**SIDER2s en Chr6 de *L. infantum***.

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 6A-8987d | 8986-9550 | 565 pb | 6A |  |
| 6A-22189r | 21625-22189 | 565 pb | 6A |  |
| 6B-137877d | 137877-138375 | 499 pb | 6B | Truncado en 3’ |
| 6B-180315d | 180315-180942 | 628 pb | 6B |  |
| 6B-189883d | 189883-190470 | 588 pb | 6B |  |
| 6B-218084d | 218084-218692 | 609 pb | 6B |  |
| 6B-246729d | 246729-247359 | 631 pb | 6B |  |
| 6-292261r | 291895-292261 | 367 pb |  | Huérfano |
| 6C-451046d | 451046-451505 | 460 pb | 6C |  |
| 6C-455785d | 455785-456336 | 552 pb | 6C |  |
| 6C-461271d | 461271-461792 | 522 pb | 6C |  |
| 6C-467907d | 467907-468300 | 394 pb | 6C |  |
| 6C-492436d | 492436-492897 | 462 pb | 6C |  |
| 6C-501040r | 500575-501040 | 466 pb | 6C |  |
| 6-511666r | 511239-511666 | 428 pb |  | Huérfano |
| 6C-513440r | 513116-513440 | 325 pb | 6C | Truncado en 5’ |
| 6-518081d | 518081-518520 | 440 pb |  | Huérfano |

>6A-8987d

TGACGACGTGGGGACACCTCAGCGCGTGGTGTCTCAGTGTCTTGTGATGCCACGCTCTGTGTGGAGAGAAGCCGGAGCAGCCCCTCCTCTTCTTATCCCCTGCTAGTGCCGAGCTACCTGTGGTGGTGACAGGGTCAAGTGCCTACAACGGAGGGTGCGATCAGAGCGATGTATCGCTGCTGATGTCGGCGATCAGACCGTGGATGGCGCTGCGCGAGAGCGACCTGCGACAGTAAACGCGTCTGCACCAGCCGTAGATTAGGCGGAATGCCAACGTGGCGCGAACGTCTCACACCCGGCCCTCTCGCACTGCCCGCTGGTGTGGGGAGCCTGGGCCGCCGTGAGGGGGACGCACCAGGGGTGGCGACCGGCGTGATGTGGGAGCGGCTGTGGGGCGACCTGCGGAGCGGGTGGTGGGTAGAGTGTGCTGCCCAGGCCCTGCTCCAGTAGCGGAGTCGGCGCATGGCTGTAAAACACGCATCTAGGGCTGCTTGGCAGCGCACGATGGGGCCAGTGGCAGGCTGAGGGGGGAGGGGGTCGCGTGGGGTTGAGTTCGTGTTCTATG

>6A-22189r

TGACGACGTGGGGACACCTCAGCGCGTGGTGTCTCAGTGTCTTGTGATGCCACGCTCTGTGTGGAGAGAAGCCGGAGCAGCCCCTCCTCTTCTTATCCCCTGCTAGTGCCGAGCTACCTGTGGTGGTGACAGGGTCAAGTGCCTACAACGGAGGGTGCGATCAGAGCGATGTATCGCTGCTGATGTCGGCGATCAGACCGTGGATGGCGCTGCGCGAGAGCGACCTGCGACAGTGAACGCGTCTGCACCAGCCGTAGATTAGGCGGAATGCCAACGTGGCGCGAACGTCTCACACCCGGCCCTCTCGCACTGCCCGCTGGTGTGGGGAGCCTGGGCCGCCGTGAGGGGGACGCACCAGGGGTGGCGACCGGCGTGATGTGGGAGCGGCTGTGGGGCGACCTGCGGAGCGGGTGGTGGGTAGAGTGTGCTGCCCAGGCCCTGCTCCAGTAGCGGAGTCGGCGCATGGCTGTAAAACACGCATCTAGGGCTGCTTGGCAGCGCACGATGGGGCCAGTGGCAGGCTGAGGGGGGAGGGGGTCGCGTGGGGTTGAGTTCGCGTTCTATG

>6B-137877d

ACACGCACACATGCCTCTCAGTGCGTGCTGTCTCAGGCTCCAGTACAACCCCACTCTCTCTGCCTGGGGAGAAGCCAAAGCAGCCCCCCTCCCCTCCCCTCCTATGCCTGCCGAATGCCGAACTCGCCTCTGGTGTGTGACAGGGTCAGGTGTCTGTGACGTAGGCGGAGGTCCGCGCGATGCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGGCCTGGATGGCGTTGCGTCGGGGCGACCTGCGACCGTGCACACGCCTGCACACCGTCTATGTGATGGGCGAAGTGCCAGCGTGGCTCGAACGCACCCCGCACGGCCCTCACACTGACCACTGGTGGGGGGCAGCCTGAGCGCCACGCCGAGGGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCTCAGCGGGCATGTGGGCTGGGCTCGAGGCAGAGGCGGTGCTGAGACGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCCATGCGCGCGTGCC

>6B-180315d

ACACACACACATGCCTCTCAGTGCGTGCTGTCTCAGGCTCCAGTACAACCCCACTCTCTCTGCCTGAGGAGAAGCCAAAGCAGCCCCCCTCCCCTCCCCTCCTATGCCTGCCGAATGCCGAACTCGCCTCTGGTGTGTGACAGGGTCAGGTGTCTGTGACGTAGGCGGAGGTCCGCGCGATGCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGGCCTGGATGGCGTTGCGTCGGGGCGACCTGCGACCGTGCACACGCCTGCACACCGTCTATGTGATGGGCGAAGTGCCAGCGTGGCTCGAACGCACCCCGCACGGCCCTCACACTGACCACTGGTGGGGGGCAGCCTGAGCGCCACGCCGAGGGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCTCAGCGGGCATGTGGGCTGGGCTCGAGGCAGAGGCGGTGCTGAGACGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCCATGCGCGCGTGCGCCCAGGGCTGCTTGGCACCAGGCGGATGGGGCACCTGTGGCAGGGGTCTGTGGTGGTGCGCGGTGGGCGGAGCGGCATGGCGTGACGTTCGAGCTCGCGTTGCATGGCGGAGAGTGAGCATGCTGAAGG

>6B-189883d

TTCTCGCCTGCTCGACACACGTGCACACGCACACATGCCTCTCAGTGCGTGTCGTCTCAGGCTCCAGTACAACCCCACTCTCTCTGCCTGGGGAGAAGCCAAAGCAGCCCCCCTCCCCTCCCCTCCTATGCCTGCCGAATGCCGAACTCGCCTCTGGTGTGTGACAGGGTCAGGTGTCTGTGACGTAGGCGGAGGTCCGCGCGATGCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGGCCTGGATGGCGTTGCGTCGGGGCGACCTGCGACCGTGCACACGCCTGCACACCGTCTATGTGATGGGCGAAGTGCCAGCGTGGCTCGAACGCACCCCGCACGGCCCTCACACTGACCACTGGTGGGGGGCAGCCTGAGCGCCACGCCGAGGGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCTCAGCGGGCATGTGGGCTGGGCTCGAGGCAGAGGCGGTGCTGAGACGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCCGTGCGCGCGTGCGCCCAGGGCTGCTTGGCACCAGGCGGATGGGGCACCTGTGGCAGGGGTCTGTGGTGGTGTGTGGTG

>6B-218084d

AGGTATGAAGGGTTGAGTGGGGGCAGCTGCGCGAAGCGACGGCCTCTTCTTTCTCGCTCAGCTACCTCTCCCCTTCCCCTTCCTATGCCTGCCGAATGCCGAACTCGCCTCTGGTGTGTGACAGGGTCAGGTGTCTGTGACGTAGGCGGAGGTCCGCGCGATGCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGGCCTGGATGGCGTTGCGTCGGGGCGACCTGCGACCGTGCACACGCCTGCACACCGTCTATGTGATGGGCGAAGTGCCAGCGTGGCTCGAACGCACCCCGCACGGCCCTCACACTGACCACTGGTGGGGGGCAGCCTGAGCGCCACGCCGAGGGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCTCAGCGGGCATGTGGGCTGGGCTCGAGGCAGAGGCGGTGCTGAGACGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCCGTGCGCGCGTGCCCCCAGGGCTGCTTGGCACCAGGCGGATGGGGCACCTGTGGCAGGGGTCTGTGGTGGTGCGCGGTGGGCGGAGCGGCATGGCGTGACGTTAGAGCTCGCGTTGCATGGCGGAGAGTGAGCATGCTGGAGG

>6B-246729d

TTCTCGCCTGCTCGACACACGTGCACACGCACACATGCCTCTCAGTGCGTGCTGTCTCAGGCTCCAGTACAACCCCACTCTCTCTGCCTGGGGAGAAGCCAAAGCAGCCCCCCTCCCCTCCCCTCCTATGCCTGCCGAATGCCGAACTCGCCTCTGGTGTGTGACAGGGTCAGGTGTCTGTGACGTAGGCGGAGGTCCGCGCGATGCATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGGCCTGGATGGCGTTGCGTCGGGGCGACCTGCGACCGTGCACACGCCTGCACACCGTCTATGTGATGGGCGAAGTGCCAGCGTGGCTCGAACGCACCCCGCACGGCCCTCACACTGACCACTGGTGGGGGGCAGCCTGAGCGCCACGCCGAGGGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCTCAGCGGGCATGTGGGCTGGGCTCGAGGCAGAGGCGGTGCTGAGACGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCCGTGCGCGCGTGCCCCCAGGGCTGCTTGGCACCAGGCGGATGGGGCACCTGTGGCAGGGGTCTGTGGTGGTGCGCGGTGGGCGGAGCGGCATGGCGTGACGTTCGAGCTCGTGTTGTGTGGC

>6-292261r

ACACACGCACACGCCTCTCAGTGCGTGATGTCTTAGGGTCCAGCACCCCCCCGCTTCCGCCCTATCCCTACCCAAGGCACAAACACTTCTGGCGGTGGCAAGGTCGAGCGCCCACGACGTGGGGGAGGTCAGCGCGATGTATCGCTGCGGATGTCAGCGGTCACGACCTGGATAGTGCGGCGTCGGAGCGACCTGCGCGGCGGGCATGTGGGCAGGGTTCGAGGCAGAGGCCGTGCTAAGGTGACTGGGCTGGCGCACTTCTACAGCGCGTGTGTGTCTAGGGCTGCTCCGCACCACGCGATCGGACACCTGTGACAGGCCCGGTGGGGTCGAGTGAAACTGAACTCATGCTCTGTAAAAGAGTTGA

>6C-451046d

CTCAGCGTCCAGCGCCTACGACGTGGGAGGGAGGGGGAGCGCANAGAGGTGTGGCGCTACGCATGTCGGCCATCAGATCCTGGATGGCGTTGCGTCAGAGCCACCCGCGGCCGCGGACACGTTTGTGGCACCCGTATGACAGGCGAAGCGTCCGCGTGCCTCGAACCTGTCTCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGCGCCCGCTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGGGCCGCCCCTCCCCCCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGCGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCGTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTGCCGCGTGTGTCTACGGCCGGGCGTCGAGTGGCGCGGCGTTGAGCTCGTCGTGTATGGCTGAGAGATGGGCCACACGTTGGAAGCAACACGACAAAAGCACAGCGGCGCGTGG

>6C-455785d

CTGATGGCGGAGGGGACACCTCCGTGAGTGGCATCTCAGGGTCCAGTACCCCCTCCCCTATCCTATCCCTGCCACGTGCCGAGCCGCCTCTGGTGTTGACAGGGTCAAGCACCCGCGACCCAGCGAAGTCGGGGCGATGTGTCGCCACGGATGTCGGCGGTCAGGTTCCCCGCATAGGCGTTGCGTCGGAGCGCCATGCGGCAGTGAACGCGCGCCCGTGCCATCCACATGATGGGCGGAGCGTCCGCGTGCCTCGAACCTGTCCCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGCGCCCGCTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGGGCCGCCCCTCCCCCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGCGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCGTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTGCCGCGTGTGTCTACGGCCGGGCGTCGAGTGGCGCGGCGTTGAGCTCGTCGTGTATGGCTGAGAGATGGGCCACACGTTGGAAGCAACACGACAAAAGCACAGCGGCGCGTTG

>6C-461271d

CTGATGGCGGAGGGGACACCTCCGTGAGTGGCATCTCAGGGTCCAGTACCCCCTCCCCTATCCTATCCCTGCCACGTGCCGAGCCGCCTCTGGTGTTGACAGGGTCAAGCACCCGCGACCCAGCGAAGTCGGGGCGATGTGTCGCCACGGATGTCGGCGGTCAGGTTCCCCGCATAGGCGTTGCGTCGGAGCGCCATGCGGCAGTGAACGCGCGCCCGTGCCATCCACATGATGGGCGGAGCGTCCGCGTGCCTCGAACCTGTCCCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGCGCCCACTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGAGCCGCCCCTCCCCCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGCGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCGTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTGCCGCGTGTGTCTACGGCCGGGCGTCGAGTGGCGCGGCGTTGAGCTCGTCGTGTATGGCTGAGAGATGGGCCACACGTTGAAG

>6C-467907d

CGACGACGTGGGAGGGAGGGGGGAGCGCAGAGCGGTGTGGCGCTACGCATGTCGGCCATCAGATCCTGGATGGCGTTGCGTCGGAGCCACCCGCGGCCGCGGACACGTTTGTGGCACCCGTATGACAGGCGAAGCGTCCGCGTGCCTCGAGCCTGTCCCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGCGCCCACTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGAGCCGCCCCTCCCCCCCCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGCGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCGTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTGCCGCGTGTGTCTACGGCCGGGCGTCGAGTGGCGCGGCGTTGAGCTCGTGCTCTGCGGC

>6C-492436d

CCCTGCGCGGCATCTCGGCGTCCAGCGCCGACGACGTGGGAGGGAGGGGGGAGCGCAGAGCGGTGTGGCGCTACGCATGTTGGCCATCAGATCCTGGATGGCGTTGCGTCGGAGCCACCCGCGGCCGCGGACACGTTTGTGGCACCCGTATGACAGGCGAAGCGTCCGCGTGCCTCGAGCCTGTCCCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGTGCCCACTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGAGCCGCCCCTCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGCGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCGTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTGCCGCGTGTGTCTACGGCTGGCTGGCGCACGGTGCGACGGGGGCCTGTGACACGGCCGACGGGGAAGGGAGGAGTGAAGCTCGTGCTCTGCGGCTGAGACATGGGC

>6C-501040r

CCCCGCGCGGCATCTCGGCGTCCAGCGCCGACGACGTGGGAGGGAGGGGGGAGCGCAGAGCGGTGTGGCGCTACGCATGTCGGCCATCAGATCCTGGATGGCGTTGCGTCGGAGCCACCCGCGGCCGCGGACACGTTTGTGGCACCCGTATGACAGGCGAAGCGTCCGCGTGCCTCGAACCTGTCCCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGCGCCCGCTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGAGCCGCCCCTCCCCCCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGCGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCGTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTGCCGCGTGTGTCTACGGCTGGCTGGCGCACGGTGCGACGGGGGCCTGTGACACGGCCAACGGGGAAGGGAGGAGTGAAGCTCGTGCTCTGCCGCAGAGAATGGGC

>6-511666r

TCTCTGTGAAAGCCAGGCGGCGGTTCTATCCCTAGCAATGCGAATCTTCTTCTGGTGGTGTCAGAGCCACGCACTTACGACGTGGGGAAGGTGAGAGCGATGTAGCGCTATGGATGTCGGCGTTCAGGTCGTGCATAGCGTAGTATCGGAGCGGCCTGTGGAACTGAACGGGTTTGTGTCATCCAGGTGATGGACGACGGGCGAATGCAAGCCGAACCTATTCCCCCCGGCCGCCACACTGCCCACTGCTGTAAGAATCCTTAGCCGCCCTGATAGGGATGCGCCAAGTGGGGACCTGCGAGGCAGGTGGTGGGTAGAGGTTGAGGAAGAGGCCTTGTTGAGATGACTGAGTTGGTGCACTGTTGTAGTGCGTGTGTACGGCTGCTTTGCAGCAGCCGATGGGGCGTGCTACAGGCCGGGTGGGGTGG

>6C-513440r

AAGTCAGAGCGGTGTGGCGCTACGCATGTCGGCCATCAGATCCTGGATGGCGTTGCGTCGGAGCCACCCGCGGCCGCGGACACGTTTGTGGCACCCTTATGACAGGCGAAGCGTCCGCGTGCCTCGAACCTGTCCCACCCACGCCCCGGCCTTCACAGCGCCCGCTGCTGGTGTGGCGGGGAGCCTGAGAGCCGCCCCCCCCCCCCGAGCGGGGATGCGCCAAGGCGGCGGACCTGCGAGGCGGGGGTGCGGGCAGAGGTTGAGGCAGGGGCCCTGCGCCGATGGCTGCGTCGGCGCATTGCTGTATCGCCTGCGCCTACGGCGG

>6-518081d

CCAGTACCATACTCTATGCGGGAAGACAGGCAGCTCTTCTATCCCAGTCAGTGCACAGCCACTTCTAGTGGTGACGGCATCAGGCACCTAGGGCGTGGTGATGTCAGAGCGATGTAGCGCTACTAATGCCGGCGGTCAGATGGTGGATAGCGTTGCGTTGGCGTCATCTGCGGCAGTGGGCACGCTTGTTCCATCCATTTGATGGGCAGAGCGTCAGCGTGACCCGAACACCACCCACCCGACTCTCAAGCTGTCTGCTCGTTTGGGGAGTCTGAGTGCCACCTCGAGGGGGATACACCACGTAGCGACCTGCGAGGCGGCTCGGTGGCGTTTGAGACAGGGGCCGTGCTGAGATGATTGCGTTGACGCGTTGCTGTCCCGCGTCTCCACAGATGCTTTGCACCAGCTGATGGGACTTGTGACACAGTCGGGTGGCGTGG