**Elementos SIDER2s en el cromosoma 25 de *L. infantum***

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 25A-26595r | 26084-26595 | 512 | 25A |  |
| 25A-51487r | 50934-51487 | 554 | 25A |  |
| 25A-59321r | 58768-59321 | 554 | 25A |  |
| 25B-220763r | 220223-220763 | 541 | 25B |  |
| 25-246799r | 246666-246799 | 134 |  | huérfano |
| 25B-248901d | 248901-249443 | 543 | 25B |  |
| 25B-258503d | 258503-258842 | 340 | 25B | Truncado en 5’ |
| 25-296122r | 295839-296122 | 284 |  | huérfano |
| 25-308656d | 308656-309219 | 564 |  | Huérfano |
| 25-386840r | 386317-386840 | 524 |  | Huérfano |
| 25C-506121r | 505580-506121 | 542 | 25C |  |
| 25C-539323r | 538762-539323 | 562 | 25C |  |
| 25C-555794r | 555298-555794 | 497 | 25C |  |
| 25C-562551r | 562003-562551 | 549 | 25C |  |
| 25C-568988r | 568435-568988 | 554 | 25C |  |
| 25-571329r | 570829-571329 | 501 |  | Huérfano |
| 25C-573855r | 573420-573855 | 436 | 25C |  |
| 25-600433r | 599889-600433 | 545 | 25C |  |
| 25-620526r | 620088-620526 | 439 | 25C |  |
| 25D-658212r | 657859-658212 | 354 | 25D |  |
| 25D-675298d | 675298-675654 | 357 | 25D |  |
| 25E-752747d | 752747-753276 | 530 | 25E |  |
| 25E-798608r | 798061-798608 | 548 | 25E |  |
| 25E-824097r | 823504-824097 | 612 | 25E |  |
| 25E-830236d | 830236-830834 | 599 | 25E |  |
| 25E-850941d | 850941-851574 | 634 | 25E | Extensión 3’ igual a 25E-863080d |
| 25E-863080d | 863080-863714 | 635 | 25E | Extensión 3’ igual a 25E-850941d |
| 25E-863995d | 863995-864457 | ≥463 | 25E | Gap genómico en 5’ |

>25A-26595r

TCTCGCGCTCCCCGCACGCCTTGATGACGGCGGGCCGATGAGGAGGGGGTGAGGTGGTGACCAGCTCAGCGCGTGGCTTCACCCGGCCCAAGTACCCTCCACCATCTCTGCGTGGGAGGAAGCCAAGCAAGCCGCCCCGCATTTCTCCCTGCGAAGTGCGCAACCACCGGTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCACACGCGACGTGGGGCGTGGAGGGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGTGCGCCGGCCCGGGGTGACGCGGCGCCGGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGTGTGCACCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCCGCGTGGCTGGAAGGCATCCCACCCCCGGCCCTCGCGCAGCCTGCTGGTATGCGGGTGTGGGTGGAGTTTGAGGCGTAGGCCGTGCTCTCGGATGGCTTGGTCGGCGCGTTTGGCGTGGCGCGTGTGTGCTGCTGCACCGCACCAGGTAATGTGGAGGGGGGGGGAGGGGGGCTCTGACCGGCCGTGCGGGA

>25A-51487r

GTCTCGCGCTCCCCGCACGCCTTGATGACGGCGGGCCGATGAGGAGGGGGTGAGGTGGTGACCAGCTCAGCGCGTGGCTTCACCCGGCCCAAGTATTCTCCACCATCTCTGCGTGGGAGGAAGCCAAGCAAGCCGCCCCGCATTTCTCCCTGCGAAGTGCGCAACCACCGGTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCACACGCGACGTGGGGCGTGGAGGGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGTGCGCCGGCCCGGGGTGACGCGGCGCCGGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGTGTGCACCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCCGCGTGGCTGGAAGGCATCCCACCCCCGGCCCTCGCGCAGCCTGCTGGTATGCGGGTGTGGGTGGAGTTTGAGGCGTAGGCCGTGCTCTCGGATGGCTTGGTCGGCGCGTTTGGCGTGGCGCGTGTGTGCTGCTGCACCGCACCAGGTAATGTGGAGGGGGGAGGGGGGCTCTGACGGACCGTGCGGGATGGGGTGCAGTGTGGCGTTGTAGCTTGTGTCGCGCGGCCTCATG

>25A-59321r

GTCTCGCGCTCCCCGCACGCCTTGATGACGGCGGGCCGATGAGGAGGGGGTGAGGTGGTGACCAGCTCAGCGCGTGGCTTCACCCGGCCCAAGTATTCTCCACCATCTCTGCGTGGGAGGAAGCCAAGCAAGCCGCCCCGCATTTCTCCCTGCGAAGTGCGCAACCACCGGTGGTGGTGGCAGGGCCAAGCACACGCGACGTGGGGCGTGGAGGGCGATGCATGGCTGCTGATGTCGGTGCGCCGGCCCGGGGTGACGCGGCGCCGGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGTGTGCACCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCCGCGTGGCTGGAAGGCATCCCACCCCCGGCCCTCGCGCAGCCTGCTGGTATGCGGGTGTGGGTGGAGTTTGAGGCGTAGGCCGTGCTCTCGGATGGCTTGGTCGGCGCGTTTGGCGTGGCGCGTGTGTGCTGCTGCACCGCACCAGGTAATGTGGAGGGGGGAGGGGGGCTCTGACGGACCGTGCGGGATGGGGTGCAGTGTGGCGTTGTAGCTTGTGTCGCGCGTCCTCATG

>25B-220763r

GGGGGCACACCTGAGAGTGGTATCCGAGGGCCCGGTACACCCACTCTGTAGGGGAGCCAAGCAGCCATCCTATTTCTTCCAACACCTGACCCCTTCTGGTACTGACAGGGCCAAGCACCTACGACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTATCGCGACTCATGTCGGTGGTCGGGTCCTGGATGGGGCTGCGTCGGAGAGAGCTGCGATAAGAAACACGCTTGCGCCACCCACATGATGGTCAGAGTGCCCACGTAGCTCGAGCGCAGCCCACCCGGTCCTCGCTGCCTGCCGGTGGTGGTGGGGGAGCCTCAGCCACCTCGAGGGAGATGCACCAGGCGGCAACCGGCCTCACTGGGGGCGGCTGTGAGGCCGCCCTGCCCAGCGGGTGGGTGGGTAGGGTGTGGGGCAGAGGCCGTGCTCAAATGAGAGGAACGGCAGTGCTGTGATGCGTGCCTTCGGCGGCTTCGAACCGCGCGGATGGGGCCTGTGATCGGTCGGGGTAGTGTGGAGTTGAGCACATGTTGTATGACAGAGAAATGAGCA

>25-246799r

GCTGGGGACTGCGCACGTTGACCGTAGCGCATTACTGTAACACACGTGCCCAAGGCTGCTTCTCACCGCGCGGATGGGGCCTGTGACCGGCCGGGGTAGTGTGGCGCTGAGTACATATTGGGTGACGGAGGAAT

>25B-248901d

GGGGGCACACCTGAGAGAGTGGTATCCGAGGGCCCGGTACACCCACTCTGTAGGGGAGCCAAGCAGCCATCCTATTTCTTCCAACACCTGACCCCTTCTGGTACTGACAGGGCCAAGCACCTACGACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTATCGCGACTCATGTCGGTGGTCGGGTCCTGGATGGGGCTGCGTCGGAGAGAGCTGCGATAAGAAACACGCTTGCGCCACTCACATGATGGTCAGAGTGCCCACGTAGCTCGAGCGCAGCCCACCCGGTCCTCGCTGCCTGCCGGTGGTGGTGGGGGAGCCTCAGCCACCTCGAGGGAGATGCACCAGGCGGCAACCGGCCTCACTGGGGGCGGCTGTGAGGCCGCCCTGCCCAGCGGGTGGGTGGGTAGGGTGTGGGGCAGAGGCCGTGCTCAAATGAGAGGAACGGCAGTGCTGTGATGCGTGCCTTCGGCGGCTTCGAACCGCGCGGATGGGGCCTGTGATCGGTCGGGGTAGTGTGGAGTTGAGCATATGTTGTATGGCAGAGAAATGAACA

>25B-258503d

GACATAGCTGCAACAAGCAACACGCTTGCGCCACCCACATGATGGTCAGAGTGCCCACGTAGCTCGAGCGCAGCCCACCCGGTCCTCGCTGCCTGCCGGTGGTGGTGGGGGAGCCTCAGCCACCTCGAGGGACATGCACCAGGCGGCAACCGGCCTCACTGGGGGCGGCTGTGAGGCCGCCCTGCCCAGCGGGTGGGTGGGTAGGGTGTGGGGCAGAGGCCGTGCTCAAATGAGAGGAACGGCAGTGCTGTGATGCGTGCCTTCGGCGGCTTCGAACCGCGCGGATGGGGCCTGTGATCGGTCGGGGTAGTGTGGAGCTGAGCACGTGTTCTGTGGCGGA

>25-296122r

TTCCTTTTATGCCGCCTTCGGCCCTGATCGCCGGGGAACACCTCAGCATGTCGTAGCGGTGTCTAGTACTCACTCTGCAGGAAGCCCGGGCAGAGCCCCTCTATCCCCTGCTAATGCTGAACCACTTCTGGTTGTGACAGAGTCATGCACCTACGACGCAGGGCAGGTCAGAGCGCTGCATTGCTGTAACAGAGTGTGCCTAAAACTGCCTCGCCCCGCGTGATGGGGACCCTGTGACCGGCGTAGTGGAGTGAGGACCGGGCTGATGCTCTATCTCAGAGGAA

>25-308656d

GGGAGGAGAGGGGGGCACCTCAGCGCGTAGTACCACAAAGGCTCCAGTGCGCCTACTCGGTGTGGGAAAAGGCCAGGCAGAGCCCCTCTATCCCCTGCTAATGCTGAACCACTTGTGGTGGTGACAGAGCCATGCACCTACGACGCAGGGCAGGTCAGAGCGCTGCATCGCTGCTGATATCGGCGGTCAGGTCCTGGATGACGTGGCGTCGGAGCGACGTGCGGCAGTGAACATGTTTGTGCCATCCACATGCTGAGCGAAAGGTCGGCGTGACCGGAATGTGCCTCTCACCCGGCCCTCGCACTGCCCACTGGTGGATGCAGCCTGAGCGCCACCCTCGAGGTGTGTGTGCACCAGGTGGCGACCGGCCTGACTGGGAGCGGCTGTGATGCCGCCCTGCCCAGCAGGTGGGTTGGCAGAGTGTGGGGCGGATGCCGTGCGCAGATGACTGAGTCGGCACATCGCTGTAACACAGCGTGCCTGAAACTTCCTCGCCCCGCGTGATGGGGGCCTGTGACCGGCGTGGTGGAGTGAGGCCCAGGCTGATGCTCTATCTCAGAGGAA

>25-386840r

ATCCTGACGACGGGGGAGGGGCAGCTCAGTGTGGTGGATCAGGGTCCAGCGCCCTCCCCTCCACTCTGTGTACGGAAGCCAGGCAGCCCCCTTATCCCTGTCAATGCAGAACAACTTTAGGTGGTGACAGAGTCAGGCCCGGGACGGCGCTGGGCCCGAGCGACCTGCGACAGTGAACACGTGTACACCATCCATGTGATGGGCAGAGTGTCAGTGTGACTCGCACGCATCTTACCCGAGCCTCTCACTGCCCGCTGGTGTGGGGAGCCCGCTTTTTACACCCCGAGTGGGATGCGCCACCTGGCGACCGGCATGATGGGAGGAGCGACTGTGAAGCCGGGTGGTTGGGTGGAGTTTGAGGCCGAGGCCATGATCGGATGACCGAGTCGGCGCACTGCTGTGCCAGCTTGTGCCTACGGCTGCCTCGCACCACGCGGATGTCGGGGCCTGTGGCAAGGCCGTGCGTATCTGTGTGAAGGGGGGTGACCTTTGGCCTCATGTTGTATGGCAGAGAAATGGGCACG

>25C-506121r

GAGAGAGAGGAGGGCCGCCTTCGGGCATGGCACATCATGGCCGCGTTCACCCCCCTCCATCCTCTCTGCGGGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCCCTATCCCTGTCAGTGCCGGACCACCCCTCGTGGTGCCAGGGTCAGGTACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGATGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCCGTGAACGTGTTTGTGCGAACCATATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCCTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTGGCTGGGCCGTTGTCCCCATGCTGTAT

>25C-539323r

GGGCCGCCTCCGGGCGTGGTACATCATGGCCGCGTGCACCCCCCTCCATCCTCTCTGCGGGGAAGCCAGGCAGCTCCTCTCCCTATCCCTGCCAGTGCCGGACCACCCCTCGTGGTGCCAGGGTCAGGTACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGATGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCTGTGAACGTGTTTGTGCGAACCATATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCCTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGCGGGGGCCTGTGGCTGGGCCGGGTGGGAGGGAGGAAGGGGCGTTGTTACCATGCTGTATGGCAGAGAAA

>25C-555794r

CCCCAGCGTGGTATCCAGGGTTCAGTACCCACTCTCTGCGGGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCCCTATCCCTGCCAGTGCCGGACCACCCCTCGTGGTGCCAGGGTCAGGTACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGATGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCTGTGAACGTGTTTGTGCGAACCGTATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCCTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTTGCAGGGCCAGG

>25C-562551r

GTGTGGTATCCAGGGTTCAGTACCCACTCTCTGCGGGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCCCTATCCCTGTCAGTGCCGGACCACCCCTCGTGGTGCCAGGGTCAGGTACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGATGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCTGTGAACGTGTTTGTGCGAACCATATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCCTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTGGCTGGGCCGGGTGGGAGGGAGGAAGGGGCGTTGTGCCCATGCTGTATGGCAGAGAAATAGACGCGTTG

>25C-568988r

CCTCAGTGTGGCATCCAGGGTTCAGTGCCCACTCTCTGCGGGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCCCTATCCCTGTCAGTGCCGGACCACCCCTCGTGGTGCCAGGGTCAGGTACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGATGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCTGTGAACGTGTTTGTGCGAACCATATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCTGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCTTGCGGAGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTGGCTGGGCCGGGTGGGAGGGAGGAAGGGGCGTTGTGCCCATGCTGTATGGCAGAGAAATACACGCGTTG

>25-571329r

GGGAACCCTGGCGTGGTGTTCGGGACCGGGGGCCACCCCGCCGGAAATGCAAACAGCCCCCTTCTGCGCGCCAATGCCGGGCAGCTTCTGGCGGTTGCAGCCCGAAGTGTCTGAGGCGCAGGGGGGTTGGCGCGACTCATTTCTGTTGATGTCGGTGGTGCCATGTCTTGGATGGCGTTGTGTCGGGGAGACCTGCTACTGTGAACGCGCTTTTGCCACTTGTGTGACGGGCGAAGTGCCAACCTGGCTTGGAAGTATCTCCTTCGGCCCTCATCGCCTACTAGTTTGGGGCCTTGGCTACTGCAGGGGGTGCGCGGGATGGCGGGGGCGGCTGTGGGGGTGACCTGCGGTGCGGGGGGTGGTTGGTGGAGTGTGTGTGAGGAAGCCGTGCTCAGCTGGCTGGGTCGGCGCATTGCCGTGACGCGTGTCTGCGGCTGCTTGGCGCCACAAAATGGGGGCTGCGACAGGCCGGGTAGTGTGGATTTCAGCTCATGCTTTATG

>25C-573855r

CCGGACCACCCCTCGTGTCGCCAGGGTCAGGCACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGATGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCTGTGAACGTGTTTGTGCGAACCATATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCCTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTTGCGGCGGTGGGTGGTCGGGGTGGGGGGG

>25C-600433r

GACAGAGAGGAGGACCGCCTCCGGGCGTGGTACATCATGGCCGCGTGCACCCCCCTCCATCCTCTCTGCGGGGAAGCCAGGCAGCCCCTCCCCCTATCCCTGCCAGTGCCGGACCACCCCTCGTGGTGCCAGGGTCAGGTACCTACGACGTAGCGAAGTCAGAGCGATTTATCGCTACGGGTGTCGGCGGTGTCAGGCCCTGGACTGGCGCTGCGTGGGGGAGGCCTGCAGCTGTGAACGTGTTTGTGCGAACCGTATGATGGGCAGTATGCCGCCCTGACCCGAACGTATCTCACCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCAAGCGGCCGTGAGGGGCGACCCTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTGGCTGGGCCGTTGTCCCCATGCTGTAT

>25C-620526r

GACACCCCAGTGTGATGCCAGCGTCAAGTACCTACGACCGTAGCGGGAGGCCAGAGCGATGTACCGCTACGGGTGTCGGCGGTGTCAGGCCCTGGACTGGCGCTGCATCGAAGCGGCCTGCGACAGTGAGCACGTTTGTGCCATCCATGCGATTGGGCAGAGTGTCAGCGTCACTCGAATACATCCCCCCGGCCCTCACCGCGCCCTGGCTCGGGGAGCCCGAGGCGCCCCGAGGGATGCGCGACGTGGCGACCGGGCACAAGGCGAGCGGCCGTGAGGGGCGACCTTGCGGGGCGGGGAGGGCGGGTAGAGGGTCTGGGGCGGAGGCCGCGCTTCGCTGACTGGGTCGGCGCATTTCTGCAGCGGCGCGTGTCTACGGCTGCTTGGCGCCACGCGGTGTGGGGGCCTGTTGCGGCGGTGGGTGGGCCAGGTGGGAGGG

>25D-658212r

TTTACGCCCACTCCGTCATCCCCGGATGACAGGTGTGGCGGGCACGCGCCCCTCTCAGTGCGTCGTATCTCAGGGCCCCGGGCGCCCCCACCCCCATCTCTCTATCTGTGCGGAGGGCCAAGCAGCCCCCCTCCTCCTCCTGTTCCTGCTGAATGCCGAGCTACTGTTGGTGGTGACAGAGTCAAGCGCTTACGACGTGGGGAGGTCAGGGCGGTTTACTGCTACGGGTGTCGGCGGTCAGGGCCCGGATGGCGTTGCGTCGGATCGACCCGCTACTGCGAACACGCCTGTACCAGCCACCTGATGGGCGAAGCGCCAGCGTGTGTCTAGCACTGCTTCACACCACGCGATGTG

>25D-675298d

TTTACGCCCACTCCGTCATCCCCGGATGACAGGTGTGGCGGGCACGCGCCCCTCTCAGTGCGTCGTATCTCAGGGCCCCGGGCGCCCCCACCCCCATCTCTCTATCTGTGCGGAGGGCCAAGCAGCCCCCCTCCTCCTCCTCCTGTTCCTGCTGAATGCCGAGCTACTGTTGGTGGTGACAGAGTCAAGCGCTTACGACGTGGGGAGGTCAGGGCGGTTTACTGCTACGGGTGTCGGCGGTCAGGGCCCGGATGGCGTTGCGTCGGATCGACCCGCTACTGCGAACACGCCTGTACCAGCCACCTGATGGGCGAAGCGCCAGCGTGTGTCTAGCACTGCTTCACACCACGCGATGTG

>25E-752747d

CGCCTCCGTGCACCATGTCGCAGGGCTCTGTGCACCCACCCCCTCTCCCCACTCGGTGTGTGGCGAAGCCGGGCAGCCCCTCCCCTCCCCTATTCCGGCCAATGCACAGCCCCTTCTCGTGGTGAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACTGCACACGCGTGCGCCATCCATATGACGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCACGAGGGATGTGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGGCCTGGGG

>25E-798608r

CTTCATGACTTGGGACACCTCAGTGAGTCGTCTCTCAGGGCTCTGTGCACCCACCCCCTCTCCCCACTCGGTGCGTGGCGAAGCCGGGCAGCCCCTCCCCTCCCCTATTCCGGCCAATGCACAGCCCCTTCTCGTGGTGAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACTGCACACGCGTGCGCCATCCATATGATGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCGCGAGGGATATGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGACCCGGGGCGT

>25E-824097r

CTTCATGACTTGAGACACCTCAGCGAGTCGTCTCTCAGGGCTCTGTGCACCCACCCCCTCTCCCCACTCGGTGCGTGGCGAAGCCGGGCAGCCCCTCCCCTCCCCTATTCCGGCCAATGCACAGCCCCTTCTCGTGGTGAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACTGCACACGCGTGCGCCATCCATATGATGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCGCGAGGGATATGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGACCCGGGGGGTGCAGCGTTGACCTCGCGTTGCACAGCAGCGAAACGGACACGTTGGCGGAAGGAAGAAAACAGCG

>25E-830236d

GACACCTCAGCGAGTCGTCTCTCAGGGCTCTGTGCACCCACCCCCTCTCCCCACTCGGTGCGTGGCGAAGCCGGGCAGCCCCTCCCCTCCCCTATTCCGGCCAATGCACAGCCCCTTCTCGTGGTGAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACTGCACACGCGTGCGCCATCCATATGACGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCGCGAGGGATATGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGACCCGGGGGGTGCAGCGTTGACCTCGCGTTGCACAGCAGCGAAACGGACACGTTGGCGGAAGGAAGAAAACAGCG

>25E-850941d

TCTCTCCCCCCTTTCCCCCTCACTAACGGCGGAAGGGGGAGGGACCCACGCCTCCGTGCGCCATGCCGCAGGGCTCTGTGCACCCACTCCCTCTCCCCACTCGGTGCGTGGCGAAGCCGGGCAGCCCCTCCCCTCCCCTATTCCGGCCAATGCACAGCCCCTTCTCGTGGTGAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACCGCACACGCGTGTGCCATCCATATGACGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCACGAGGGATGTGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGACCCGGGGGGTGCAGTGTTGACCTCGCGTTGCACAGCAGCGAAACGGACACGCTGGCGAATCTC

>25E-863080d

TTCCCTCCCCCCTTTCCCCCTCACTAACGGCGGAAGGGGGAGGGACCCACGCCTCCGTGCGCCATGCCGCAGGGCTCTGTGCACCCACTCCCTCTCCCCACTCGGTGCGTGGCGAAGCCGGGCAGCCCCTCCCCTCCCCTATTCCGGCCAATGCACAGCCCCTTCTCGTGGTGAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACCGCACACGCGTGTGCCATCCATATGACGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCACGAGGGATGTGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGACCCGGGGGGTGCAGTGTTGACCTCGCGTTGCACAGCAGCGAAACGGACACGCTGGCGAATCTC

>25E-863995d

GAGAGGGCCAAGCGCCTGCGACGTTGGGGAGTCGGAGAGACTCAGCGCCACTCACGTCGGCGGTCCGACGGTGGACGGCGTTGCACCGGAGCGACCTGCAGCACCGCACACGCGTGTGCCATCCATATGACGGGCAGAGTGTGCCGACGTGGCTGGGACGTATCCCACCCGGCCCTCGCTGCTTAGTGGTGCGGGGCGGCTCAGGCGCCCCACGAGGGATGTGCACCACGTGGCAACCAGCATGGCTGGGGCGGCTGCGAGGCGACCTGGGATGCGGGCGGGTGCGTTGCCTTTGAGGCGGGGGCCGTGCTGAGATGACCGGGCCGGCGCGTTGCTGTGGCGCGCGTGTCTACGGCTGCTCCGCACCGCGCGATGCGAGGGGGAGGGGCCCTGTGGCAGACCCGGGGGGTGCAGTGTTGACCTCGCGTTGCACAGCAGCGAAACGGACACGCTGGCGAATCTC