**SIDER2s presentes en el cromosoma 13 de *L. infantum* (GeneDB)**

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 13A-27841r | 27335-27841 | 507 pb | 13A |  |
| 13A-62242r | 61663-62242 | 580 pb | 13A |  |
| 13A-67068r | 66489-67068 | 580 pb | 13A |  |
| 13-93772d | 93776-94269 | 498 pb |  | Huérfano |
| 13B-210667r | 210065-210667 | 603 pb | 13B |  |
| 13B-233973d | 233973-234234 | 262 pb | 13B | Truncado |
| 13C-309294r | 308913-309294 | 382 | 13C |  |
| 13D-339140r | 338687-339140 | 454 pb | 13D |  |
| 13C-350743r | 350362-350743 | 382 | 13C |  |
| 13D-390137r | 389690-390137 | 448 pb | 13D |  |
| 13E-460084r | 459574-460084 | 511 pb | 13E |  |
| 13E-481379d | 481379-481892 | 514 pb | 13E | Extensión en 3’ larga igual a 13E-604976r |
| 13E-485289d | 485289-485751 | 463 pb | 13E |  |
| 13-514625r | 514132-514625 | 494 pb |  | Huérfano |
| 13E-604976r | 604501-604976 | 478 pb | 13E | Extensión en 3’ larga igual a 13E-481379d |
| 13E-616394r | 615934-616394 | 461 pb | 13E | Extensión larga en 3’ igual a 13E-634045r |
| 13E-625241r | 624773-625241 | 469 pb | 13E |  |
| 13E-634045r | 633539-634045 | 507 pb | 13E | Extensión larga en 3’ igual a 13E-616394r |

>13A-27841r

GGAGGAAACCCCCTCTCCGTGCGTGGTATCAACAAGGGTCCAGTGCACCCCCCCCTCCCCCCTCCCCACACACACACACACTCTCTCTCTCGGGGAGGAAGCCACGCAGCCCCTGGTCCTTGCCAATGCCAAAGGACTTCCTGGCGGTGACGGCGCCAAGTGCCTAGGACGTGGGGAAGTCAGAGGGATTCATTGCGACTCATGGCGGCGGCGAGGTCGTGGATGGTGATGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGCTTGTGCCATCCATATGATGGGCAAAGTGTCCGCGTAACTCGAACGAATCCCACCCACCCCCGATTTTCACTGCCCACTGGTAGAGGAGCCTGCGCCACCCCGAAGGGGATGCACCGGGTGGCGGCGTGGGAAGTGGGTGGGCGGAGCTCGAGTCAGAGGCCGTGCTCAGATGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCAACGCGTGTGTACGGCTGCTTCGCACCACGCGATGTGGGGCCTGTGGCAGGCC

>13A-62242r

CTGTTCTCCGTTCACCCGATGATGCTGTGGGGTGGGGGGAGGGAATCACCTCTCCGTGCGTGGTATCAACAAGGGTCCAGTGCACCCCCCCCCCTCCCCCCTCCCCACACACACACTCTCTCTCTCGGGGAGGAAGCCACGCAGCCCCTGATCCTTGCCAATGCCAAAGGACTTCCTGGCGGTGACGGCGCCAAGTGCCTAGGACGTGGGGAAGTCAGAGGGATTCATTGCGACTCATGGCGGCGGCGAGGTCGTGGATGGTGATGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGCTTGTGCCATCCATATGATGGGCAACGTGTCCGCGTAACTCGAACGAATCCCACCCACCCCCGATTTTCACTGCCCACTGGCAGAGGAGCCTGCGCCACCCCGAAGGGGATGCACCGGGTGGCGGCGTGGGAAGTGGGTGGGCGGAGCTCGAGTCAGAGGCCGTGCTCAGATGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCAACGCGTGTGTACGGCTGCTTCGCACCACGCGATGTGGGGCCTGTGGCAGGCCTGGGCTTGAGTGGAGTTCAACTTACGTTGAATGGAAGA

>13A-67068r

CTCTTCTCCGTTCACCCGATGATGCTGTGGGGTGGGGGGAGGGAATCACCTCTCCGTGCGTGGTATCAACAAGGGTCCAGTGCACCCCCCCCCCTCCCCCCTCCCCACACACACACTCTCTCTCTCGGGGAGGAAGCCACGCAGCCCCTGATCCTTGCCAATGCCAAAGGACTTCCTGGCGGTGACGGCGCCAAGTGCCTAGGACGTGGGGAAGTCAGAGGGATTCATTGCGACTCATGGCGGCGGCGAGGTCGTGGATGGTGATGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGCTTGTGCCATCCATATGATGGGCAACGTGTCCGCGTAACTCGAACGAATCCCACCCACCCCCGATTTTCACTGCCCACTGGCAGAGGAGCCTGCGCCACCCCGAAGGGGATGCACCGGGTGGCGGCGTGGGAAGTGGGTGGGCGGAGCTCGAGTCAGAGGCCGTGCTCAGATGACTGGGTCGGCGCATTGCTGCAACGCGTGTGTACGGCTGCTTCGCACCACGCGATGTGGGGCCTGTGGCAGGCCTGGGCTTGAGTGGAGTTCAACTTACGTTGAATGGAAGA

>13-93772d

CCCACTCTGTGGAGAAGCCAGGCAGCCTTCCCTATCGTTGTCAATGCAGAGCCACTTTTGGTGGTGACAGGGTCCAGCACCCACGACATGGGGAAGTCAGAGCGATGTATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAGGCCCTGGATGGCTTTGCGTCAGAGCGATCTGCGACAGTGAAGACGCCTTTGCCATACGCGTGATGGGCGAAGTGTCAGCGTGACTCGAGCGTATCTCACGCGGTTCTCGCACTGCCCACTGGTGTGGAGGGGCCCGCGCCACCGTGAGGGATGCCCCAGAGGTGGCGACCGGCATCATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGGGTGGGCAGAGTTAGACCGGGGCCGTGTGCAGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGTAAAGCGCGTCTACCGCTGCTTGGGACTGGGCGATTGGCCTACGACAGGCCCGGTAGAGTGGAGTCGAGTTCATGTTCCATAGTACAATGGAGACGTTGAACG

>13B-210667r

CCGGGATTAGCATCCCTGATGGCAGGGAGAGGACACACCTTTCCGTGCGTCGTATCTCAGGGCCCAGCGCACCCCCTCCCCTCCCCCTCCCATCTCTCTCTGTGTGTGGGAGGGAGGCCAAGCAGCACCCCTCCAGCCCTGGCAAATGCCGAGCGACTTCGGGTGGTGTGACGGGGTCAAGCGCCCACGATATGGGGAGGTCAGAGCGATGTATCCGCTGCTGATGGCGGCGGTGGGGCCCCTTGGAGAGCGTGGCGCCGTCGCGACCTGCGACACTGAGCACACGTTTGTGCCATCCATGTGGTGGGCAGCGTGTCAGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCCCCGGCCCTCCACTGCCCATTGGTGGGGGGGAGCCTGAGCCACCCCGAGGGGAGTGATGCACCGCGTGGCGGCCGGCATGATTGGGAGCGGCTGCGGGCCAATCTGCAGGATGGGTAGTGGGTAGATTGGGGGGAGGGGCAGAGGCCGAGCTCAGATGACTGAGTCGGTGCGTTGCCGTACCGCATGTCTACGGCTGCTTCGCACCACGCAATGGGTGCCTGTGGCAGGGCGGAGTTCAGCTCGTGTCGTGTGGCAGAGAAAATGAACGTG

>13B-233973d

CATCTCTGATGGCAGGGAGAGGACACACCTTTCCGTGCGTCGTATCTCAGGGCCCAGCGCACCCCCTCCCCTCCCCCTCCCATCTCTCTCTGTGTGTGGGAGGGAGGCCAAGCAGCACCCCTCCAGCCCTGGCAAATGCCGAGCGACTTCGGGTGGTGTGACGGGGTCAAGCGCCCACGATATGGGGAGGTCAGAGCGATGTATCCGCTGCTGATGGCGGCGGTGGGGCCCCTTGGAGAGCTTGGCGCCGTCGCGACCTGCG

>13c-309294r

GCGCACGCAGGCACGCCACCTTCTTCGTTTCTTTTTTTGTTGTTGTTCATTGACATCGCTCTATTCGCCTTGATGACGTTGAGGAGTGAGGGGAGGGCACGCCCCTCCTTGCGGTCGTATCACAGGGCCCACTGCTGGTGTGGGGAGGCCTGAGTGCCACCCAGAAGAGGGGCGTGCGCCGCGTGGCGGCCGGCAAAATGGGTGCGGCTGTGAGGTCACCTGCTCTACCGGCGTGTGTGTCTGCTGCTGCTTCGCACCACGCGGATGGAGGGAGTGGGCTCGACTTGACGCCCAGGTAGTGCTGTATGACGTAGAAATGGACATGGTCGGTATCCAACATCTTCGCTCTTCCTCCCTCCCTCCCTCGCTATCTTTCCGGCTC

>13D-339140r

CCCTGCCCATGCCGATCCACTTCTGGCAGTGACAGGGTCCAGTGCCTGCGACGCAAAGGAGGTCTGCACGATACATCGCTGCGCGTGGTGGCGGTGAGGCCCGTGGATGGCGTGGCGTCGGAGCAACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCATCCACATGATGGGCGAGATGTCATCACGACTCGAGCGTGTCCCACCCCCGGCCCTCATCGTGCCCACCGCTGGTGTGGGGAGGCCCGAGTGCCCCCCCCCGATGGGGCGGGTGCACCGCGTGGCGGCCGGCACAATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCCGCTCAGCGGGCGGGTGGGCAGCGTTTGGGGCTGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTGCTCTACCGGCGTGTGCTTCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTTCGCACCACGCAGTCGGGGGGTGGGGGGCT

>13c-350743r

GCGCACGCAGGCACGCCACCTTCTTCGTTTCTTTTTTTGTTGTTGTTCATTGACATCGCTCTATTCGCCTTGATGACGTTGAGGAGTGAGGGGAGGGCACGCCCCTCCTTGCGGTCGTATCACAGGGCCCACTGCTGGTGTGGGGAGGCCTGAGTGCCACCCAGAAGAGGGGCGTGCGCCGCGTGGCGGCCGGCAAAATGGGTGCGGCTGTGAGGTCACCTGCTCTACCGGCGTGTGTGTCTGCTGCTGCTTCGCACCACGCGGATGGAGGGAGTGGGCTCGACTTGACGCCCAGGTAGTGCTGTATGACGTAGAAATGGACATGGTCGGTATCCAACATCTTCGCTCTTCCTCCCTCCCCCCCCTCCTACCTCCCTCGCTC

>13D-390137r

CCATGCCCGTGCCGATCCACTTCTGGCAGTGACAGGGTCCAGTGCCTGCGACGCAAAGGAGGTCTGCACGATACATCGCTGCGCGTGGTGGCGGTGAGGCCCGTGGATGGCGTGGCGTCGGAGCAACCTGCGACCGTGAACACGTCTGTGCCATCCACATGATGGGCGAGATGTCATCACGACTCGAGCGTGTCCCACCCCCGGCCCTCATCGTGCCCACCGCTGGTGTGGGGAGGCCCGAGTGCCCCCCCCCGATGGGGCGGGTGCACCGCGTGGCGGCCGGCACAATGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCCGCTCAGGGGGCGGGTGGGCAGCGTTTGGGGCTGGGGCCGTGCTCCGATGACGGAGTCGGCGCACTGCTCTACCGGCGTGTGCTTCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTTCGCACCACGCAGTCGGGGGGTGGGGGGCT

>13E-460084r

GTATCGCAGGCTCCACTGCACACGCACACCTCCCATTCTGTGTGTGTGGGTGTGGGTGGGAAGCCAAAGCAGCCCTCCCCCTCCTCGTTTTTTTTCCAGCCCTGCCCATGCCGAACCACTTCGGGTGGTGGCGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGCGCCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAACGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGTGTGGGGTGGGTGGGTGGGGACCTGGGACCCCCCGAGGGACGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCGTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCTGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGTGGGGCGGGGGTGCAGTGTGGCGTGTGGCCGGTGCTGTATGGCCGAAAACGAATGCGCACGCGTTGAAA

>13E-481379d

GTATCACAGGCTCCACTGCACACGCACACCACCCATTCTGTGTGTGGGTGTGGGTGAGAAGCCGAAGCAGCCCTCCCCCTCCTCGTTTTTTTTTCCAGCCCTGCCCATGCCGAACCACTTCGGGTGGTGGCGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGTGTCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGTGTGTGTGGGGTGGGTGGGTGGGGGCCTGGGACACCCCCGAGGGACGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCGTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCCGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGTGGGGCGGGGGTGCAGTGTCGCGTGTGGCCGGTGCTGTATGGCCGAGAACGAATGCACGCGCGTTGGC

>13E-485289d

TCACCGTCGTATCACAGGGTCCGGGGACCCTACTCTGCGTGTGTGTGTGTGTGGGTGGGAAGCCAAAGCAGCCGTCTCCCCCCCCCCTCTATCCCCCTGCCCCTGCCGGGCCACTTCTGGTGGTGACGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGTGTCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGCGTGGGGTGGGTGGGTGGGGGCCCTGGGACACCCCCGAGGGGCGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCTTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCCGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGCGGGGTGGGGGTGCAGTGTGGCGT

>13-514625r

CCCTGATGATGCCGACCACATTAGTGTGGTATCAGGGTTGCTGCCCGACCCTGGGTGGGGAAGCCAGAGCGATTGGCCGCTGCTGATGCTGGCGGCCGGGCTCTGGATGGGGCTGCGTCTGAACGACCTGCGGCAGCGTACACGCTTGCGCCATCTGTATGATGCGCAACTTGTGAGAGTGACTCGAACGTATCTATCCCCCAGTCTTCACTACGCACATTAGTGGGGGAAACCTGAGTGTCACCCTGAGAGGGGTGCACCGCGTGGCGAACGGCGAAATGGGAGCTGCTGTGCGGCGACCTGCGCAGCGGGCGGATGGTGGGTAGAGTTTGAGTCCAAAGCTGTGCTCAGGTGACTGAGTCGGCGCACTGCGGTACCGGGCGTGCCAACGGCTGCCTCGCGCGACGCGATGAGGCCTGTGACGGGTCGCGGGTGGGTGGGGCATAGTGGCGTTTGAATCGTGGTGTATGACAAAGAATGTACACACCTTGCAA

>13E-604976r

TCTGTGTGTGTGTGGGTGTGGGTGGGAAGCCAAAGCAGCCCTCCCCCTCCTCGTTTTTTTTCCAGCCCTGCCCATGCCGAACCACTTCGGGTGGTGACGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGTGTCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGCGTGGGGTGGGTGGGTGGGGGCCCTGGGACACCCCCGAGGGGCGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCGTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCTGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGTGGGGTGGGGGTGCAGTGTTGCGTGTGGCCGGTGCTGTATGGCCGAGAACGAATGCACGCGCGTTGGC

>13E-616394r

TGGATGTGGGTGGGAAGCCAAAGCAGCCGTCTCCCCCCCCCTCTATCCCCCTGCCCCTGCCGAACCACTTCGGGTGGTGACGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGTGTCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGCGCGGGGTGGGTGGATGGGGGCCCTGGGACACCCCCGAGGGGCGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCTTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCCGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGTGGGGTGGGGGTGCAGTGTGGCGTGTGGCCGGTGCTGTATGGCCGAGAACGAATGCACACGCGTTGGC

>13E-625241r

TGTGTGTGTGTGTGGGTGGGAAGCCAAAGCAGCCGTCTCCCCCCCCCCTCTATCCCCCTGCCCCTGCCGGGCCACTTCTGGTGGTGACGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGTGTCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGCGTGGGGTGGGTGGGTGGGGGCCCTGGGACACCCCCGAGGGGCGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCGTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCCGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGTGGGGTGGGGGTGCAGTGTGGCGTGTGGCCGGTGCTGTATGGCCGAGAACGAATGCACACGCGTTGAAA

>13E-634045r

TCAGCGTAGTATCACAGGGTCCGGGGACCCTACTCTGCGTGTGTGTGTGTGTGGGTGGGAAGCCAAAGCAGCCGTCTCCCCCCCCCTCTATCCCCCTGCCCCTGCCGGGCCACTTCTGGTGGTGACGGGGGTTCCCGTGCCCACGACGCAGAGAGGCCAGAGCGACCTGCGACAGCGCACACGCTTGTGTCATCCATGTGATGGGCGAAGCCTCCGCGTGACTCGAGCGCATCCCGCCCGACGCTCACTGCCTACTGGTGTGTGTGCGCGGGGTGGGTGGATGGGGGCCCTGGGACACCCCCGAGGGGCGCAGCAGGTGGCGACCGGCAGAGAGGGTCTGCTTAGAGTGTGAGGCGGCGGCCGTGCTCAGCTGACTGAGTCGGCGCACTGCTGTGCCGGCGTGTGTCTGCTGCTGCCTCTGCGCACGGCGCGGATGTGTGGGGTGGGGGTGCAGTGTGGCGTGTGGCCGGTGCTGTATGGCCGAGAACGAATGCACACGCGTTGGCA