На базі даних NHANES в просторі головних компонент кластерів не видно!

В файлі features gerontology\_gematology\_all – звірено

K

n=408

Присвоїти n строці, k стовбцю 1

n – індекс масиву

k – значення масиву

y

x

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |

Обєкт

Кластер

ТЕСТУВАННЯ

**Тестування модуля fill\_empty\_polynomial**

**Вихідна база даних по гематології правильна за порядком атрибутів і довжиною БД як для чоловіків, так і для жінок.**

**Перевірити для інших баз даних.**

**75 Granulocytes** 50.6

mod\_d

apt\_t

**psu**

**k-means**

**Hard c-means можно рассматривать как частный случай fuzzy c-means, где степень принадлежности каждой точки может быть только 0 или 1 (т.е. принадлежность к одному кластеру исключает принадлежность к другим). Ключевой момент: каждая точка принадлежит только одному кластеру.**

**Fuzzy c-means предоставляет более гибкий подход, особенно для данных с пересекающимися кластерами, тогда как hard c-means лучше подходит для четко разделенных данных. Ключевой момент: каждая точка может принадлежать нескольким кластерам с разной степенью вероятности.**