**Elementos SIDER2s en el cromosoma 29 de *L. infantum***

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 29A-16232r | 15692-16232 | 541 | 29A |  |
| 29A-21838r | 21279-21838 | 560 | 29A |  |
| 29A-38732r | 38177-38732 | 556 | 29A |  |
| 29B-86538r | 86109-86538 | 430 | 29B | Truncado en 3’ |
| 29B-95920r | 95310-95920 | 611 | 29B |  |
| 29B-104344r | 103749-104344 | 596 | 29B |  |
| 29B-135740r | 135102-135740 | 639 | 29B |  |
| 29B-156643r | 156007-156643 | 637 | 29B |  |
| 29C-270083r | 269628-270083 | 456 | 29C |  |
| 29C-285400d | 285400-285855 | 456 | 29C |  |
| 29D-328982r | 328454-328982 | 529 | 29D |  |
| 29D-334836r | 334332-334836 | 505 | 29D |  |
| 29D-336596r | 336055-336596 | 542 | 29D |  |
| 29D-345587d | 345587-346122 | 536 | 29D |  |
| 29D-362716d | 362716-363260 | 545 | 29D |  |
| 29D-371555d | 371555-372090 | 536 | 29D |  |
| 29D-383119d | 383119-383633 | 515 | 29D |  |
| 29-453505d | 453505-454084 | 580 |  | Huérfano |
| 29-513987d | 513987-514257 | 271 |  | Huérfano |
| 29-531549d | 531549-532150 | 602 |  | Huérfano |
| 29E-658885d | 658885-659388 | 508 | 29E |  |
| 29E-674727r | 674150-674727 | 578 | 29E |  |
| 29E-681203r | 680611-681203 | 593 | 29E |  |
| 29E-698799r | 698384-698799 | 416 | 29E | Truncado en 5’ |
| 29E-721782r | 721367-721782 | 416 | 29E | Truncado en 5’ |
| 29-769165r | 768582-769165 | 584 |  | Huérfano |
| 29-827250d | 827250-827669 | 420 |  | Huérfano |
| 29F-834894r | 834312-834894 | 583 | 29F |  |
| 29F-837030d | 837030-837575 | 546 | 29F |  |
| 29F-857840r | 857317-857840 | 524 | 29F |  |
| 29G-899717r | 899129-899717 | 589 | 29G |  |
| 29G-926082r | 925503-926082 | 580 | 29G |  |
| 29G-930834r | 930250-930834 | 585 | 29G |  |
| 29G-947105d | 947105-947659 | 555 | 29G |  |
| 29G-953589r | 953215-953589 | 375 | 29G | Truncado en 5’ |
| 29G-970885d | 970885-971314 | 430 | 29G | Truncado en 3’ |
| 29H-988034r | 987496-988034 | 539 | 29H |  |
| 29G-991520r | 991100-991520 | 421 | 29G | Truncado en 3’ |
| 29H-994990r | 994421-994990 | 570 | 29H |  |
| 29I-1013027r | 1012494-1013027 | 534 | 29I |  |
| 29-1018574r | 1018027-1018574 | 548 |  | Huérfano |
| 29I-1024817r | 1023811-1024817 | 1007 | 29I | Homología en la región 3’ |
| 29I-1030396r | 1029369-1030396 | 1028 | 29I | Homología en la región 3’ |
| 29I-1050859r | 1050303-1050859 | 557 | 29I |  |
| 29I-1053132d | 1053132-1053657 | 526 | 29I |  |
| 29I-1057052d | 1057052-1057633 | 582 | 29I |  |
| 29I-1059645d | 1059645-1060240 | 596 | 29I |  |
| 29J-1093452d | 1093452-1093990 | 539 | 29J |  |
| 29J-1123801d | 1123801-1124340 | 540 | 29J |  |
| 29J-1142329d | 1142329-1142883 | 555 | 29J |  |

>29A-16232r

AGGGGCGTCGCCTCAGCCCGGTGTCCAGGGTCTAGTAGCGCCCCACTCACTGTGGGAGAAAGCCAAGCAGCCGCTATCCTTGCCATATGCCGGACCAGTTCTGGTGGTCACAGGGCCGAGTGCCCACGACGTGGGGAAGTCAGATGCACCGCTGCTGATGTCGGCGGCCATGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGTGCGCCCCGCGACAGGGAACACAGGCTCACGCCATCCACACGATAGGCGAGGTGTCGACGTGACTGGAACGTATATGGCGGCCGGCCCCTCGCACTGCGTGCTGGTGTGTGACGCCTGAGTGCCACCGTGAGGGAGATGCACCAGGTGGGGACCGGCATAGTGGGGGTGGGTAGAGTTTATCTTTATGGAGCAGGGGCCGTGCTCTCCGATGACCAGGTCGGCGCATCGCTGTGGGGCGTGTGCACGGCTGCTTTGCAGCCGCGCGATGGGCCCGGTGACAGGCCGATGGGTCGCGCGGCGTTTGGCTTGATGCTCTGTGGCAGTGTACGGACACGTTGGCAAAAAAA

>29A-21838r

TCCTCCCTCCCCCTCCGTGAGGGGCGTCGCCTCAGCCCGGTGTCCAGGGTCTAGTAGCGCCCCACTCACTGTGGGAGAAAGCCAAGCAGCCGCTATCCTTGCCATATGCCGGACCAGTTCTGGTGGTCACAGGGCCGAGTGCCCACGACGTGGGGAAGTCAGATGCACCGCTGCTGATGTCGGCGGCCATGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGTGCGCCCCGCGACAGGGAACACAGGCTCACGCCATCCACACGATAGGCGAGGTGTCGACGTGACTGGAACGTATATGGCGGCCGGCCCCTCGCACTGCGTGCTGGTGTGTGACGCCTGAGTGCCACCGTGAGGGAGATGCACCAGGTGGGGACCGGCATAGTGGGGGTGGGTAGAGTTTATCTTTATGGAGCAGGGGCCGTGCTCTCCGATGACCAGGTCGGCGCATCGCTGTGGGGCGTGTGCACGGCTGCTTTGCAGCCGCGCGATGGGCCCGGTGACAGGCCGATGGGTCGCGCGGCGTTTGGCTTGATGCTCTGTGGCAGTGTACGGACACGTTGGAAAGAAAA

>29A-38732r

TCCTCCCTTCCCCTCCGTGAGGGGCGTCGCCTCAGCCCGGTGTCCAGGGTCTAGTAGCGCCCCACTCACTGTGGGAGAAAGCCAAGCAGCCGCTATCCTTGCCATATGCCGGACCAGTTCTGGTGGTCACAGGGCCGAGTGCCCACGACGTGGGGAAGTCAGATGCACCGCTGCTGATGTCGGCGGCCATGCCCTGGATGGCGCTGCGTCGGTGCGCCCCGCGACAGGGAACACAGGCTCACGCCATCCACACGATAGGCGAGGTGTCGACGTGACTGGAACGTATATGGCGGCCGGCCCCTCGCACTGCGTGCTGGTGTGTGACGCCTGAGTGCCACCGTGAGGGAGATGCACCAGGTGGGGACCGGCATAGTGGGGGTGGGTAGAGTTTATCTTTATGGAGCAGGGGCCGTGCTCTCCGATGACCAGGTCGGCGCATCGCTGTGGGGCGTGTGCACGGCTGCTTTGCAGCCGCGCGATGGGCCCGGTGACAGGCCGATGGGTCGCGCGGCGTTTGGCTTGATGCTCTGTGGCAGTGTACGGACACGTTGGAAAA

>29B-86538r

CGTTGTATGCCAATACTTGTTTTCCACGATCACGGAGGACGCCCCCGTGCGCGGTATCGCAGGGCCCAGTGCACCTCCCACTCTGTCTGCGGGGGGAGGGGGGGGCTGGGCAGCCCCTCCTCTATCCCCCCTCATCGCTGCCAACGCCGAACCACTTCTGGTGGTGACAGGGCCAGGCACCCACGACACGGTGTGGAGGACAGAGCGATGGATCGCTGCTGACGTCGGCGGCCCGGTCCTGGGTGGGGTGGCGTCGGAGCGCCCCGCGACCGTGAAGAGGTCTGTGCCACACCCACCTGATAGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAGCGTGTGTCCCACCCGGCCCCTCGCAGGGCCGACGGCTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCCACCCCGGGGGAGATGCACCCGGTGGCGACCGGCATAGTGGGATGGG

>29B-95920r

CGTTGTATGTCAATACTTGTTTTCCACGATCACGGAGGACGCCTCCGTGCGCGGTATCGCAGGGCCCAGTGCACCTCCTACTCTGTCTGCGGGGGGGGGCTGGGCAGCCCCTCCTCTATCCCCCCTCATCGCTGCCAACGCCGAACCACTTCTGGTGGTGACAGGGCCAGGCACCCACGACACGGTGTGGAGGACAGAGCGATGGATCGCTGCTGACGTCGGCGGCCCGGTCCTGGGTGGGGTGGCGTCGGAGCGCCCCGCGACTGTGAAGAGGTCTGTGCCACACCCACCTGATAGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAGCGTGTGTCCCACCCGGCCCCTCGCAGGGCCGACGGCTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCCACCCCGGGGGAGATGCACCCGGTGGCGACCGGCATAGTGGGGTGGGTAGAGTTTTTAGGCGCCGGGGCCGTGCTGTCCGATGAACGGGTCGGCGCATTGCTGTGCCGGCGTGTGTCTACGGCTGCTCTGCACCGCGCGATGGGCCCTGTGACAGGCCAGGGGAGGAGGTGGGGAGGGGGAGAGGAGTCACGCGGAGTTGGACCTCCTGCTGTGTGGCAGAGCGAATGGACACG

>29B-104344r

CCACGATCACGGAGGACGCCTCCGTGCGCGGTATCGCAGGGCCCAGTGCACCTCCCACTCTGTCTGCGGGGGGAGGGGGGGGGCTGGGCAGCCCCTCCTCTATCCCCCCTCATCGCTGCCAACGCCGAACCACTTCTGGTGGTGACAGGGCCAGGCACCCACGACACGGTGTGGAGGACAGAGCGATGAATCGCTGCTGACGTCGGCGGCCCGGTCCTGGGTGGGGTGGCGTCGGAGCGCCCCGCGACCGTGAAGAGGTCTGTGCCACACCCACCTGATAGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAGCGTGTGTCCCACCCGGCCCCTCGCAGGGCCGACGGCTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCCACCCCGGGGGAGATGCACCCGGTGGCGACCGGCATAGTGGGGTGGGTAGAGTTTTTAGGCGCCGGGGCCGTGCTGTCCGATGAACGGGTCGGCGCATTGCTGTGCCGGCGTGTGTCGACGGCTGCTCTGCACCGCGCGATGGGCCCTGTGACAGGCCAGGGGAGGAGGTGGGGAGGGGGAGAGGAGTCACGCGGAGTTGGACCTCCTGCTGTGTGGCAGGAGCGAATGGACACG

>29B-135740r

GGCAGCATGCCCGTTTCTCGTCGTTCGACAGTTGTCTCGCCCCCCTTGATGGTGGGAGGGGGAGACGGAGGACGCCGCCGTGAGCGGTATCGCAGGGCCCAGTGCACCTCCCACTCTGTCTGCGGGGGGGAGGGGGGGGCTGGGCAGCCCCTCCTCTATCCCCCCTCATCGCTGCCAACGCCGAACCACTTCTGGTGGTGACAGGGCCAGGCACCCACGACACGGTGTGGAGGACAGAGCGATGGATCGCTGCTGACGTCGGCGGCCCGGTCCTGGGTGGGGTGGCGTCGGAGCGCCCCGCGACCGTGAAGAGGTCTGTGCCACACCCACCTGATAGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAGCGTGTGTCCCACCCGGCCCCTCGCAGGGCCGACGGCTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCCACCCCGGGGGAGATGCACCCGGTGGCGACCGGCATAGTGGGGTGGGTAGAGTTTTTAGGCGCCGGGGCCGTGCTGTCCGATGAACGGGTCGGCGCATTGCTGTGCCGGCGTGTGTCGACGGCTGCTCTGCACCGCGCGATGGGCCCCGTGACAGACCGGGCGTAGAGTGGAGTCGAATTCCTGTTCTACGGCAGAGCAAATGGACACATCAATAAAGATGT

>29B-156643r

GGCAGCATGCCCGTTTCTCGTCGTTCGACAGTTGTCTCGCCCCCCTTGATGGTGGGAGGGGGAGACGGAGGACGCCGCCGTGAGCGGTATCGCAGGGCCCAGTGCACCTCCCACTCTGTCTGCGGGGGGAGGGGGGGCTGGGCAGCCCCTCCTCTATCCCCCCTCATCGCTGCCAACGCCGAACCACTTCTGGTGGTGACAGGGCCAGGCACCCACGACACGGTGTGGAGGACAGAGCGATGGATCGCTGCTGACGTCGGCGGCCCGGTCCTGGGTGGGGTGGCGTCGGAGCGCCCCGCGACCGTGAAGAGGTCTGTGCCACACCCACCTGATAGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAGCGTGTGTCCCACCCGGCCCCTCGCAGGGCCGACGGCTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCCACCCCGGGGGAGATGCACCCGGTGGCGACCGGCATAGTGGGGTGGGTAGAGTTTTTAGGCGCCGGGGCCGTGCTGTCCGATGAACGGGTCGGCGCATTGCTGTGCCGGCGTGTGTCGACGGCTGCTCTGCACCGCGCGATGGGCCCTGTGACAGACCGGGCGTAGAGTGGAGTCGAATTCCTGTTCTACGGCAGAGCGAATGGACGCATCAAGGAAGAGGT

>29C-270083r

TGACGTAGGGAGGTCAGAGCGATGTATCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGCCCTGCATGGCGCGGCGTCGAGGCAACTCGCGACATTGAATATATTGTATGCCATCCGCATGATAGGCAACGTGCCAACGTGACTCGAGCGTATCTCACCCGACCCTCGCACTGCCCACTGCTGGCGTGGGGAGCCTGCGCCACCCCGAGGGGGATGCACCAAATGACGCCCGGCATGATGGGAGCGGCGGCGGGTCGGCCTGCGAAGCCGGAGTGGGTAGAGCATGCGGCGGGGGCCGTACTCGCCGGTGACCGAGTCGGCGCATGGCTGTAACGCGTGTGTCTAGGGCCTCTTCGCACCACGCGATGGGGGCACTGTGGCAGGCCGTGGGGGGAGGGTCGAGCGGGGTTGAGCTCACGTTTGCATGGCAGAGAATGGACATGCTGAAAAGCTAAACGATCACTT

>29C-285400d

TGACGTAGGGAGGTCAGAGCGATGTATCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGCCCTGCATGGCGCGGCGTCGAGGCAACCCCCGACATTGAATATATTGTATGCCATCCGCATGATAGGCAACGTGCCAACGTGACTCGAGCGTATCTCACCCGACCCTCGCACTGCCCACTGCTGGCGTGGGGAGCCTGCGCCACCCCGAGGGGGATGCACCAAATGACGCCCGGCATGATGGGAGCGGCGGCGGGTCGGCCTGCGAAGCCGGAGTGGGTAGAGCATGCGGCGGGGGCCGTACTCGCCGGTGACCGAGTCGGCGCATGGCTGTAACGCGTGTGTCTAGGGCCTCTTCGCACCACGCGATGGGGGCACTGTGGCAGGCCGTGGGGGGAGGGTCGAGCGGGGTTGAGCTCACGTTTGCACGGCAGAGAATGGACATGCTGAAAAGCTGAACAATCGCTT

>29D-328982r

GCGTGTTGTCCAGGGTCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTCGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTGGAGTGTTGTCGAGCTCACGTTGTGGCGGAGAACGGACACGTTGA

>29D-334836r

GCGTGGTGTCCAGGGTCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTCGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTAGAGTGTTGTCGAGCTCACGT

>29D-336596r

GGGCGGGGGTCACCTAAGTGTGGTGTCTAGGGTCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTCGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTGGAGTGTTGTCGAGCTCACGTTGCGTGGCGGAGAACGGACG

>29D-345587d

AGGGGGGGGAGGGCACCTAAGCATGGTGTCCAGGGTCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTGGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTGGAGTGTTGTCGAGCTCACGTTGCGTGGCGGA

>29D-362716d

AGGGGTAGGGGGACACCTAAGTGTGGTGTCCAGGGTCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTCGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTGGAGTGTTGTCGAGCTCACGTTGTGGCGGAGAACGGACGCG

>29D-371555d

GGGACACCTAAGTGTGGTGTCCAGGGTCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTCGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTGGAGTGTTGTCGAGCTCACGTTGCGTGGCGGAGAACGGACG

>29D-383119d

TCCGTTACACCCCGCGTTGTGTGTGAGGAAGGCAAGCACCCCCTGTCCCCCTGCCAATGCCGAACAACCTCTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCAGCTGTGACGTAGGGGTGGACAGGGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGCCGGAGCGGCCTGCGGCAGTGAACGCACTTGCGCCATCCATCTGGTGGGCATGGTGTCGCCGCAGCTCGAGCGCATCCCCGCCCCGCGCCTCACACTGCCTGCTGGCGGGGGGAGCCTGAGCTACCCCGAGGGACGCACGAGGTGGGGACCGGCGCAATGTGAGCCGCTGTGAGGCGGCCTCCGCTTCGCAGGCCGGTAGTGTTTTGAGGCAGAGGCCATGCTCGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAGAGCGTGTGCACGACTGCTTTGCGCCACGCGATGGGGGCCTGCGACATGCCGGGTGGAGTGTTGTCGAGCTCACGTTGTGGCGGAGAACGGACACGTTGA

>29-453505d

ACCTCCGTGCATGGCATCTCAGGGCTCAAGAGCCCCCCCCTCCACACACACACACACACTGCGTGGGAGGGAGCCAGGCAGCCCCTCCCCTCTCTCCCTGCCAAATGCCAAAACACTTCTTGTGGTGACGGGGCCAGGTGCCTACGACGTGGGAATGCCAGAGCAATGCGTCCCTGGCGATGTCGGCGGTCATGTCCTGGACGGCGTTCTGCGTTGGAGCGACCTGCAACAGAGCACGCGTTTGTGCCGTCCATGTGACAGGCAAAGTGCCGACTTGAGTGTAGCTGATCCCCGGCCCTCACACTGCTCACAGAAGCGAGGAATTCCTGAGCCACCGCCAGGGGGGGAGGACGCTCCAGGGGTGGCGAACGACATGAGGGGAGCGGCTATGAGGCGACCTGCGGAGCGCGAGATGGATGGGTAGGGTTTTGAGCAGAGACTGTGCTCAGATGACTGAGTCGGCACATTCCTTTAGCGCGTGTGCCCCCGACCACTTTGCACGACGCGATGGGGACCTGTGACATGCCGGGGGTCGAGTGTCGTTGAGCTCACGTTGTATGGCGGAGAATGAAGGCGTCGA

>29-513987d

GCCTCAGCGCATGGTATCGTGGGGTGCCGTACTCCCACGTTCTGCGGGGAGGCTAAGCAAGCCCCCCTCCCCTCATCCCTTGCCGAATGCCGATCCGCCTCTGGTGTTGACAAGATCAAGGGCCATGCATCATGGAGAGGTGAGAGCGATGTGCCGCTACTGACGTCGGCGGCCAGGTCGTGGATGGCGCTGCGTCGGTGCAACCTGCGGCAGTGGACAGACTTGTGCCGCTTATAGGATTGCCAGAGTGGAGTTCAAGCCTTGTATTGTG

>29-531549d

TGTCCCTGATGACGGAAGGCACCGCAGTGCGTGGTATCGCAGGCTCCCGTGTCCCCCCACCCCACACCCTGTGTGGGGCGGAAGCCAAGCATCCCTCCCTCTCCTATCCCTCCCAATGCCGGGCGGCTTCTGGTGGTGCCATTGACAAGTGCCGACGACGTAGTGGGGGAGACCAGAGCGATGCATCGCCACTGATGTCGGCCTTGTGGTCCTGGATGGCGTTGTGCGTCGAAGCACCTGCGACAAGGGACACGCCTGTGTCATTAACGGGATGGTCAAGGTGTCCACGGGACTCGAGGGCATCGCACCCGACCCCCTCGCTGCCTACCTGTGCGTGGTGCCTGAGTTCCACCCCCCCAGCGGGGATGCGCCGGGAGTGGTGACCGGCACGATGGGGGAGCGGCTTTGTGGCGACCCGCGAGGCCGCGGGTGGGTGGGTGGAGTTGGAGGGCAGAGGTCGTGCTCTCCGATGGCTCAGTGGGAGCCTTGTGCTGAAACGCGTGTGTTCACGGCTGCTTCGCACCGGGCGGTGGGGTCCTGTGACAGTTCAGGTAGAGTGAAGCTCAAGACATGCGCTATGTCAGAATGGATACGCTGAAAAA

>29E-658885d

TGACGGGGGGGGTGGAGGGGGCGGGACACACCCCTCAGCGCGTGGTATCCCAGCGTCCCGTGCCCCCACTCTGTGTGTGGGGAAGCTAAGCAAGCCCCCTCATCCCTGCCGCATGCTGAACCGCTTCCGGTGGTGAAATGGTAAGGCACCTACGACGAGGGGGGGGGAGCAGGTCAGAGCGATGCATCGCTGCGGACGTTAGCGGTCAGCTCCTGGGTCTCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGAATATGTTTGCGCCATCGGTGCATTAGGCAGAGTGTCGGCGTGGCTTGAGCGTGTGTCTCGCCCGGCCCTCACTGCCCTTGCTGGTGAAGGGAGCCGGAGCCACCCCGAGGAGGGGATGCGCCAGGGGGGCGGCCAGCACGGTGGAGGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGAGGTGGGTGGGCGGCCAGCGTTAGAGGCAGGGGGCCGCGCTGAGGTGGCGGAGTCGGCGCATTGCCGTAACGCGCGTGTCGGCTGCCGCTTC

>29E-674727r

GGGCGAGACACACCCCTCAGCGCGTGGTATCCCAGCGTCCCGTGCCCCCACTCTGTGTGTGGGGAAGCTAAGCAAGCCCCCTCATCCCTGCCGCATGCTGAACCGCTTCCGGTGGTGAAATGGTAAGGCACCTACGACGAGGGGGGGGAGCAGGTCAGAGCGATGCATCGCTGCGGACGTTAGCGGTCAGCTCCTGGGTCTCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGAATATGTTTGCGCCATCGGTGCATTAGGCAGAGTGTCGGCGTGGCTTGAGCGTGTGTCTCGCCCGGCCCTCACTGCCCTTGCTGGTGAAGGGAGCCGGAGCCACCCCGAGGAGGGGATGCGCCAGGGGGGCGGCCAGCACGGTGGAGGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGAGGTGGGTGGGCGGCCAGCGTTAGAGGCAGGGGGCCGCGCTGAGGTGGCGGAGTCGGCGCATTGCCGTAACGCGCGTGTCGGCTGCCGCTTCGCGCTGCTCTCATGACGGGGTGGGGTGGGGAGAGGGGCATTGGGCTCATGCTGTACAGCGGAGAGTGGGCTCACACTGATGGCAAAGAA

>29E-681203r

TGACGGGGGTGGAGGGGGCGGGACACACCCCTCAGCGCGTGGTATCCCAGCGTCCCGTGCCCCCACTCTGTGTGTGGGGAAGCTAAGCAAGCCCCCTCATCCCTGCCGCATGCTGAACCGCTTCCGGTGGTGAAATGGTAAGGCACCTACGACGAGGGGGGGGAGCAGGTCAGAGCGATGCATCGCTGCGGACGTTAGCGGTCAGCTCCTGGGTCTCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGAATATGTTTGCGCCATCGGTGCATTAGGCAGAGTGTCGGCGTGGCTTGAGCGTGTGTCTCGCCCGGCCCTCACTGCCCTTGCTGGTGAAGGGAGCCGGAGCCACCCCGAGGAGGGGATGCGCCAGGGGGGCGGCCAGCACGGTGGAGGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGAGGTGGGTGGGCGGCCAGCGTTAGAGGCAGGGGGCCGCGCTGAGGTGGCGGAGTCGGCGCATTGCCGTAACGCGCGTGTCGGCTGCCGCTTCGCGCTGCTCTCATGACGGGGTGGGGTGGGGAGAGGGGCATTGGGCTCATGCTGTACAGCGGAGAGTGGGCTCACACTGATGGCAAAGAA

>29E-698799r

CCTATCCCTGCCGCATGCCGAACCACTTGCGGTGGTGACAGGTGCAAGCAGCTACAAAGACGCTGGGCACGTCTGTACCATTCATATGATTTGCAGAGTGCCAGGGTGGCTTGAGCGTGTGTCTCGCCCGGCCCTCACTGCCCTTGCTGGTGAAGGGAGCCGGACCCACTCCGAGGAGGGGATGCCCCCCGGGGGCGGCCAGCGCAGTGGAGGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGAGGCGGGTGGGCGGCCAGCGTTAGAGGCAGGGGGCCGCGCTGAGGTGGCGGAGTCGGCGCATTGCCGTAACGCGTGCGGCCTACGGCCGCTTCGCACCAGGCGGATGGGGCCTGTGACAGACCGTCTCCAGCGTAGACTGCATGCCGTGTGTGGGAGAGCGGGCACCTTGGAAGGGAAAATAA

>29E-721782r

CCTATCCCTGCCGCATGCCGAACCACTTGCGGTGGTGACAGGTGCAAGCAGCTACAAAGACGCTGGGCACGTCTGTACCATTCATATGATTTGCAGAGTGCCAGGGTGGCTTGAGCGTGTGTCTCGCCCGGCCCTCACTGCCCTTGCTGGTGAAGGGAGCCGGACCCACTCCGAGGAGGGGATGCCCCCCGGGGGCGGCCAGCGCAGTGGAGGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGAGGCGGGTGGGCGGCCAGCGTTAGAGGCAGGGGGCCGCGCTGAGGTGGCGGAGTCGGCGCATTGCCGTAACGCGTGCGGCCTACGGCCGCTTCGCACCAGGCGGATGGGGCCTGTGACAGACCGTCTCCAGCGTAGACTGCATGCCGTGTGTGGGAGAGCGGGCACCTTGGAAGGGAAAAGAA

>29-769165r

TCTTTCTAGCATGTGCAACGCGAGTTACCCTGATGACCGGAGGTCACCTCGGTGAGTGGTATCTCAGGGTCCCGTACGCTTCCTCTGTCTGTGGGGAAGCTAAGCAAGCCCCCTCTCCTCCCACCCCTATCCCTGCTAATGCCGAATGAATTCTAGTGGTGACAGGGTCAAGCACCTACGACCTATGGAGGTTCGAGAAATGCATCGCCACTGATGCTGGCGGTCATTCCCTGGACAGCGCTGCCTTGGATCGACCTGCAACACTGAACACGTGTGCACTGCCCATATGCTGGTCACAGGGTCAGCGTGACTTGAACGCATCCCACACCCGTGCCCTCACTGCCTGCCGGTGGGTGAGCCTGAGCGCCACAGCGAGGGGGATGCATCAGGTGGCGACCGGCATCACGGGGGAGCGACCGTGAAGCGAGCTGCGAGGCGGGTGGTGGGTAAAGTTTTGAGGAAGCGACTGCGCTGGAATGAATGGCTCGGCGCATTTCTCTAGCGCGTGTCTCACACTGCTTTGTACCACGCGATGGGGCGTGCGGCATGCCTGGGGGAGGGGGCTGGAGTGGAGAGTGGTAACT

>29-827250d

CAGGGCCCCGGTATCCAGTGTGCGCTGGTCAGGGACGCCAAGCAACCCCCCTATCGCTGCCAAGGGCGAACTCAACTCGGGTGATGACAGGGCCAAGCATCTACAACGTAGCAGTGGCCACTGCAAGGCATCGCTACACATATCTGCTGCCAGGCCCTTAATGGTGTGGCGTCGGCGCGACGTGCGGAACCTGCGGACGTTTGCACCATCCATATAATAGGCGAATTGCCTGCGTGGCTCGAACGTATCTCGCCTGGCCCTCCCTGCCTGCTGGTGGGCGATCACTGGGTGCTGTGGGGCGGGGGGGGCGCCAGGCGCCGGCCGGCGTGGTGGGGTCGGCTCTGCGGTGGGTGGGCGGGGTTCGGGGCGGGGCGCGTGTCCCGACGGTTGGGGCTTTCGCGTTGCCGCGACGCGTTTATC

>29F-834894r

TTCTTTTCCTCGTGTGCTACTCGTGACACTCGATCACGGGAGGGCACACACCTCTCCGTGCGTGGCATCTCAGGGTCCGGCGCCCCCACTCTTCAGGGGTGCCAGGCAGTCCACCTCCTCCCACCCCCCTATCCCCGGCCGATGCCGAGCCACCTCTGGTGACGGACAGGGTCAAGCACCTGCTACGTTGCGGGGTGGAGGGAGGCCAGGTCGTATATGGCACTGCGTCGGAGAGGCCTGCGGCCGTGCACACGCTTCTGCCGTCCATGTAACGGGCAGAGAGTCAGCACGACTCGAGCGTATCCCACCCGGGCCCTCACACTGCCTCCTGGTGTGTATAGTCTGAGTGCCACCCCGAGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCATGATGGGAGCCGGCTGTGTGGCGACCTGCTGAGCAGTGGTGGGCAGAGCTTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGATGGCTGGAGTCGGCACATTGCTGCAACGCGTGTGTCCACGGCTGTGTCGCACCACGCGATGGGGCCTATATGGCAGGCTAGGGAGTTTGTGTTGAGCATACTAACCTCGTGGTGTGGGGCCGAGAA

>29F-837030d

TTCTTTTCCTCGCGTGCTACTCGTGACACTCGATCACGGGAGGGCACACACCTCTCCGTGCGTGGCATCTCAGGGTCCGGCGCCCCCACTCTTCAGGGGTGCCAGGCAGTCCACCTCCTCCCACCCCCCTATCCCCGGCCGATGCCGAGCCACCTCTGGTGACGGACAGGGTCAAGCACCTGCTACGTTGCGGGGTGGAGGGAGGCCAGGTCGTATATGGCACTGCGTCGGAGAGGCCTGCGGCCGTGCACACGCTTCTGCCGTCCATGTAACGGGCAGAGAGTCAGCACGACTCGAGCGTATCCCACCCGGGCCCTCACACTGCCTCCTGGTGTGTATAGTCTGAGTGCCACCTCGAGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCATGATGGGAGCCGGCTGTGTGGCGACCTGCTGAGCAGTGGTGGGCAGAGCTTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGATGGCTGGAGTCGGCACATTGCTGCAACGCGTGTGTCAACGGCTGTGTCGCACCACGCGATGGGGCCTATATGGCAGGGCGGGGTGGTTG

>29F-857840r

GCGTGGCATCTCAGGGTCCGGCGCCCCCACTCTTCAGGGGTGCCAGGCAGTCCACCTCCTCCCACCCCCCTATCCCCGGCCGATGCCGAGCCACCTCTGGTGACGGACAGGGTCAAGCACCTGCTACGTTGCGGGGTGGAGGGAGGCCAGGTCGTATATGGCACTGCGTCGGAGAGGCCTGCGGCCGTGCACACGCTTCTGCCGTCCATGTAACGGGCAGAGAGTCAGCACGACTCGAGCGTATCCCACCCGGGCCCTCACACTGCCTCCTGGTGTGTATAGTCTGAGTGCCACCCCGAGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCATGATGGGAGCCGGCTGTGTGGCGACCTGCTGAGCAGTGGTGGGCAGAGCTTGAGGCAGGGGCCGTGCTCAGATGGCTGGAGTCGGCACATTGCTGCAACGCGTGTGTCCACAGCTGTGTCGCACCACGCGATGGGGCCTATATGGCAGGCTAGGGAGTTTGTGTTGAGCATACTAACCTCGTGGTGTGCGGCCGAGAA

>29G-899717r

GGGGCGGACACCCCTCTCCGCGCGTGGCATCGCAGGGCGCAGTGCACCCCTCTCCCCCTCCCCACGCTCTGTGTGGGGGAAGCTATGCAGCCCCCACCCCCTATCCCTGCCAACGCCGAGCCACTTCAGGTGGTGAAAACTTCACGCACCTCGGACATGGCGGAGGGCGGGAGGGTCAGAGCGATGTACCGCCACGCATGCCGGCGGTCAGACTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCACGCGATAGGCGACGTGTCCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCCCGCACTGCCTGCTGGTGGAGGCACAGTCTGCGCGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAATGGGTGGCGCGGCTGCGAGGCGACCGGCTAAGCGGCGGTGATGGGTGGAGCCTGGCGCAGGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTCTCTAGCGCGTGTGTCCACGGCTGCTTCGCACCACGCGGTGGGGTCTGTGGCAGGCTGGGGGCGGGTGGAGTGGCGTGCAACTCATGTTGTATGGCAGAGAGGGTGGA

>29G-926082r

ACACCCCTCTTCGCGCGTGGCATCGCAGGGCGCAGTACACCCCTCCCCCTCCCCACGCTCTGTGTGGGGGAAGCTATGCAGCCCCCACCCCCTATCCCTGCCAACGCCGAGCCACTTCAGGTGGTGAAAACTTCACGCACCTCGGACATGGCGGAGGGCGGGAGGGTCAGAGCGATGTACCGCCACGCATGCCGGCGGTCAGACTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCACGTGATAGGCGGCGTATCCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCTCGCACTGCCTGCTGGTGGAGGCACAGCCTGCGCGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAATGGGTGGCGCGGCTGCGAGGCGACCGGCTAAGCGGCGGTGATGGGTGGAGCCTGGCGCAGGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTCTCTAGCGCGTGTGTCCACGGCTGCTTCGCACCACGCGGTGGGGTCTGTGGCAGGCCGGGGGCGGGTGGAGTGGCGTGCAACTCATGTTGTATGGCAGAGAGGGTGGA

>29G-930834r

GGTGGACACCCCTCTCCGCGCGTGGCATCGCAGGGTGCAGTACACCCCTCCCCCTCCCCACGCTCTGTGTGGGGGAAGCTATGCAGCCCCCACCCCCTATCCCTGCCAACGCCGAGCCACTTCAGGTGGTGAAAACTTCACGCACCTCGGACATGGCGGAGGGCGGGAGGGTCAGAGCGATGTACCGCCACGCATGCCGGCGGTCAGACTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCACGTGATAGGTGACGTGTGCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCTCGCACTGCCTGCTGGTGGAGGCACAGCCTGCGCGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAATGGGTGGCGCGGCTGCGAGGCGACCGGCTAAGCGGCGGTGATGGGTGGAGCCTGGCGCAGGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTCTCTAGCGCGTGTGTCCACGGCTGCTTCGCACCACGCGGTGGGGTCTGTGGCAGGCCGGGGGCGGGTGGAGTGGCGTGCAACTCATGTTGTATGGCAGAGAGTGTGGA

>29G-947105d

GAGCGGGGAGGACACCCCTCTCCGCGCGTGGCATCGCAGGGCGCAGTACACCCCTCTCCCCCTCCCCACGCTCTGTGTGGGGGAAGCTATGCAGCCCCCACCCCCTATCACTGCCAACGCCGAGCCACTTCAGGTGGTGAAAACTTCACGCACCTCGGACATGGCGGAGGGCGGGAGGGTCAGAGCGATGTACCGCCACGCATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCACGCGATAGGCGACGTGTCCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCTCGCACTGCCTGCTGGTGGAGGCACAGCCTGCGCGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAATGGGTGGCGCGGCTGCGAGGCGACCGGCTAAGCGGCGGTGATGGGTGGAGCCTGGCGCAGGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTCTCTAGCGCGTGTGTCCACGGCTGCTTCGCACCGCGCGGTGGGGTCTGTGGCAGGCCGGGGGCGGGTGGA

>29G-953589r

TCAGACCGCTTCACCACTATGCATGTCGGCGGCCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCACGTGATAGGCGACGTGTCCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCTCGCACTGCCTGCTGGTGTGGGGAGCCTGAGTGCCACCCCGAAGGATGCCCCGGACAGGGACCGGCACAATGGGTGGCGCGGCTGCGAGGCGACCGGCTAAGCGGCGGTGATGGGTGGAGCCTGGCGCAGGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTCTCTAGCGCGTGTGTCCACGGCTGCTTCGCACCACGCGGTGGGGTCTGTGGCAGGCCGGGGGCGGGTGGA

>29G-970885d

GAGCGGGGAGGACACCCCTCTCCGCGCGTGGCATCGCAGGGCGCAGTACACCCCTCTCCCCCTCCCCACGCTCTGTGTGGGGGAAGCTATGCAGCCCCCACCCCCTATCCCTGCCAACGCCGAGCCACTTCAGGTGGTGAAAACTTCACGCACCTCGGACATGGCGGAGGGCGGGAGGGTCAGAGCGATGTACCGCTACGCATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCACGCGATAGGCGACGTGTCCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCCCGCACTGCCTGCTGGTGGAGGCACAGCCTGCGCGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTCGCGACCAGCACAATGGGTGGCGCGGCTGTGCGGCGGAAGGGGGAGAGTAGA

>29H-988034r

ACACCTCTCAGTGCGTGGTATCTCAGGAGTCAGTACACCCAACTCTGTGTGGGGAAGCTAAGCAGCCTTCCCCCCTCCTCCTACCCCCGCCAATGCCGAACCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTGCGATGTGGGAAGGCGAGGCCGATTCAGCGCTACTGACGTCGATGGTCAGGTCCTGGTTGGCGTGGCGTTGGAGCGACCTGCGTCGATGAACTCGTCTGTGCCATCCATGTGATGCGCGAAGTGCCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCACACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCCGGGCCACGTTGAAAGATGCACTGGGCGGCGACCCGCGATGCGGATGGATAGGCAGGGTTCGAGGCAGGGGCCGCGCTCAGCCGACTGAGTCGGCGCATGGCTGTAACGCGCGTGTGTCTAGCGCTGCTTTGCACCACGCGGATGTGGCCTGCGGCAGTGCCAGTGGGTTGGCGTGCAGCTCATCTCACACGGCCAAAAGGGTGGTCACGTTAAAGGAATAG

>29G-991520r

GACACCCCCTCTCCCGTGCGTGGCATCGCAGGGCGCAGTACACCCCTCCCCCTCCCCACGCTCTGTGTGGGGGAAGCTATGCAGCCCCCACCCCCCTATCCCTGCCAACGCCGAGCCACTTCAGGTGGTGAAAACTTCACGCACCTCGGACATGGCGGAGGGCGGGAGGGTCAGAGCGATGTACCGCCACGCATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGCGATAGGCGACGTGTCCGCGTGACTCGAACGTATCCCACACGGCCCCCGCACTGCCTGCTGGTGGAGGCACAGCCTGCGCGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAATGGGTGGCGCGGCTGTGCGGCGGAAGGGGGAGAGTAGA

>29H-994990r

ACACCCCTCTGTGCGCGGTACCGCAGGGTCCAGTGCACCCCCCACTCTGAGTGGAGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGTCGACGAGGCGGCAGAGAGACTTGCCACAGCGAATACTCTTGTGATATCCGTGTGATGGGCGAAGTGCCAGCGCGACTCGTACGTATCCCATCCCCGTGGGTCACACCCTCTGGTGTGGGGAGCTTGAGTGCCACCCGGAGGCGGATGCCCCAGATGGGGACCGGCACAATGGGTGGCGCGGCTGTGAGGCGGACCTGCGGTGCGGGTGGATGGGCAGGGTTCGAGGCAGGGGCCGCGCTCAGCCGACTGAGTCGGCGCATGGCTGTAACGCGCGTGTGTCTAGCGCTGCTTTGCACCACGCGGATGTGGCCTGCGGCAGTGCCAGTGGGTTGGCGTGCAGCTCATCTCACACGGCCGAAAGGGTGGTCACGTTAGCGGAACAG

>29I-1013027r

GTGCGCGGTACCGCAGGGTCCAGTACACCCCCCACTCTGCGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAACACGTGTGTCTAGCGCTGCCTCGCCCCACGCGGATGGGGCCTGTGACAGGCCCTGAGGTGAGCTGAGTGGGGTTTCACTCTTG

>29-1018574r

CCCTGATGGCGGGGGGACACCTCAGCGTGGTATCAGGGTCCAGTACCCACTCTGTGTGGGGAAGCCAAGCAGCCCCCCTATCCCGGTCAATGCATAACCACTTCCGGTGGTGGCAGGACCATGTACCTGCGACGTGGGGGGGGAGATTAGGGCGATGCATCGCTGCTAATGTCGCCTTTGTGGTCCTGGGCGACTTTGCGTCGGAGCCACCCGCGACAGTGACCACGCTTGTACTACTCACATGATAGGCGACGTGCCCGCATGACGGGAGCGTATCTCACGCGGGCCTCACTGCCTGATGGCGGAGGTAGCCTGCGCGACCGCGCGGAGGATGCACCAGGTGACGATCTGCATGATGGGAGCTACTGTGCGGCGATCTTCGGTGCAGGGCGAATAGTATTCGTTGCAGGGATGACTGGGTCTGCATTCCTGTAACGCGAGTGTCTACCGCTGCATTGCACCACACGATGGGGCCTGCGGCAGGCCGTGGGGCGGGTTGAGTGGAATTTCACTCATGTTGTACGGCAGAGAGAGAGATGGACACGCTG

>29I-1024817r

TGCGTACTTTGTTAGCGAAACAAACAACATAGAAAGTGCCGGTCGTGGCGGTGATGCCTATCCATGGCCTCCCCCGTGTCCCGACCCCGACTCCCTTTCTCTCTTTTCGTACGCCTTTTCGTTGCGTTTCCCTTTTCCTCCTGCACACGTTCGAACGTTCTCTATCTGTTTTTGTCGTTTGCTGTTTTACCCCTTCTCACCTCGCTTCCTTTCCTCTATTCTCCTCCCCCTCTCACCTGATTTCGCAACCCGATGTTTTCTCTTGCCTGCTCTCTCGCTTCGCATACCATTGCCCTAAAGGGCTTTTCGTCTTTTCTCTCTCGATGACTCACGCACCCGCACGTCCTACAGGCACCCATCGCCTGCTGCTGCAAGTGTCTGCGTACTGCGTTCCTCTTTGTTGTTCTCTTTCTCCTCTCTCCACCCGGTGACGCGGAGAGGGGACACACCTCCGTGAGCGGTACCGCAGGGGCCAGTACACCCCCTCCCCCCACTCTGCGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTCGCGACCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGTATTGCTGTAACACGTGTGTCTAGCGCTGCCTCGCCCCACGCGGATGGGGCCTGTGACAGGCCCTGAGGTGAGGTGAGTGGTGTTTCACTCATGCTGTGCGGCAGAGA

>29I-1030396r

TGCGTACTTTGTTAGCGAAACAAACAACATAGAAAGTGCCGGTCGTGGCGGTGATGCCTATCCATGGCCTCCCCCGTGTCCCGACCCCGACTCCCTTTCTCTCTTTTCGTACGCCTTTTCGTTGCGTTTCCCTTTTCCTCCTGCACACGTTCGAACGTTCTCTATCTGTTTTTGTCGTTTGCTGTTTTACCCCTTCTCACCTCGCTTCCTTTCCTCTATTCTCCTCCCCCTCTCACCTGATTTCGCAACCCGATGTTTTCTCTTGCCTGCTCTCTCGCTTCGCATACCATTGCCCTAAAGGGCTTTTCGTCTTTTCTCTCTCGATGACTCACGCACCCGCACGTCCTACAGGCACCCATCGCCTGCTGCTGCAAGTGTCTGCGTACTGCGTTCCTCTTTGTTGTTCTCTTTCTCCTCTCTCCACCCGGTGACGCGGAGAGGGGACACACCTCCGTGAGCGGTACCGCAGGGGCCAGTACACCCCCTCCCCCCACTCTGCGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGGCCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAACACGTGTGTCTAGCGCTGCCTCGCCCCACGCGGATGGGGTTCGCGGCAGGCCCGGTGGGTATAGCGGAGTTTGGATTCATGTTGTACGGCAGAGAATGGTTGAGAAGTTGAGAAA

>29I-1050859r

CACACCTCCGTGAGCGGTACCGCAGGGGCCAGTACACCCCCTCCCCCCACTCTGCGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTCGCGACCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAACACGTGTGCCTAGCGCTGCCTCGCCCCACGCGGATGGGGTTCGCGGCAGGCCCGGTGGGTAGAGCGGAGTTTGGATTCATGTTCTATGGCA

>29I-1053132d

CCCTGCTGACAGGAGGATATCTCATTGCTTGGTATCTTTGGGTCCAGTACACCCCCTCCCCCCACTCTGCGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAACACGTGTGCCTAGCGCTGCCTCGCACCACGCGGATGGGGCCTG

>29I-1057052d

CACACCTGTGTGCGCGGTACCGCAGGGTCCAGTACACCCCCTCCCCCCACTCTGAGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGTCGGCGGTCAGGTCCTGGTCGACGTGACGGCAGAGAGACTTGCCACAGCGAATACTCTTGTGCTATCCGTGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAACACGTGTGCCTAGCGCTGCCTCGCCCCACGCGGATGGGGTTCGCGGCAGGCCCGGTGGGTAGAGCGGAGTTTGGATTCATGCTGTACGGCAGAGAATGGTGGACACGTTGCGGAA

>29I-1059645d

CCCCGATGACAGGAGGATATCTCATTGCTTGGTATCTTTGGGTCCAGTACACCCCCTCCCCCCACTCTGCGTGGGGAAGCCAAGCAGCCTCTCCCTATCCCCTGCCAATGCCGAGCCACCTCTGGTGGTGACAGGGCCAAGTGCCTACGACGTGAGGGGGAGGCCAGAGTGGTTTGCCGCTACGGATGCCGGCGGTCAGGCTGTGGACATTGTTGCGCTGGAGAGGCCAGCGACGGTGCGCACGCTTCTGCCATCCATGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGCGACTCGTACGTATCCCACCCCCGGGCCTCGCACTGCCCCACTGGTGTGGGGCGCCGGAGTGCGGGACCGCGAGGAGATGCACTGGGTGGCGACCAGCACAAGGGTAGCTGCTGTGAGGCGACCTGCGATGCGGGGAGGGGGGGCGAGTAGAGTTTTGCGTAGGGGCGGTGCTGGGATGACGGAGTCGGCGCATTGCTGTAACACGTGTGCCTAGCGCTGCCTCGCCCCACGCGGATGGGGTTCGCGGCAGGCCCGGTGGGTAGAGCGGAGTTTGGATTCATGTTCTATGGCAGAGAATGGTGGACACGTTGCGGAA

>29J-1093452d

TTTTTCGGCCGCCTGTGAGTACCCCGCCAGCCCCGCTCACGGGAGGACTTCTCGGTGCGTCGCATGCTCAGGGCCCAGCACCCTCCCCCTTCTATTTCCTGCCAATGCGGAACCACTTGTGGTGGTGACATGGCCCGGGCACCCAAGCCGGAGGGAGGTCAGAGCGATTCATAGCAACTGATATCGGCGGTCAGGTCCTGGGTGGCGCTGCGTGAGAGCGAGCGGCGACGGTGAGCACACGCTTGCACTATACCGATGAAGGGCAGAGCATCGGGGTGACGCGAACGCATGCCACCCGACCCTCACGCTGCCTGCTGATGTGGGGACCGGCGCGACGCCGAGAGGGACGCAGCAAGTGGCGACCGGCGTCGTGAGAGCTGCTGTGAGGCGACCTGAGGGGTGGGGGCGCGGTGGGACGGGCGGGTGGGTGGCGTTTGAGGCCGAGGCCGTGCTGAGATGACTGGGTCGGCGCATTGCTGTAACACGCGTGTGCCGACGGCTGCTTTTGCACCACGCGGATGGGGCCTGTGGTAGGCCGG

>29J-1123801d

TGAGTACCCCGCCAGCCCCGCTCACGGGAGGACTTCTCGGTGCGTCGCATGCTCAGGGCCCAGCACCCTCCCCCTTCTATTTCCTGCCAATGCGGAACCACTTGTGGTGGTGACATGGCCCGGGCACCCAAGCCGGAGGGAGGTCAGAGCGATTCATAGCAACTGATATCGGCGGTCAGGTCCTGGGTGGCGCTGCGTGAGAGCGAGCGGCGACGGTGAGCACACGCTTGCACTATACCGATGAAGGGCAGAGCATCGGGGTGACGCGAACGCATGCCACCCGACCCTCACGCTGCCTGCTGATGTGGGGACCGGCGCGACGCCGAGAGGGACGCAGCAAGTGGCGACCGGCGTCGTGAGAGCTGCTGTGAGGCGACCTGAGGGGTGGGGGCGCGGTGGGACGGGCGGGTGGGTGGCGTTTGAGGCCGAGGCCGTGCTGAGATGACTGGGTCGGCGCATTGCTGTAACACGCGTGTGCCGACGGCTGCTTTTGCACCACGCGGATGGGGCCTGCGACAGGCTGGGGGCGGAGTTGAAGGG

>29J-1142329d

TTGTTCGGCCGCCTGTGAGTACCCCGCCAGCCCCGCTCACGGGAGGACTTCTCGGTGCGTCGCATGCTCAGGGCCCAGCACCCTCCCCCTTCTATTTCCTGCCAATGCGGAACCACTTGTGGTGGTGACATGGCCCGGGCACCCAAGCCGGAGGGAGGTCAGAGCGATTCATAGCAACTGATATCGGCGGTCAGGTCCTGGGTGGCGCTGCGTGAGAGCGAGCGGCGACGGTGAGCACACGCTTGCACTATACCGATGAAGGGCAGAGCATCGGGGTGACGCGAACGCATGCCACCCGACCCTCACGCTGCCTGCTGATGTGGGGACCGGCGCGACGCCGAGAGGGACGCAGCAAGTGGCGACCGGCGTCGTGAGAGCTGCTGTGAGGCGACCTGAGGGGTGGGGGCGCGGTGGGACGGGCGGGTGGGTGGCGTTTGAGGCCGAGGCCGTGCTGAGATGACTGGGTCGGCGCATTGCTGTAACACGCGTGTGCCGACGGCTGCTTTTGCACCACGCGGATGGGGCCTGCGACAGGCTGAGGGTGGAGTTGAATGG