCGTGTGCCTACGGCTGTCTCGCGCCGCGCGACGGGGCCTGTGACCGGCCGGGCAGAGATGAGCCTAAGCTATTGTTGTGTGGTGACATGGGCGTGGAAGGAA

>28G-918260d

TGCGATATCCGAGTGCCCACGTACGCCCCCCACCCTCTACTCTCTCTCTCTCTGTGTTGTGGAGGAGGGGGCGGCGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCTCCTCCAGCCCTGCCGATTGCCGGACCCCACTTCTCGCTGTGGCAGGGCCGCGCGCATGAGACTTGGGGAGGTCAGTGCGATGCATCGCTACTGATGCCGGCGGTGAGGTCGTGGGTGGTGCTGCCTCGGAGCGACCTGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCACCCATGTGACTGGGCAGCGTGACTCGAACGCATCCCACACCCGACCCTCACACGGCCCACTGGTGCTGCGGGGAGCCTGCGCCACTCGTGGAGATGCACCAGGTGGCGGCCGACATGATGCGGCTGGCTGCGAGGCGACGTGCGAAGCGCAGGGGTGGGTGGAGTTGGAGGCAAAGGCCGCGCCGATATGACCTTGCCTGCATTGTTATCGCGCATATGCACACGGCTGCCTCGCGCCGCGCGGATGGGCGTGTGTGTGTGTGTGACCGGCGGGGCAGAGTGCGGCGTTCAGCTCATGCTGCATGGCGGAGAAATGGCATCGCTGAATGAACAAG

>28G-938282d

TGTGAAATTCGAGTGTCCGCGTACGCCCCCCACCCTCTACTCTCTCTCTCTCTGTGTTGTGGAGGAGGGGGCGGCGGAAGCCAGGCAGCTCCTCCCTCCTCCAGCCCTGCCGATTGCCGGACCCCACTTCTCGCTGTGGCAGGGCCGCGCGCATGAGACTTGGGGAGGTCAGTGCGATGCATCGCTACTGATGCCGGCGGTGAGGTCGTGGGTGGTGCTGCCTCGGAGCGACCTGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCACCCATGTGACTGGGCAGCGTGACTCGAACGCATCCCACACCCGACCCTCACACGGCCCACTGGTGCTGCGGGGAGCCTGCGCCACTCGTGGAGATGCACCAGGTGGCGGCCGACATGATGCGGCTGGCTGCGAGGCGACGTGCGAAGCGCAGGGGTGGGTGGGGTTGGAGGCAAAGGCCGCGCCGATATGACCTTGCCTGCATTGTTATCGTGCATATGCACACGGCTGCCTCGCGCCGCACGGATGGGCGTGTGTGTGTGTGTGACCGGCGGGGCAGAGTGCGGCGTTCAGCTCATGCTGCATGGCGGAGAAATGGCATCGCTGAACGAACAAG

>28G-943216d

CGCCTACGACCCCCGCCCTCTACTCTCTCTCTCTCTGTGTTGTGGAGGAGGGGGCGGCGGAAGCCAGGCAGCTCCTCCCTCCTCCAGCCCTGCCGATTGCCGGACCCCACTTCTCGCTGTGGCAGGGCCGCGCGCATGAGACTTGGGGAGGTCAGTGCGATGCATCGCTACTGATGCCGGCGGTGAGGTCGTGGGTGGTGCTGCCTCGGAGCGACCTGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCACCCATGTGACTGGGCAGCGTGACTCGAACGCATCCCACACCCGACCCTCACACGGCCCACTGGTGCTGCGGGGAGCCTGCGCCACTCGTGGAGATGCACCAGGTGGCGGCCGACATGATGCGGCTGGCTGCGAGGCGACGTGCGAAGCGCAGGGGTGGGTGGGGTTGGAGGCAAAGGCCGCGCCGATATGACCTTGCCTGCATTGTTATCGCGCATATGCACACGGCTGCCTCGCGCCGCGCGGATGGGCGTGTGTGTGTGTGTGACCGGCGGGGCAGAGTGCGGCGTTCAGCTCATGCTGCATGGCGGAGAAATG

>28G-987784d

ACCCTGATGATGCCGGCTCATCTCCGTGTGTGAAATCCGAGTGCCCGCGCACGTCCCACACCCTCTACTCTCTCTCTCTGTGTTGTGGAGGAGGGGGCGGCGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCTCCTCCAGCCCTGCCGATTGCCGGACCCCACTTCTCGCTGTGGCAGGGCCGCGCGCATGAGACTTGGGGAGGTCAGTGCGATGCGTCGCTACTGATGCCGGCGGGTGAGGTCGTGGGTGGTGCTGCCTCGGAGCGACCTGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCACCCATGTGACTAGGCCGCGTGACTCGAACGCATCCCACACCCGACCCTCACACGGCCCACTGGTGCTGCGGGGAGCCTGCGCCACTCGTGNNGACGCACCCAGTGGCGGCCCGACATGATGCGCTGGCTGC

>28G-1002713d

ACCCTGATGATGCCGGCTCATCTCCGTGTGTGAAATCCGAGTGCCCGCGCACGTCCCACACCCTCTACTCTCTCTCTCTGTGTTGTGGAGGAGGGGGCGGCGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCTCCTCCAGCCCTGCCGATTGCCGGACCCCACTTCTCGCTGTGGCAGGGCCGCGCGCATGAGACTTGGGGAGGTCAGTGCGATGCGTCGCTACTGATGCCGGCGGGTGAGGTCGTGGGTGGTGCTGCCTCGGAGCGACCTGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCACCCATGTGACTAGGCCGCGTGACTCGAACGCATCCCACACCCGACCCTCACACGGCCCACTGGTGCTGCGGGGAGCCTGCGCCACTCGTGGGGACGCACCAGGTGGCGGCCGACATGATGCGGCTGGCTGCGAGGCGACGCGCGAAGCGCAGGGGTGGGTGGAGCTGGAGGCAGGGGCCTTGC

>28H-1103416r

TCGCTTTCCTTCGAGTGTCGGACCCCCTCCCCTCATGACAGTGGTGGGGGAGGGGGACACCTCAGCGTGGCACCTCAGGGTATTGCACACCCCCTACCCTATCTCAGGGCAGAAGCGACGCAGCTCCCACCTATCCAATGCCGATGCCGAGCAAGCCTCTGGTGGTGACAAGGCTAGGCACCTACGACTTGGGGGGAGGCCAGAGCGATGTATCGCCACTGATGTCGGCGGTGAGGTTCTGGATGGCGTTGCATTGTGGGGCGACCTGCGACTGTGAACACGCTTGTGCCGTCCATATGATAGGCAAAGTGCCCGAATGACTGGAACGTAGTCCGCCGGGCCCTCACTGCCTCCTGGCGGGGTAAGCCTGGGACACCATGAGGGGGGATGCACCAGGTGGCGACCGGCACAATGGGAGAGGTCGTGAGGTGACGTGCAGTGCAGGGCTTGGTTAGCGTNTGAGTCAGGGGCCTTTCTCGAGGACTGAGTCGGCATTGCTGTAATGCGTGCCTACGGTAGCTTCGCACC

>28H-1141192r

TCGTTTTCCTTAGAGTGTCGGACCCCCTCCCCTCATGACAGTGGTGGGGGAGGGGGACACCTCAGCGTGGCACCTCAGGGTATTGCACACCCCCTACCCTATCTCAGGGCAGAAGCGACGCAGCTCCCACCTATCCAATGCCGATGCCGAGCAAGCCTCTGGTGGTGACAAGGCTAGGCACCTACGACTTGGGGGGAGGCCAGAGCGATGTATCGCCACTGATGTCGGCGGTGAGGTTCTGGATGGCGTTGCATTGTGGGGCGACCTGCGACTGTGAACACGCTTGTGCCGTCCATATGATAGGCAAAGTGCCCGAATGACTGGAACGTAGTCCGCCGGGCCCTCACTGCCTCCTGGCGGGGTAAGCCTGGGACACCATGAGGGGGGATGCACCAGGTGGCGACCGGCACAATGGGAGAGGTCGTGAGGTGACGTGCAGTGCAGGGCTTGGTTAGCGTTTGAGTCAGGGGCCTTTCTCGAGGACTGAGTCGGCATTGCTGTAATGCGTGCCTACCGCTGCTTTGCGCC