## notebook

January 17, 2025

## 1 Simulación de una Epidemia

## 1.1 1. Definir el modelo matemático

Utilizaremos el modelo SIR (Susceptible-Infectado-Recuperado), que divide la población en tres categorías:

- S (Susceptibles): personas que pueden contraer la enfermedad.
- I (Infectados): personas que tienen la enfermedad y pueden transmitirla.
- R (Recuperados): personas que ya no pueden contraer ni transmitir la enfermedad.

Las ecuaciones diferenciales básicas son:

$$\frac{dS}{dt} = -\beta \cdot S \cdot I$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta \cdot S \cdot I - \gamma \cdot I$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma \cdot I$$

Donde:

 $\beta$ : tasa de transmisión (probabilidad de contacto e infección).

 $\gamma$ : tasa de recuperación.

## 1.2 2. Establecer los parámetros iniciales

Valores iniciales de la simulación:

Tamaño total de la población: N = S + I + R.

Número inicial de infectados:  $I_0$ .

Número inicial de recuperados:  $R_0$ .

Número inicial de susceptibles:  $S_0 = N - I_0 - R_0$ .

Tasa de transmisión:  $\beta$ .

Tasa de recuperación:  $\gamma$ .

Duración de la simulación: t.

1.3 3. Implementar la simulación

Puedes implementar el modelo en Python. Aquí tienes un ejemplo de código:

```
[]: import numpy as np
     import matplotlib.pyplot as plt
     # Parámetros iniciales
     N = 1000 # Población total
     IO = 1  # Infectados iniciales
             # Recuperados iniciales
     RO = 0
     SO = N - IO - RO # Susceptibles iniciales
     beta = 0.3 # Tasa de transmisión
     gamma = 0.1 # Tasa de recuperación
     days = 160 # Duración de la simulación
     # Ecuaciones diferenciales
     def sir_model(S, I, R, beta, gamma):
         dS = -beta * S * I / N
         dI = beta * S * I / N - gamma * I
         dR = gamma * I
         return dS, dI, dR
     # Simulación
     S, I, R = SO, IO, RO
     S_{vals}, I_{vals}, R_{vals} = [S], [I], [R]
     for _ in range(days):
         dS, dI, dR = sir_model(S, I, R, beta, gamma)
         S += dS
         I += dI
         R += dR
         S_vals.append(S)
         I_vals.append(I)
         R_vals.append(R)
     # Visualización
     plt.plot(S_vals, label="Susceptibles")
```

```
plt.plot(I_vals, label="Infectados")
plt.plot(R_vals, label="Recuperados")
plt.title("Simulación Modelo SIR")
plt.xlabel("Días")
plt.ylabel("Número de personas")
plt.legend()
plt.show()
```

Días

Número de personas

