

ARQUITECTURAS Y COMPUTACIÓN DE ALTAS PRESTACIONES GRADO EN INGENIERÍA INFORMÁTICA

PRÁCTICA 2

Estimación de π

Autor

Vladislav Nikolov Vasilev

Rama

Ingeniería de Computadores



ESCUELA TÉCNICA SUPERIOR DE INGENIERÍAS INFORMÁTICA Y DE TELECOMUNICACIÓN

Curso 2019-2020

Índice

1.	Introducción	2				
2.	Estimación de π	2				
3.	. Estimación del error secuencial					
4.	Estimación del número de intervalos					
5.	Paralelización del algoritmo 5.1. Versión paralela del algoritmo	4 5				
6.	Ganancia obtenida	10				
7.	Conclusiones	11				

1. Introducción

El objetivo de la práctica es partir de una versión secuencial de un programa que realiza el cálculo de π mediante integración numérica e implementar una versión paralela del mismo.

Se debe determinar en qué punto es mejor medir la integral, cuántos intervalos ofrecen un buen resultado en un tiempo razonable, cuáles son los tiempos de inicialización, cómputo y recepción de los resultados y cuál es la ganancia obtenida al pasar de la versión secuencial a la versión paralela con un número de nodos determinados.

2. Estimación de π

Para estimar π podemos utilizar la siguiente integral definida en el rango [0, 1]:

$$\int_0^1 \frac{1}{1+x^2} = \left[\arctan x\right]_0^1 = \frac{\pi}{4} - 0 = \frac{\pi}{4} \tag{1}$$

Para obtener π solo tendríamos que calcular la integral anterior y multiplicar el resultado por 4.

3. Estimación del error secuencial

Lo primero que vamos a determinar es dónde es mejor calcular el valor de la integral. El mejor punto será aquel que presente un menor error absoluto en la estimación. Se ha escogido como medida el error absoluto ya que es la más intuitiva a la hora de determinar cuánto error se ha cometido en la estimación realizada, independientemente de si se ha sobreestimado o subestimado el valor en cuestión.

Para determianar el mejor punto, se han implementado los siguientes tres programas:

- En el primero se ha medido el valor en el punto izquierdo y el error por defecto.
- En el segundo se ha medido el valor en el punto medio y el error en el punto medio.

• En el tercero se ha medido el valor en el punto derecho y el error por exceso.

Cabe destacar que el número de intervalos se ha fijado en 10000000. Más adelante se determinará cuál es el número de intervalos más adecuado.

Los resultados que se han obtenido han sido los siguientes:

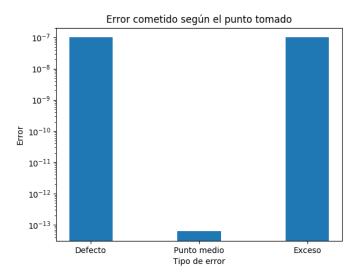


Figura 1: Error cometido en la estimación según el punto donde se mide la integral, en escala logarítmica.

Como se puede ver en la figura 1, el error por defecto y por exceso es casi el mismo mientras que error en el punto medio es el menor de los tres. Este resultado es completamente lógico, ya que al tomar el punto izquierdo se sobreestima el valor de la integral mientras que al tomar el derecho se subestima. Al tomar el punto medio se equilibra el error que se comete tanto por la derecha como por la izquierda, haciendo por tanto que la medida sea más precisa.

4. Estimación del número de intervalos

Una vez que hemos determinado dónde medir el valor de la integral, vamos a ver cuántos intervalos debemos utilizar. Vamos a probar algunos valores y veremos cómo va evolucionando el error a medida que se incrementa el número de intervalos. Adicionalmente, vamos a medir también cuánto tarda el cómputo para ir controlando que no nos excedamos de un límite de 10 segundos.

El número de intervalos que se han probado han sido 100000, 1000000, 10000000, 100000000, 1000000000 y 2000000000, y los resultados obtenidos son los siguientes:

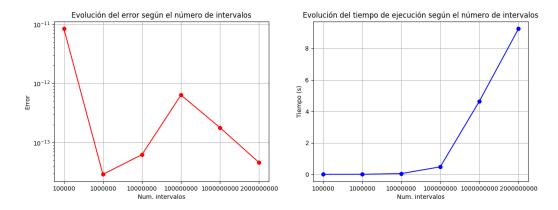


Figura 2: Evolución del error y del tiempo de ejecución según el número de intervalos.

Tal y como podemos ver en la figura 2, el error tiene un comportamiento irregular a medida que va aumentando el número de intervalos. Empieza bajando, pero al llegar a los 1000000 de intervalos comienza a crecer de nuevo. A partir de los 10000000 de intervalos empieza a decrecer de nuevo, y parece que sigue esa tendencia hasta el final.

El tiempo de ejecución, por otra parte, tiene un comportamiento más regular y estable. A medida que se van aumentando el número de intervalos, el tiempo de ejecución va aumentando, aunque en todo momento se mantiene por debajo de los 10 segundos.

Para elegir el mejor intervalo nos hemos fijado tanto en el tiempo de ejecución como en el error obtenido. En este caso hemos elegido que se utilicen 1000000000 **intervalos de cálculo**, ya que con menos el tiempo de ejecución es muy pequeño y no merecería la pena paralelizar, y con más, el tiempo se acerca demasiado al límite de 10 segundos que hemos impuesto. Por tanto, se ha escogido la opción que presenta un equilibrio entre el tiempo de ejecución (algo grande pero no en exceso) y el error obtenido (un error de aproximadamente 10^{-13} está bastante bien).

5. Paralelización del algoritmo

Una vez que hemos determinado el punto en el que calcular la integral y cuántos intervalos utilizar, vamos a paralelizar el algoritmo partiendo de la versión secuen-

cial de este. Vamos a ejecutarlo luego para 1, 2, 3 y 4 procesos y vamos a obtener los tiempos de inicialización, cálculo y recepción de resultados en cada caso. Vamos a repetir cada ejecución tres veces y obtendremos un tiempo medio junto con su desviación típica.

5.1. Versión paralela del algoritmo

La versión paralela del algoritmo secuencial utilizando MPI se puede ver a continuación:

```
#include <stdio.h>
#include <stdlib.h>
3 #include <math.h>
4 #include <omp.h>
5 #include "mpi.h"
7 #define PI 3.141592653589793238462643
9 int main(int argc, char * argv[]) {
      double width, pi, sum, x;
10
      int intervals, i, myid, numprocs;
11
      double t, t_ini, t_comp, t_reduce;
12
13
      intervals = atoi(argv[1]);
14
      width = 1.0 / intervals;
15
16
17
      t = omp_get_wtime();
18
      MPI_Init(&argc, &argv);
      MPI_Comm_size(MPI_COMM_WORLD, &numprocs);
20
      MPI_Comm_rank(MPI_COMM_WORLD, &myid);
21
22
      if (myid == 0)
23
      {
24
           t_ini = omp_get_wtime() - t;
25
           t = omp_get_wtime();
26
27
      // Initialize sum
29
30
      sum = 0.0;
31
      // Do computation
32
      for (i = myid; i < intervals; i += numprocs)</pre>
33
34
           x = (i + 0.5) * width;
35
           sum += 4.0 / (1.0 + x * x);
36
37
39
      sum *= width;
      if (myid == 0)
```

```
t_comp = omp_get_wtime() - t;
43
           t = omp_get_wtime();
44
45
46
       // Reduce all values into pi
47
      MPI_Reduce(&sum, &pi, 1, MPI_DOUBLE, MPI_SUM, 0, MPI_COMM_WORLD)
48
49
       if (myid == 0)
51
      {
52
           t_reduce = omp_get_wtime() - t;
53
54
      MPI_Finalize();
55
56
       if (myid == 0)
57
58
           printf("Number of intervals: %d\n", intervals);
           printf("PI is %0.24f\n", PI);
           printf("Estimation of PI is %0.24f\n", pi);
           printf("Error: %0.24f\n", fabs(PI - pi));
62
           printf("Initialization time: %f seconds\n", t_ini);
63
           printf("Computation time: %f seconds\n", t_comp);
64
           printf("Reduce time: %f seconds\n", t_reduce);
65
66
67
      return 0;
68
69 }
```

Lo primero que se hace es inicializar MPI (líneas 19-21), obteniendo el tamaño del comunicador y el rango de cada proceso. Después se hacen los cálculos y en la línea 48 se produce la recepción de los resultados, agrupando las sumas parciales en la variable de salida pi. En la línea 55 se finaliza la sección paralela llamando a MPI_Finalize(). Una vez que se acaba, se muestran los resultados obtenidos y los tiempos medidos.

5.2. Tiempos obtenidos

Una vez compilado el código anterior, se ha ejecutado siguiendo las especificaciones anteriormente dadas. En la siguiente tabla se pueden ver los tiempos que se han obtenido:

	Núm. procesos	Tiempo 1 (s)	Tiempo 2 (s)	Tiempo 3 (s)	Media	Desviación
Tiempo	1	0.010941	0.009968	0.010388	0.01043233	0.00039846
de	2	0.012234	0.011471	0.011520	0.01174167	0.00034871
inicialización	3	0.011469	0.012901	0.011492	0.011954	0.0006697
IIIICializacion	4	0.014823	0.047699	0.023243	0.02858833	0.01394363
Tiempo	1	4.130078	4.128992	4.129614	4.12956133	0.00044492
de	2	2.065498	2.065162	2.067519	2.06605967	0.00104098
cómputo	3	1.418354	1.418547	1.418820	1.41857367	0.00019118
computo	4	1.096716	1.146678	1.097349	1.113581	0.02340454
Tiempo	1	0.000004	0.000006	0.000007	$5.666666667 \times 10^{-6}$	$1.24721913 \times 10^{-6}$
de	2	0.000107	0.000122	0.000133	$1.20666667 \times 10^{-4}$	$1.06562449 \times 10^{-5}$
recepción	3	0.000122	0.000134	0.000026	$9.40000000 \times 10^{-5}$	4.83321839×10^{-5}
reception	4	0.000287	0.000030	0.000027	$1.14666667 \times 10^{-4}$	$1.21864223 \times 10^{-4}$

Cuadro 1: Resultados de cada ejecución junto con sus valores medios y desviación típica.

Según los resultados obtenidos, vemos que el tiempo de inicialización es, en general, más o menos igual en todos los casos, salvo en el caso en el que se utilizan 4 procesos, donde los tiempos individuales y el medio son algo superiores. Vemos también que en la mayoría de casos hay poca variabilidad en los tiempos ya que la desviación típica es pequeña, menos en el caso de 4 procesos, donde existe algo más de variabilidad y la desviación es algo mayor. Esta variación podría deberse a que, al estar en una subred de máquinas interconectadas, en algún momento alguna de las máquinas podría haber tenido una mayor carga, lo cuál se podría haber traducido en que se tardase más en preparar el entorno de ejecución. A pesar de todo esto, los tiempos de inicialización son, en general, pequeños, y representan una parte pequeña de todo el tiempo de ejecución. Estos tiempos son tan pequeños porque estamos trabajando con muy pocos procesos (4 a lo sumo). En caso de tener que crear más procesos sí que se hubiese podido notar algo más el tiempo de inicialización, pero en casos tan pequeños es casi despreciable. Esta evolución se puede ver mejor en la siguiente figura:



Figura 3: Evolución del tiempo de inicialización.

Si ahora analizamos el tiempo de cómputo, vemos que los tiempos obtenidos son bastante estables en general, ya que las desviaciones típicas son bastante pequeñas, y por tanto, no hay mucha variabilidad en los resultados. Si analizamos los tiempos medios, vemos que existe una clara tendencia a que vayan decreciendo a medida que se van aumentando el número de procesos. Este comportamiento es el esperado, ya que al tener más procesos, menos iteraciones del bucle va a tener que realizar cada uno de ellos, con lo cuál el tiempo de ejecución será menor. El descenso del tiempo de cómputo es muy pronunciado cuando se pasa de un proceso a dos. No obstante, cuando se siguen aumentando el número de procesos el tiempo de cómputo no desciende tan bruscamente, si no que lo hace de forma más suave. Este comportamiento puede verse en la siguiente figura:

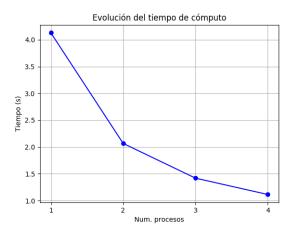


Figura 4: Evolución del tiempo de cómputo en función del número de procesos.

Como podemos ver, el ratio con el que desciende el tiempo de cómputo a medida que se van aumentando el número de procesos parece que se va suavizando. Muy posiblemente, si probásemos con más procesos, podríamos llegar a observar cómo el tiempo de cómputo se estanca y no mejora.

Por último, si observamos el tiempo de recepción de resultados, vemos que en el caso de un solo proceso es casi despreciable, ya que al haber solo un proceso, no hay que esperar a que ninguno otro se sincronice con este para recibir los datos. En los casos en los que hay más de un proceso vemos que el tiempo de recepción no sigue un patrón claro ya que no existe una tendencia a crecer o a decrecer tal y como pasaba con el tiempo de cómputo. Observamos también que existe cierta variabilidad en los tiempos obtenidos ya que la desviación típica tiene un valor bastante grande aunque estemos tratando con tiempos muy pequeños. La variabilidad puede deberse a que algún proceso es algo más lento alguna de las veces, con lo cuál los demás lo tienen que esperar para poder mandar los valores

que han calculado (recordemos que MPI_Reduce() es bloqueante).

El comportamiento anteriormente mencionado del tiempo de recepción se puede ver a continuación:

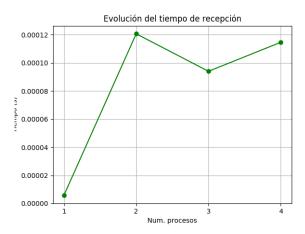


Figura 5: Evolución del tiempo de recepción de resultados en función del número de procesos.

Si observamos todos los tiempos medios de forma conjunta, nos encontramos ante lo siguiente:

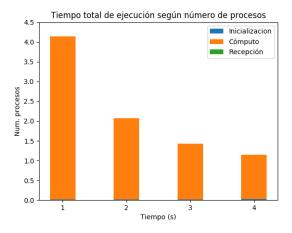


Figura 6: Tiempos medios de inicialización, cómputo y recepción de forma conjunta para cada número de procesos.

Vemos que en líneas generales la mayor parte del tiempo total de ejecución está

en la parte de cómputo. Los tiempos de recepción son casi despreciables, tanto que incluso no se ven muy bien. Los tiempos de inicialización también son casi despreciables, aunque en el caso en el que se utilizan 4 procesos sí que se nota algo más. Si tenemos en cuenta lo que hemos explicado anteriormente, puede que al ir incrementando el número de procesos el tiempo de cómputo llegue a estancarse en algún punto, mientras que el de inicialización posiblemente vaya a ir subiendo a medida que se utilicen más procesos. Por tanto, es importante hacer un estudio del tiempo de ejecución a medida que se van incrementando el número de procesos para determinar cuál es el número ideal de estos.

6. Ganancia obtenida

Una vez que hemos estudiado los tiempos que hemos obtenido al paralelizar el código, vamos a estudiar qué ganancia hemos obtenido en cada caso. A continuación se ofrece una tabla con las ganancias, junto con una gráfica que muestra la evolución de esta en función del número de procesos:

Num. procesos	Ganancia
1	1
2	1.99237475
3	2.89384638
4	3.62431701

Cuadro 2: Ganancia en velocidad en función del número de procesos.

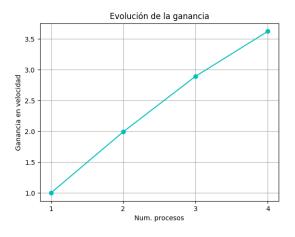


Figura 7: Evolución de la ganancia en velocidad según el número de procesos.

Para calcular la ganancia se han sumado los tiempos medios de inicialización, cómputo y recepción de resultados, de manera que se ha obtenido el tiempo de ejecución completo. Una vez hecho esto, se ha calculado la ganancia como:

$$S(n) = \frac{T(1)}{T(n)} \tag{2}$$

donde T(1) es el tiempo de un único proceso y T(n) el tiempo con n procesos.

Según podemos ver, la ganancia tiene al principio un valor que se aproxima al del número de procesos, dando la impresión de que crece linealmente. No obstante, a medida que se van aumentando el número de procesos vemos que la ganancia se va quedando bastante por debajo de dicho número. Por tanto, de aquí podemos deducir que la ganancia no es lineal al número de procesos, sino que se queda por debajo de esta. Si siguiésemos probando con más procesos, veríamos como la ganancia se va quedando cada vez más y más por debajo de la lineal. Por tanto, llegaría un momento en el que añadir más procesos no aportaría ninguna mejora; es más, podría incluso llegar a empeorar los tiempos si se tienen en cuenta tiempos de creación y de comunicación.

De esta forma, podemos decir que la ganancia está acotada a un valor máximo, aunque tendríamos que o bien seguir probando con más procesos o bien hacer un estudio teórico para determinar cuál es ese valor.

7. Conclusiones

En esta práctica hemos partido de un algoritmo secuencial para el cálculo de π y al estudiarlo hemos visto que puede ser paralelizado, ya que el bucle del cálculo puede ser fácilmente repartido entre distintos procesos.

Hemos implementado una versión paralela de este y, tras hacer algunas pruebas y un estudio, hemos visto que el tiempo de cálculo se va reduciendo a medida que se utilizan más procesos. Sin embargo, al haber estudiado la ganancia al paralelizar el algoritmo, hemos visto que esta está acotada, ya que la ganancia no es lineal. Por tanto, llegaría un punto en el que no obtendríamos una mejora significativa del tiempo de cómputo a pesar de estar utilizando muchos procesos.

De esta forma, debemos escoger cuidadosamente el número de procesos que queremos utilizar debido a que en caso de escoger demasiados podríamos tener consecuencias no deseadas, como por ejemplo un *overhead* por comunicación o por la creación de los procesos.