**Elementos SIDER2s en el cromosoma 30 de *L. infantum***

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Nombre | Región | Tamaño | Subfamilia | Notas |
| 30-5141r | 4673-5141 | 469 |  | Huérfano |
| 30-40594r | 40043-40594 | 552 |  | Huérfano |
| 30A-103175d | 103175-103342 | 168 | 30A | Truncado en 5’ |
| 30A-107229r | 106665-107229 | 565 | 30A |  |
| 30A-110814r | 110247-110814 | 568 | 30A |  |
| 30B-194971d | 194971-195605 | 635 | 30B |  |
| 30B-206842r | 206209-206842 | 634 | 30B |  |
| 30B-267227r | 266611-267227 | 617 | 30B |  |
| 30B-283614r | 283025-283614 | 590 | 30B |  |
| 30B-307158d | 307158-307780 | 623 | 30B |  |
| 30B-316571d | 316571-317125 | 555 | 30B |  |
| 30B-335803d | 335803-336396 | 594 | 30B |  |
| 30C-343357d | 343357-343559 | 203 | 30C | Truncado en 5’ |
| ~~30-360626d~~ | ~~360626-361008~~ | ~~383 pb~~ | ~~30D~~ | SIDER1 |
| 30C-369140d | 369140-369625 | 486 | 30C |  |
| 30C-385226d | 385226-385677 | 452 | 30C |  |
| 30C-405371d | 405371-405856 | 486 | 30C |  |
| 30C-419474r | 419076-419474 | 399 | 30C |  |
| 30D-477939d | 477939-478450 | 512 | 30D |  |
| ~~30-488215d~~ | ~~488215-488591~~ | ~~377 pb~~ | ~~30D~~ | SIDER1 asociado a gen amastina |
| ~~30-494390d~~ | ~~494390-494766~~ | ~~377 pb~~ | ~~30D~~ | SIDER1 asociado a gen amastina |
| ~~30-499907d~~ | ~~499907-500283~~ | ~~377 pb~~ | ~~30D~~ | SIDER1 asociado a gen amastina |
| 30D-512012d | 512012-512639 | 628 | 30D |  |
| 30D-520100d | 520100-520719 | 620 | 30D |  |
| 30D-522624d | 522624-523200 | 577 | 30D |  |
| 30D-558546d | 558546-559034 | 489 | 30D | Truncado en 5’ |
| 30D-578209d | 578209-578588 | 380 | 30D | Truncado en 5’ |
| 30E-605812d | 605812-606386 | 575 | 30E |  |
| 30E-626277d | 626277-626851 | 575 | 30E |  |
| 30E-667746d | 667746-668293 | 548 | 30E |  |
| 30F-725641d | 725641-725991 | 351 | 30F |  |
| 30F-733689d | 733689-734039 | 351 | 30F |  |
| 30G-747711d | 747711-748082 | 372 | 30G | Truncado en 3’ |
| 30G-777486r | 776929-777486 | 558 | 30G |  |
| 30G-783194r | 782700-783194 | 495 | 30G |  |
| 30G-787042r | 786489-787042 | 554 | 30G |  |
| 30G-794266r | 793790-794266 | 477 | 30G |  |
| 30G-871869r | 871494-871869 | 376 | 30G | Truncado en 5’ |
| 30-955288d | 955288-955891 | 604 |  | Huérfano |
| 30H-1012344r | 1011722-1012344 | 623 | 30H |  |
| 30H-1030377r | 1029755-1030377 | 623 | 30H |  |
| 30-1072885r | 1072323-1072885 | 563 |  | Huérfano |
| 30I-1121468r | 1120963-1121468 | 506 | 30I |  |
| ~~30-1129641d~~ | ~~1129641-1130359~~ | ~~719 pb~~ | ~~30K~~ | SIDER1 |
| 30I-1130915r | 1130725-1130915 | 191 | 30I | Truncado en 3’ |
| 30I-1137105r | 1136571-1137105 | 535 | 30I |  |
| 30I-1151280d | 1151280-1151800 | 521 | 30I |  |
| 30I-1167130r | 1166621-1167130 | 510 | 30I |  |
| 30I-1170909r | 1170351-1170909 | 559 | 30I |  |
| 30J-1203711d | 1203711-1204087 | 377 | 30J | Truncado en 3’ |
| ~~30-1231794d~~ | ~~1231794-1232543~~ | ~~750 pb~~ | ~~30K~~ | SIDER1 |
| 30J-1238469d | 1238469-1239022 | 554 | 30J |  |
| 30J-1245095r | 1244558-1245095 | 538 | 30J |  |
| ~~30-1297745r~~ | ~~1297011-1297745~~ | ~~735 pb~~ | ~~30K~~ | SIDER1 |
| ~~30-1314902d~~ | ~~1314902-1315649~~ | ~~748 pb~~ | ~~30K~~ | SIDER1 |
| 30-1322769r | 1322185-1322769 | 585 |  | Huérfano |
| ~~30-1323318d~~ | ~~1323318-1323659~~ | ~~342 pb~~ | ~~30K~~ | SIDER1 |
| ~~30-1339066d~~ | ~~1339066-1339542~~ | ~~477 pb~~ | ~~30K~~ | SIDER1 |

>30-5141r

GAGACACCTCAGCGCAGTGAAAGGGACAAGCCCGTACGACGTAGGTGAGGTCAGAGCGATGTATCGCTGCTGATGTCGGCGGTGAAGCGCTGGATGCCGTGGCTTCGCAGCGACCTGCAGCAGTGAAGACATTTGTGCCATCCTTCTGATGGACAGAGTATCAGCGTAACTCGAACGTATCCCACCCCGGCCCTCGCACTCCCTACTTGTGTGGGAGAGTCTGTGCCATGGCGAGCGGAATGCGCCAGGAGTGGCAACCTCCATGATGGGGAAGTGCCTGTGAGGCGACATGCGAGGCCGGGGGGGGGGCGAATGAGTAGTATTCGAGGCAGAGGCCGTGCTCTCCGATGACTGAGTCGGCACATTGCTGTACCGCGCGTGTCCACGGCTGCTTCGCACCACGTGACGAACCTGTGAAAGGCCTGGGCCCGAGTGGCGTTTGACTCATGCTGTAGAGCGGAACAGGCAC

>30-40594r

GATGAGGCACACTGCTCAGTGCGTGGCATCCAGGGCCCCGTGCACTTCCACTCGGGGTGGGGAGGCCAGGCCCCCCCCCCTCCCCCTAACCCAGCCAATGTCGAGCCACCTCTGGTGGTGATAGGGGCAAGTGTCTGTGACGTAGGGAAGGCCCGCGCGATGTTTCTCTACTGGTGCTGGTGGCCAGGTCCTGGATGGCGTTGCGTTGCGGCAACCTGCGACAGTGCACGGGTTTGTGCCGTTCACGTGCTGGACGGAGTACCGGCCCAAGTCGCATGTACCCCGCCCCCGGCCCTCACACTTTGGCCACTGGTGCTCGGAGGCCTGAGCCGCCCCGACGGGGATTCACCACATGGAGACCAGCATGATAGGGTGCGGCTGCGAGGCGACATGCGAAGCAGGTGAGTGGCCAGAGTTTGAGGCAGGGGCCGGGCTCTCAGATGGCCGAGTCGGCGCATTGCTGTTGCACATGTCGAGGGCTGCTTCGCACCACGCGGATGGTGGCCTGTGACGGGGCCGGGCGGGGGAGGGGGGAAGGAGGTCAGCGCGGTG

>30A-103175d

TCGGTGCAGAGGCCGTACTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGTACCGCGCGTGTCCACGGCTGCGTCGCAGCACGCGATGTGGCCTGTGGCAGGCCGTATAGAGTGGTGCTCTACTCCCTGCTGTACGGCAGAGAATGGGCTCGCTGAAACGAACACAACAGAAT

>30A-107229r

CCCCTGAATGACGGGGGGACACCTCAGCGCGTGGCGTCAGGGGTCAGCGCCTCACTCTCTGCGGGTGACCCAGGCAGACCCTAACCCTTGCCAGACGCCGAACCGCTTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGTGCCTGCGGCGTGGGGAGGCCAGAGCGATGTATCGCAACTGATGTCGGCGCTCAGGTCCTGGATGGCGTGGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGCACAGGCTTGTGCCATCCATGCGTTGTGCAGAGTGTCAGCGTGACTCAGGCGTGTATCTCACCCCCGGCCCTCGCAAATGCTTACTGGTGTGGGGATCCTGCGCCACCCTAAGAGAGATGCCCCACGTGGCAACCGGCTCGACGGGGGGCGGCTGCGAGGCGGAGGTCGGGCCGAGCTCGACGCAGAGGCCGTACTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGTACCGCGCGTGTCCACGGCTGCGTCGCAGCACGCGATGTGGCCTGTGGCAGGCCGTATAGAGTGGTGCTCTACTCCCTGCTGTACGGCAGAGAATGGGCTCGCTGAAACGAACACAGGAGA

>30A-110814r

CCCCTGGATGACGGGGGGACACCTCAGCGCGTGGCGTCAGGGGTCAGCGCCTCACTCTCTGCGGGTGACCCAGGCAGACCCTAACCCTTGCCAGACGCCGAACCGCTTCTGGTGGTGACAGGGTCAGGTGCCTGCGGCGTGGGGAGGCCAGAGCGATGTATCGCAACTGATGTCGGCGCTCAGGTCCTGGATGGCGTGGCGTCGGAGCGACCTGCGACAGTGCACAGGCTTGTTCCATCCATGCGTTGTGCAGAGTGTCAGCGTGACTCAGGCGTGTATCTCACCCCCGGCCCTCGCAAATGCTTACTGGTGTGGGGATCCTGCGCCACCCTAAGAGAGATGCCCCACGTGGCAACCGGCTCGACGGGGGGGCGGCTGCGAGGCGGAGGTCGGGCCGAGCTCGACGCAGAGGCCGTACTCCGATGACTGAGTCGGCGCATTGCTGTACCGCGCGTGTCCACGGCTGCGTCGCAGCACGCGATGTGGCCTGTGGCAGGCCGTATAGAGTGGTGCTCTACTCCCTGCTGTACGGCAGAGAATGGGCTCGCTGAAACGAACACAACAGAAT

>30B-194971d

TTCCCTTTCCTGCCATACATTCACCCTTCACCCGGATGACAGGGGGGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGGCCCAGTGCCCCCACTCTGCCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTGTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGGGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACGCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTAATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGGCATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTCGGTGGGCAGAGTGTGAAGCAGGGCTCGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGTACTGACATGTGTCTAGCGCTGCTTCGCACCACGCGATGGAGTCTGTGACGGGACCGGAAGGGGGGAGTCAGAGTGGAGCTCGACTCATATTCTAAGGCAGTTAAATGGGCACGCGTT

>30B-206842r

TTCCCTTTCCTGCCATACATTCACCCTTCACCCGGATGACAGGGGGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGGCCCAGTGCCCCCACTCTGCCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTCTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACCCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTAATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGGCATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTCGGTGGGCAGAGTGTGAAGCAGGGCTCGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGTACTGACATGTGTCTAGCGCTGCTTCGCACCACGCGATGGAGTCTGTGACGGGACCGGAAGGGGGGAGTCAGAGTGGAGCTCGACTCATATTCTAAGGCAGTTAAATGGACACACGTT

>30B-267227r

ACCCGTCACCCGGATGACAGGGGGGGGCGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGACCCAGTGCCCCCACTCTGTCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTGTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGGGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACGCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTAATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGGCATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTGGGTGTGCGGTGCTCGAGGCAGGGGGGTGGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGCACTGGCGTGTCTCTCGCTCTGCATCGCACGACGCGGATGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTGGGGGGGTTATCGAGAGGCGCTCAGTGAAATGCACTGTGGCAGAGAATGGACTCACG

>30B-283614r

GGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGGCCCAGTGCCCCCACTCTGTCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTGTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACCCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTAATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGGCATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTGGGTGTGCGGTGCTCGAGGCAGGGGGGTGGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGCACTGGCGTGTCTCTCGCTCTGCATCGCACGACGCGGATGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTGGGGGGGGTTATCGAGAGGCGCTCAGTGAAATGCACTGTGGCAGAGAATAGACGCAC

>30B-307158d

CCATTTTTATAACCCCGGATGACAGGGGGGGGGGCGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGACCCAGTGCCCCCACTCTGTCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTGTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACGCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGGCATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTGGGTGTGCGGTGCTCGAGGCAGGGGGGTGGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGCACTGGCGTGTCTCTCGCTCTGCATCGCACGACGCGGATGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTGGGGGGGTTATCGAGAGGCGCTCAGTGAAATGCACTGTGGCAGTGAATGGACAGACG

>30B-316571d

CCATTTTTATAACCCCGGATGACAGGGGGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGACCCAGTGCCCCCACTCTGTCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTGTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACGCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGGCTCGAGCGTGTATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGGCATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTGGGTGTGCGGTGCTCGAGGCAGGGGGGTGGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGCACTGGCGTGTCTCTCGCTCTGCATCGCACGACGCGGATGGGGGCCTGTGAAAGG

>30B-335803d

CGGATGACAGGGGGGGGGTGATGCCGCAGCGCGTGGCATCTCAGGGCCCAGTGCCCCCACTCTGTCTGGGGAGGCCACGCAGCCCCTCCTTCGTCTCTCCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTGTGGTGGTGGCGCGGTGAAGCACCTGCCACGTGGGGAGGTCAGAGCGATGTACCGCCCCACTGACGCCGGCGGTCGGGCCCTGGATGGCGCTGCGGCGGAGCGACCTGCGGCAGTGCACAGGCTTGCGCCACGCATATGGTAGGCGAAGCGTCAGCGTGTCTCGAGCGTGTAATCCCACCCCCGGCCCTCGCACTGCGTACGGGGGTGTGGGGAGCCACCCACCCACCCCTGAGGAGAGAATGCACCCGGTGGCGCCCGACATAGTGGGGGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCGGGGCGCGGGTGGGTGTGCGGTGCTCGAGGCAGGGGGGTGGTGCTCCGACGGCTGAGCCGGGCGCATTGCTGCACTGGCGTGTCTCTCGCTCTGCATCGCACGACGCGGATGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTGGGGGGGTTATCGAGAGGCGCTCAGTGAAATGCACTGTGGCAGTGAAT

>30C-343357d

GGGGCTGCGGTGAGGCGACCTGCGAGGCCGCGTGTGGGCGGGCAGAGTTTGGGGCAGGGGGCGGTCGTCTCAGGTGACTGAGTCGGCGCATTTGGTGTACCGGGCGTGTCTCTCGCGCTGCTTCGCACGACGCGGATGGGGGGCCTGCGGCAGGGCCTGATGGGTTTAGAGCAGCGCTTGAGTCGCGTTGTATGGCGGAGAAC

>30C-369140d

TTTTTTTCTCTGCTCTTCTCCTTTCGCTGGCCCGGATGACGCGGGGAGGGAGGGAGGAAGGGGGCCACACACCGCTCAGTGCGTCGCATCGTCAGGGTCCCGCACGACCCACCATTGCGGGGCGACGCCGAGCAGCTCCCCTATGCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTCTGGTGGGGGCTGAATCAGGCACCCGTACGCCATGGGGAGGACAGAGCGGCTCATCGCTGCTGATGCCGGCAGTGGGGCCCTGGACGGTGCTGCGGCGGAGCGACCTGAAAGGCCGCGTGTGGGCGGGCAGAGTTTGGGGCAGGGGGCGGTGGTCTCAGGTGACTGAGTCGGCGCATTTGGTGTACCGGGCGTGTCTCTCGCGCTGCTTCGCACGACGCGGATGGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTAGCGTAGGCTGGCGTGTGACTTATTCCGCACGGCGGAGAACGGACACGCGTTGGAGGCAAGCGCGGAGCGGAA

>30C-385226d

CTGTCCCGCGTGACGCAGGAAGGGAGGGAGGAAGGGGGCCACACACCGCTCAGTGCGTCGCATCGTCAGGGTCCCGCACGACCCACCATTGCGGGGCGACGCCGAGCAGCTCCCCTATGCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTCTGGTGGAGGCTGAATCAGGCACCCGTACGCCATGGGGAGGACAGAGCGGCTCATCGCTGCTGATGCCGGCGGTGGGGCCCTGGACGGTGCTGCGGCGGAGCGACCTGAAAGGCCGCGTGTGGGCGGGCAGAGTTTGGGGCAGGGGGCGGTGGTCTCAGGTGACTGAGTCGGCGCATTTGGTGTACCGGGCGTGTCTCTCGCGCTGCTTCGCACGACGCGGATGGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTAGCGTAGGCTGGCGTGTGACTTATTCCGCACGGCGGAGAACGGACACGCGTTGGAGGCAAGCACG

>30C-405371d

TTTGTTTCTTTACTCTTCTCCTTTCGCTGGCCCGGATGACGCGGGGAGGGAGGGAGGAAGGGGGCCACACACCGCTCAGTGCGTCGCATCGTCAGGGTCCCGCACGACCCACCATTGCGGGGCGACGCCGAGCAGCTCCCCTATGCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTCTGGTGGGGGCTGAATCAGGCACCCGTACGCCATGGGGAGGACAGAGCGGCTCATCGCTGCTGATGCCGGCGGTGGGGCCCTGGACGGTGCTGCGGCGGAGCGACCTGAAAGGCCGCGTGTGGGCGGGCAGAGTTTGGGGCAGGGGGCGGTGGTCTCAGGTGACTGAGTCGGCGCATTTGGTGTACCGGGCGTGTCTCTCGCGCTGCTTCGCACGACGCGGATGGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTAGCGTAGGCTGGCGTGTGACTTATTCCGCACGGCGGAGAACGGACACGCGTTGGAGGCAAGCGCGGAGCGGAA

>30C-419474r

GGGTGCCACACACCGCTCAGTGCGTCGCATCGTCAGGGTCCCGCACGACCCACCATTGCGGGGCGACGCCGAGCAGCTCCCCTATGCCCCTGCCCAATGCCGAGCCGCCTCTGGTGGAGGCTGAATCAGGCACCCGTACGCCATGGGGAGGACAGAGCGACTCATCGCTGCTGATGCCGGCGGTGGGGCCCTGGACGGTGCTGCGGCGGAGCGACCTGAAAGGCCGCGTGTGGGCGGGCAGAGTTTGGGGCAGGGGGCGGTCGTCTCAGGTGACTGAGTCGGCGCATTTGCTGTACCGGGCGTGTCTCTCGCGCTGCTTCGCACGACGCGGATGGGGGGCCTGTGGCAGGGCCTGGTGGGTTTAGAGCAGAGCTTGAGTCGCGTTGTATGGCGGAGAAC

>30D-477939d

TTTTCTTGCTACTCTATTTATCGCGCCCTGATGACGGGGGGGGCGCACACCTCAGCGCGTCGTATCCTCAGGGCCCCGCACACCGACTCCGCCGGGAAGCCAGGCAGCCTCCCAGCCCCTACCCATTGCCCATGCCGAGCTACTTCCGGCGGTGACACGGTCACGCGCCCACGAAGTGGGGTGGGGGTGGAGGTGAGAGCGATGTGTTGCTGCTGATGTCTGCGGTGGGAGACTGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGGCTGCGGCAGCGAGCACGTCTGCGCCGCCCACATGATGGACGAGGTGTGAGCGTGGCTGGAGGATATCCCACCCGGCCCTGGCACTGCCTCCTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCGCCAGGAGGGGTGGCGGCCGGCGGAGCGGGTGGTTTGCAGAGCTGGAGGCAGCGGCCGTGCTTGTGTGCCTGGGTGGGCGCAGCGCTGTGACGCGTGTGCCCACCGCTGCCTCGTCCCGCGCAATGTG

>30D-512012d

TTTTCTTGCTACTCTATTTATCGCGCCCTGATGGCAGGGAGGGGGCGCACGCCTCAGCGCGTCGTATCCTCAGGGCCCCGCACACCGACTCCGCCGGGAAGCCAGGCAGCCTCCCAGCCCCTACCCATTGCCCATGCCGAGCTACTTCCGGCGGTGACACGGTCACGCGCCCACGAAGTGGGGTGGGGGTGGAGGTGAGAGCGATGTGTTGCTGCTGATGTCTGCGGTGGGAGACTGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGGCTGCGGCAGCGAGCACGTCTGCGCCGTCCACATGATGGGCGAGGTGTGAGCGTGGCTGGAGGATATCCCACCCGGCCCTGGCACTGCCTCCTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCGCCAGGAGGGGTGGCGGCCGGCGGAGCGGGTGGTTTGCAGAGCTGGAGGCAGCGGCCGTGCTTGTGTGCCTGGGTGGGCGCAGCGCTGTGACGCGTGTGCCCACCGCTGCCTCGTCCCGCGCGGTGTGACCTGTGGCATGTGACGGGGAGAGGTGGGGGCGCATCGCGGAGGTGGAGTCGTGTTGCGCGGCAGAGGATGGAGGTGGTGGGGAAAAGCTGATCGCGGGAGTCGAACGAAGCAG

>30D-520100d

CGTCTCTGTGCACGAATCCCTGATGACAGGGAGGGGGCGCACGCCTCAGCGCGTCGTATCCTCAGGGCCCCGCACACCGACTCCGCCGGGAAGCCAGGCAGCCTCCCAGCCCCTACCCATTGCCCATGCCGAGCTACTTCCGGCGGTGACACGGTCACGCGCCCACGAAGTGGGGTGGGGGTGGAGGTGAGAGCGATGTGTTGCTGCTGATGTCTGCGGTGGGAGACTGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGGCTGCGGCAGCGAGCACGTCTGCGCCGTCCACATGATGGACGAGGTGTGAGCGTGGCTGGAGGATATCCCACCCGGCCCTGGCACTGCCTCCTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCGCCAGGAGGGGTGGCGGCCGGCGGAGCGGGTGGTTTGCAGAGCTGGAGGCAGCGGCCGTGCTTGTGTGCCTGGGTGGGCGCAGCGCTGTGACGCGTGTGCCCACCGCTGCCTCGTCCCGCGCGGTGGGACCTGTGGCATGTGACGGGGAGAGGTGGGGGCGCATCGCGGAGGTGGAGTCGTGTTGCGCGGCAGAGGATGGAGGTGGTGGGGAAAAGCTGATCGCGGGAGTCGAACGAAGCAG

>30D-522624d

CGTCTCTGTGCACGAATCCCTGATGACAGGGAGGGGGCGCACGCCTCAGCGCGTCGTATCCTCAGGGCCCCGCACACCGACTCCGCCGGGAAGCCAGGCAGCCTCCCAGCCCCTACCCATTGCCCATGCCGAGCTACTTCCGGCGGTGACACGGTCACGCGCCCACGAAGTGGGGTGGGGGTGGAGGTGAGAGCGATGTGTTGCTGCTGATGTCTGCGGTGGGAGACTGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGGCTGCGGCAGCGAGCACGTCTGCGCCGTCCACATGATGGACGAGGTGTGAGCGTGGCTGGAGGATATCCCACCCGGCCCTGGCACTGCCTCCTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCGCCAGGAGGGGTGGCGGCCGGCGGAGCGGGTGGTTTGCAGAGCTGGAGGCAGCGGCCGTGCTTGTGTGCCTGGGTGGGCGCAGCGCTGTGACGCGTGTGCCCACCGCTGCCTCGTCCCGCGCGGTGGGACCTGTGGCATGTGACGGGGAGAGGTGGGGGCGCATCGCGGAGGTGGAGTCGTGTTGCGCGGCAGAGGATG

>30D-558546d

GAAGCCAGACAGCCTCCCAGCCCCTACCCATTGCCCATGCCGAGCTACTTCCGGCGGTGACACGGTCACGCACCCACGACGTGGGGTGGGGGTGGAGGTGAGAGCGATGTGTTGCTGCTGATGTCTGCGGTGGGAGACTGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGGCTGCGGCAGCGAGCACGTCTGCGCCGCCCACATGATGGACGAGGTGTGAGCGTGGCTGGAGGATATCCCACCCGGCCCTGGCACTGCCTCCTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCACCAGGAGGGGTGGCGGCCGGCGGAGCGGGTGGTTTGCAGAGCTGGAGGCAGCGGCCGTGCTTGTGTGCCTGGGTGGGCGCAGCGCTGTGACGCGTGTGCCCACCGCTGCCTCGTCCCGCGCGGTGGGACCTGCGGCATGTGACGGGGAGAGGTGGGGGCGCATCGCGGAGGTGGGGTCGTGCTGCGCGGCAGAGGATGG

>30D-578209d

CCTATCCCCTTGCCAACGCCGCACCACATCTGGCGGTGACACGGTCACGCACCCACGACGTGGGGTGGGGGTGGAGGTGAGAGCGATGTGTTGCTGCTGATGTCTGCGGTGGGAGACTGGATGGCGCTGCGTCGGAGCGGGCTGCGGCAGCGAGCACGTCTGCGCCGCCCACATGATGGACGAGGTGTGAGCGTGGCTGGAGGATATCCCACCCGGCCCTGGCACTGCCTCCTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCACCAGGAGGGGTGGCGGCCGGCGGAGCGGGTGGTTTGCAGAGCTGGAGGCAGCGGCCGTGCTTGTGTGCCTGGGTGGGCGCAGCGCTGTGACGCGTGTGCCCACCGCTGCCT

>30E-605812d

CTCTTCACACCATCATGACGGGGCGCACACCTCGGCGCATCGTATCCTCAGGGTCTAGTGCACCCCGACTCTGTGTGGGGAGGAAGCCAGGCGAGCCCCCTTATCTCTGCCGATGCCGAGCTACCTCTGGTGGTAACATGGTCAAGTACTTATGGCGTAGGGAGTGGTGAGAGTGGTGTGGCGCTGCTGATATTGGAGGTCAGGTCCTGGCTGACGTTGCGTCGGAGCGGCCTGCGGCAGCGAGCACGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGGCTTGAGCGTACCTCACCCGGCCCTCGCACTGCCCACTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGGGATGCACTAGGGGTGGCGACCGGCATGATGTGAGCGGCTGTGAGGCGGCCTGTGGAGCGAGAGACGGCTAGAGCTTGATGCAGAGGCCGTGTGCAGATGACTGACTCGGCGCATAGCTCTAAAGCATGTGTCTAAGGCTGCTTCGCACGGTGCGACGGGCCTGTGGCAGGGCCGGGAGCCGAGTGGAGTGTGGCTCATGCTCTGTGGTGGAGAATGGACA

>30E-626277d

CTCTTCACACCATCATGACGGGGCGCACACCTCGGCGCATCGTATCCTCAGGGTCTAGTGCACCCCGACTCTGTGTGGGGAGGAAGCCAGGCGAGCCCCCTTATCTCTGCCGATGCCGAGCTACCTCTGGTGGTAACATGGTCAAGTACTTATGGCGTAGGGAGTGGTGAGAGTGGTGTGGCGCTGCTGATATTGGAGGTCAGGTCCTGGCTGACGTTGCGTCGGAGCGGCCTGCGGCAGCGAGCACGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGGCTTGAGCGTACCTCACCCGGCCCTCGCACTGCCCACTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGGGATGCACTAGGGGTGGCGACCGGCATGATGTGAGCGGCTGTGAGGCGGCCTGTGGAGCGAGAGACGGCTAGAGCTTGATGCAGAGGCCGTGTGCAGATGACTGACTCGGCGCATAGCTCTAAAGCATGTGTCTAAGGCTGCTTCGCACGGTGCGACGGGCCTGTGGCAGGGCCGGGAGCCGAGTGGAGTGTGGCTCATGCTCTGTGGTGGAGAATGGACA

>30E-667746d

CACACCTCGGCGCATCGTATCCTCAGGGTCTAGTGCACCCCGACTCTGTGTGGGGAGGAAGCCAGGCGAGCCCCCTTATCTCTGCCGACGCCGAGCTACCTCTGGTGGTAACATGGTCAAGTACTTATGGCGTAGGGCGTGGTGAGAGTGGTGTAGCGCTGCTGATATTGGAGGTCAGGTCCTGGCTGACGTTGCGTCGGAGCGGCCTGCGGCAGCGAGCACGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGGCTTGAGCGTACCTCACCCGGCCCTCGCACTGCCCACTGGTGTGGGGAGCCTGCGCCACGGCGAGGGGGATGCACCAGGGGTGGCGACCGGCATGATGTGAGCGGCTGTGAGGCGGCCTGTGGAGCGAGAGACGGCTAGAGCTTGATGCAGAGGCCGTGTGCAGATGACTGACTCGGCGCATAGCTCTAAAGCATGTGTCTAAGGCTGCTTCGCACGGTGCGACGGGCCTGTGGCAGGGCCGGGGGCCGAGTGGAGTGTGGCTCATGCTCTGTGATGGAGAATGGACA

>30F-725641d

GACCTCTCCGTGCGTCGCATCCTCAGGGCACCAGTGGTGCCCGGTCTCTGCGGGGGAGAAGCCAGTCACCCCCTATATATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACCTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGCGCTGACGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTGGGCGGTAAGGGCGTGGGTGCCGTTGCGTCAGGGCAACCTGAAGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGGGCACGGGGCCCTGTGGCAGGGCCGGTCGTGGGGTAG

>30F-733689d

GACCTCTCCGTGCGTCGCATCCTCAGGGCACCAGTGGTGCCCGGTCTCTGCGGGGGAGAAGCCAGTCACCCCCTATATATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACCTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGCGCTGACGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTGGGCGGTAAGGGCGTGGGTGCCGTTGCGTCAGGGCAACCTGAAGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGCGCATGGGGCCCTGTGGCAGGGCCGGTCGTGGGGCAG

>30G-747711d

CCCAGTGGTGCCCGGTATCTGCGGGGGAAGAGAACTCAGGCAGCCTCCCCCGCCCCTATGTATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACGTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGTGCCGGCGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTCGGCGGCCAGGTGATGGACAGTGTTCTGCTGGAGCGAGCGGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCAGCCTGGCTCGAGCGCAACCTATCACCCAGATCCCCTCGCACTGGCCTACTGATGTGTGTGTGTGTGTGTGGGAGGGCGGGAGGCCTGAGGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAG

>30G-777486r

CCCCCCTGATGAGGAGGGACATCTCCGTGCGTCGTATCCTCAGGGTCCCCAGTGGTGCACGGACTCTGCGGGGGAAGAGAACTCAGGCAGCCTCCCCCGCCCCTATGTATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACGTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGTGCCGGCGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTCGGCGGCCAGGTGATGGACAGTGTTCTGCTGGAGCGAGCGGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCAGCCTGGCTCGAGCGCAACCTATCACCCAGATCCCCTCGCACTGGCCTACTGATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGGGAGGGCGGGAGGCCTGAGGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGCGCATGGGGCCCGTGACCGGGTCGTGGGGCAGAATGGCGTTGAGCCTCATGCCCTATTACAGAAAATAGACACAGTGAG

>30G-783194r

GAGGGACATCTCCGTGTGTCGTATCCTCAGGGTCCCCAGTGGTGCACGGACTCTGCGGGGGAAGAGAACTCAAGCAGCCTCCCCCGCCCCTATGTATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACGTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGTGCCGGCGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTCGGCGGCCAGGTGATGGACAGTGTTCTGCTGGAGCGAGCGGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCAGCCTGGCTCGAGCGCAACCTATCACCCAGATCCCCTCGCACTGGTCTACTGATGTGTGTGTGTGTGTGTGGGAGGGCGGGAGGCCTGAGGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGCGCATGGCGCCCTCTGACGGGGCCGGTGGGG

>30G-787042r

CCTCCCTGATGAGGAGGGACATCTCCGTGCGTCGTATCCTCAGGGTCCCCAGTGGTGCACGGACTCTGCGGGGGAAGAGAACTCAGGCAGCCTCCCCCGCCCCTATGTATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACGTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGTGCCGGCGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTCGGCGGCCAGGTGATGGACAGTGTTCTGCTGGAGCGAGCGGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCAGCCTGGCTCGAGCGCAACCTATCACCCAGATCCCCTCGCACTGGCCTACTGATGTGTGTGTGTGTGTGGGAGGGCGGGAGGCCTGAGGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGCGCATGGGGCCCGTGACCGGGTCGTGGGGCAGAATGGCGTTGAGCCTCATGCCCTATTACAGAAAATAGACACGGTGAG

>30G-794266r

GGCCATCTCCGTACGTCGTATCCTCAGGGTCCCCAGTGGTGCACGGACTCTGCGGGGGAAGAGAACTCAAGCAGCCTCCCCCGCCCCTATGTATCCCCTGCCGATCCCAAGCCACGTCTGGTGTTGACAGGGTCCAAGTGCCGGCGGCGTAGGGAGGCCGGAGCGATGTATTGCTGCTGATGTCGGCGGCCAGGTGATGGACAGTGTTCTGCTGGAGCGAGCGGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCAGCCTGGCTCGAGCGCAACCTATCACCCAGATCCCCTCGCACTGGCCTACTGATGTGTGTGTGTGTGTGTGGGAGGGCGGGAGGCCTGAGGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGCGCATGGGGCCTGTGA

>30G-871869r

TCTTCTGCTGACAGGGTCCAAGTGCCGACGACGTAGGGAGGCCGGAGCGATGCATTGCTGCTGATGTCGGCGGTCAGGTGATGGGCAGTGTTCTGCTGGAGCGAGCGGCGACCGTGCACACGCTTGTGCCATCCACATGATGGGCAGAGTGTCAGCCTGGCTCGAGCGCAACCTATCACCCAGATCCCCTCGCACTGGCCCACTGATGTCTGTGTGTGTGTGGGGGAGGGCGGGAGGCCTGAGGCGCGTGGGGTGGGTGGAGTTTAATGCCGGGGCCGTGCTCGCAGATGACTGCGTCGCCGCATTGCTGTACGTTGCGCGTGTCTAGCGCTGCTTTGGACCAGGCGCATGGCGCCCTCTGACGGGGCCGGTGGGG

>30-955288d

CCGCCTAAAGAAGCGGTACAGCTCAGTGCGTGGCATCGTCAGGGCCCGGTGCACCCCCGAACTCTGCGTGTGAGGAAGCCGAGCAGCTCCCCTCCTCCCTCTCTCCCTATCCCTGCCAAATGCCGAGCCGCTTCTGGTGGTGACGGGGCCGAGTCCCTAGGACGTACGGAGGAGTTCAGTGCGTATGTATCGCTGCTGATGTGTCGGCGGTCATGTTCTGGATTGGCGTCGCGTCGGAGTGCCCCCTGCGACAACGAACACATCGGTGACATCCCTATGATTCGGCGCACTGCCCGCGTGACTCGAACGCATCTCAAGCCAGGCCCTCACACTGCCTGTTGGTGCGGAGAGTCGAAGCCACCCTGAGGAGGATGCGCCACATGACGGCCGGCATGATGGAAGATGCTGTGAGGTAGCCTGCGTAGGGGGTTGTGGGTTTAGTTTGATATCGAGGCCTTGTTCAGATGGCTGAGTCAGCGGATTGCTGTAAGACGTGGGTCTCCAGCTGCTTCTCACGATGCCATAGGGCTTCTGGCAGGCCAGGGAGGAGGAGTGTAGTGAGGCGCATGCTCTATGACGGAATAGACACGCAGAGATCAAAAAG

>30H-1012344r

CAGGGGGTGCGCCTCTCAGTGCGTGGTATCGTCAGGGCCCGGTGCACCCCACACTCTGTGTGTGAGGAAGCCGGGCAGCCCCCCTCCCCCACCCCCATCCCTGCCAACGCAGAGCTATCTCTGGCGGCGACAGGGTCGAGTATCTACGGCGTTGGTGAGGGGGAGGTCAGTGCGTATGTGCCGCTGCTGATGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGACGGCGTGACGTCGGAGTGGTCTGCGACAGTGAACACGTCTGTGCCATCCACGTAATGGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAACGCATCCCTCACTCGGCGCTCACACGGCTTACTGGCGTGCGGAGTGCCTGAGTGTCGCAGCGAGGGGGATGCACCGGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGAAGAGGAGCGGATGGGTGGGTAGTGTGTGAGGCAGAGGACATGCTCCGCTGGCTGAGCCGGCGCATTGCTGCAACGCCCGTGACTACGGTTGCATTGCACCAGGCGATGGGGCTTGTGGCAAGGCGGGTGGGGGGGGGTAGAGCAGGGTGGTGCTGGACGCATGCTGTATGGCAGAGAACGGACACATCGAGAGCACGAAAGGTGTTTGCCGTTGGAGCCTCTCCTTGTG

>30H-1030377r

CAGGGGGTGCGCCTCTCAGTGCGTGGTATCGTCAGGGCCCGGTGCACCCCACACTCTGTGTGTGAGGAAGCCGGGCAGCCCCCCTCCCCCACCCCCATCCCTGCCAACGCAGAGCTATCTCTGGCGGCAACAGGGTCGAGTATCTACGGCGTTGGTGAGGGGGAGGTCAGTGCGTATGTGCCGCTGCTGATGTGTCGGCGGTCATGTCCTGGACGGCGTGACGTCGGAGTGGTCTGCGACAGTGAACACGTCTGTGCCATCCACGTAATGGGCAGAGTGCCCGCGTGACTCGAACGCATCCCTCACTCGGCGCTCACACGGCTTACTGGCGTGCGGAGTGCCTGAGTGTCGCAGCGAGGGGGATGCACCGGGGGTGGCGACCGGCACAATGGGAAGAGGAGCGGATGGGTGGGTAGTGTGTGAGGCAGAGGACATGCTCCGCTGGCTGAGCCGGCGCATTGCTGCAACGCCCGTGACTACGGTTGCATTGCACCAGGCGATGGGGCTTGTGGCAAGGCGGGTGGGGGGGGGTAGAGCAGGGTGGTGCTGGACGCATGCTGTATGGCAGAGAACGGACACATCGAGAGCACGAAAGGTGTTTGCCGTTGGAGCCTCTCCTTGTG

>30-1072885r

ATGGCGAGGGCACGCCTCTCGGCGTGGAATCTCAGGGTTCCGCGCCTTCACTCTGTGCAGGAAAGCCAAGCAGCTCTCTCCTATCCCCTGCCAAATGCAGAACCACCTCTGGCGGTGACAAGATTAAGTTCCTGCAGCGTAGGGAAGTCAGTGAGATGTATCGCTGCTGATGTTGGTGATCAGGTCGTGGATGGCGTTGCGTCGGCGCGGCCTGCGACTTTGTACAGGTTTGCACCACCCGTGATGGGCAGAGTGTCAGAATGACTCGAACGCCTCCCACCAGGCCGTCACACTGCCTGCCGACAAGAAGCCTGAGAGCCACCCCGAGGGGGGACGCTTCAGGTGGCGACCGGCACCATGGGAGCGGCTGTGAGGCAACCTGCGCAGCGGGTGGGCGGCTAGAGCTTGAGGCTGAGGCCGCGCTCAGGTGCCTGAGTCTGCGCATTGCTGTAACGCACTTGCCTACGGCATACTTCACACTACGCGATGGGGCCTGTGGCAGGGCGGGTGGGGAAGAGTGAAGTTGAGTTTATGCCGCCTTGCAGAGAATGAGTTTGCTGGAA

>30I-1121468r

TCGCTCCTTGATGACGGGAGGCACGCCGCAACGCGTGGCATCCTCATGGCCCCGGGCCGCCCCTCCCCCCTATCCCCCTATCCCTCCTGCCAGTGCCGAGCCGCCTCGGGTGGTGACAGGGGCACCTACGGCGTGGGAAAGTCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGCCGGTGCTCAGGTCGTAGATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGGCAGCGAGCGCGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGACCCAAGCGTGTCTCGCCCGGCCCTCGCTGCTTACTGGGGGAGAGCTTGGAGCGCCACCCCGAGGGAGATGCACCGGCGGGGCGGCCGGCATGATGGGAGCGGCTGTGAGGTAACCTGCGAGGCAGAGGTGGGTAGAGTACGAGGCAGGGCCCGTGCGCAGGTGGCCGAGCCGGTGCGCTGCCGTAATGCACGTGCCGGCCGCTGCGTTGCACCGGGCGACGGGGCCTGTGACGTGCCCGGGGGTGG

>30I-1130915r

GATGACGGGAGGCACGCCGCAACGCGTGGCATCCTCATGGCCCCGGGCCGCCCCCCTTATCCCCCTATCCCTCCTGCCAGTGCCGAGCCGCCTCGGGTGGTGACAGGGGCACCTACGGCGTGGGAAAGTCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGCCGGTGCTCAGGTCGTAGATGGCGTTGCGTCGGGCGAC

>30I-1137105r

GATGACGGGAGGCACGCCGCAACGCGTGGCATCCTCATGGCCCCGGGCCGCCCCTCCCCCCTATCCCCCTATCCCTCCTGCCAGTGCCGAGCCGCCTCGGGTGGTGACAGGGGCACCTACGGCGTGGGAAAGTCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGCCGGTGCTCAGGTCGTAGATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGGCAGCGAGCGCGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGACCCAAGCGTGTCTCGCCCGGCCCTCGCTGCTTACTGGGGGAGAGCTTGGAGCGCCACCCCGAGGGAGATGCACCGGCGGGGCGGCCGGCATGATGGGAGCGGCTGTGAGGTAACCTGCGAGGCAGAGGTGGGTAGAGTACGAGGCAGGGCCCGTGCGCAGGTGGCCGAGCCGGTGCGCTGCCGTAATGCACGTGCCGGCCGCTGCGTTGCACCGGGCGACGGGGCCTGTGACGTGCCCGGGGGTGTCTGGAGAGGAGCTGAGCTCGTGCTCTGTGGCAGAATGG

>30I-1151280d

TTTTTTTTTCGCCCAGCTGTTCGCTCCTTGATGACGGGAGGCACGTCGCAACGCGTGGCATCCTCATGGCCCCGGGCCGCCCCCCTTATCCCCCTATCCCCCTGCCAGTGCCGAGCCGCCTCGGGTGGTGACAGGGGCACCTACGGCGTGGGAAAGTCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGCCGGTGCTCAGGTCGTAGATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGGCAGCGAGCGCGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGACCCAAGCGTGTCTCGCCCGGCCCTCGCTGCTTACTGGGGGAGAGCTTGGAGCGCCACCCCGAGGGAGATGCACCGGCGGGGCGGCCGGCATGATGGGAGCGGCTGTGAGGTAACCTGCGAGGCAGAGGTGGGTAGAGTACGAGGCAGGGCCCGTGCGCAGGTGGCCGAGCCGGTGCGCTGCCGTAATGCACGTGCCGGCCGCTGCGTTGCACCGGGCGACGGGGCCTGTGACGTGCCCGGGGGTGG

>30I-1167130r

TCCTTGATGACGGGAGGCACGTCGCAACGCGTGGCATCCTCATGGCCCCGGGCCGCCCCCCTTATCCCCCTATCCCCCTGCCAGTGCCGAGCCGCCTCGGGTGGTGACAGGGGCACCTACGGCGTGGGAAAGTCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGCCGGTGCTCAGGTCGTAGATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGGCAGCGAGCGCGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGACCCAAGCGTGTCTCGCCCGGCCCTCGCTGCTTACTGGGGGAGAGCTTGGAGCGCCACCCCGAGGGAGATGCACCGGCGGGGCGGCCGGCATGATGGGAGCGGCTGTGAGGTAACCTGCGAGGCAGAGGTGGGTAGAGTACGAGGCAGGGCCCGTGCGCAGGTGGCCGAGCCGGTGCGCTGCCGTAATGCACGTGCCGGCCGCTGCGTTGCACCGGGCGACGGGGCCTGTGACGTGCCCGGGGGTGTCTGGAGAGGAGCT

>30I-1170909r

TTTTTTTTTCGCCCAGCTGTTCGCTCCTTGATGACGGGAGGCACGTCGCAACGCGTGGCATCCTCATGGCCCCGGGCCGCCCCCCTTATCCCCCTATCCCCCTGCCAGTGCCGAGCCGCCTCGGGTGGTGACAGGGGCACCTACGGCGTGGGAAAGTCAGAGCGATGCATGGCTGCTGATGCCGGTGCTCAGGTCGTAGATGGCGTTGCGTCGGAGCGACCTGCGGCAGCGAGCGCGTTTGCACCACCCACATGATGGGCAGGGTGTCAGCGTGACCCAAGCGTGTCTCGCCCGGCCCTCGCTGCTTACTGGGGGAGAGCTTGGAGCGCCACCCCGAGGGAGATGCACCGGCGGGGCGGCCGGCATGATGGGAGCGGCTGTGAGGTAACCTGCGAGGCAGAGGTGGGTAGAGTACGAGGCAGGGCCCGTGCGCAGGTGGCCGAGCCGGTGCGCTGCCTTAATGCACGTGCCGGCCGCTGCGTTGCACCGGGCGACGGGGCCTGTGACGTGCCCGGGGGTGTCTGGAGAGGAGCTGAGCTCGTGCTCTGTGGCAGAATGG

>30J-1203711d

TCCTCTGCGACCCCGAGGACGGAGGGAGACCTGAGTGCGTGGTATCTCAGGGTCCAGTCCCCCATGCAGTGGGAGGCGACTAGGCGGCCCCCCTATCCCTGTCCATGCCGAGACACTTCCGGTGGCGACAAGGGCCAGGCACCTTCGAGGTGGGGAAGTCGGCGCAGTGTGTCGCTACCGATGTCGGCAGCCAGGCCCTGGATGGCGTGGTGTCGAAGCCGCCCGAGCCAGTGAGCACGTTGGTGCCACTCACATGATTAGGCAGAGCGTCAGCGTGACTCGAGCATATCCCGCCCGGCCCTCACACAGCCTACCAGTGGGAGGGAAGCCTGAGCCGCCTCAGGGAGCGGATGCACCAGGTGGCGCCCGGCGTGGTG

>30J-1238469d

TCCTTTCCGGCCCCGAGGACGGAGGGAGACCTGAGTGGGTGGTATCTCAGGGTCCAGTCCCCCATGCAGTGGGAGGCGACTAGGCGGCCCCCCTATCCCTGTCCATGCCGAGACACTTCCGGTGGCGACAAGGGCCAGGCACCTTCGAGGTGGGGAAGTCGGTGCAGTGTGTCGCTACCGATGTCGGCAGCCAGGCCCTGGATGGCGTGGTGTCGAAGCCGCCCGAGCCAGTGAGCACGTTGGTGCCACTCACATGATTAGGCAGAGCGTCAGCGTGACTCGAGCATATCCCGCCCGGCCCTCACACAGCCTACCAGTGGGAGGGAAGCCTGAGCCGCCTCAGGGAGCGGATGCACCAGGTGGCGCCCGGCATGATGTGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCAAAGCGGGTGGTGTGTAGAGTTCGGGGCAGCGGACGTGTTCGGGTGACGGCGCCGGCGTTGCCTTCATGCATACCTAGGGCGGCTTCACACCACGCGGTAGGGGGGGTCGGGTGTGCTCATTGCTCTATCGCAGAATCGGCGAGTTGGGAAAAA

>30J-1245095r

GGAGGGAGACCTGAGTGGGTGGTATCTCAGGGTCCAGTCCCCCATGCAGTGGGAGGCGACTAGGCGGCCCCCCTATCCCTGTCCATGCCGAGACACTTCCGGTGGCGACAAGGGCCAGGCACCTTCGAGGTGGGGAAGTCGGTGCAGTGTGTCGCTACCGATGTCGGCAGCCAGGCCCTGGATGGCGTGGTGTCGAAGCCGCCCGAGCCAGTGAGCACGTTGGTGCCACTCACATGATTAGGCAGAGCGTCAGCGTGACTCGAGCATATCCCGCCCGGCCCTCACACAGCCTACCAGTGGGAGGGAAGCCTGAGCCGCCTCAGGGAGCGGATGCACCAGGTGGCGCCCGGCATGATGTGAGCGGCTGTGAGGCGACCTGCAAAGCGGGTGGTGTGTAGAGTTCGGGGCAGCGGACGTGTTCGGGTGACGGCGCCGGCGTTGCCTTCATGCATACCTAGGGCGGCTTCACACCACGCGGTAGGGGGGGGGGGTCGGGTGTGCTCATTGCTCTATCGCAGAATCGGCGAGTTGGGAAAAA

>30-1322769r

CTCTGAAGCCCATGATGACGGAGAAAACACCTTAGCGTGTCATTCTAGGGTCCAGTCCACCATGCAGTGGGAGAAGGGGCAAGCAGCCCCCACCTAGCCCTGCCAATGTCGAGCCTCTTCCGGTGGCGACAAGGGTCAGGTACTCACGACGTGGAGAATTCAGAGCGATGTGTCGCTGCTGATGTCGGTGTTCAGGTCCTGCATGGCGCTGCGTCGGAGCCACCTGCGACATCGAACACGTTGGTACGACTCATATGATTAGGCAGAGCGTCAGCGTGACTCGAGCGCATCTCACACTAGACTCTTACTGCCCAGCGGTGTGGGGCGCCTGAGTGCCGCCTCCCAGGGGGGCTTGCAGCAAGTGGCGGCCGGCATGATGTAAGCGGCTATGAGGCGACCCTGAGGAACGGGTGGTGTGCAGAGCTTGATGCAGGGACCATGCTCAGATGGCTGGAGTCGGCGCACGACGGCAATGCGTGTGTCCGCGGCTGCCATCGCGCCACGCGGATGAGGCCTGTGACAGGCCCGGTGCAGAGCGTAGCTGAGCGCATGCTGTATGAGCGAATGGACACGCTGAAAGAAGAA