

```
In [ ]: import pandas as pd
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
pd.options.display.max_columns = None
```

LA GRAN PANDEMIA

ABSTRACT

Durante decadas y hasta siglos la humanidad ha estado luchando contra enfermedades infecciones capaces de llegar a ser pandemias o epidemias. Miles tratan de entender como es su funcionamiento y como se comportan en una poblacion. El desafio para la lucha contra estas enfermedades es saber de ante mano el comportamiento que va a tener la misma en la poblacion, su ciclo de vida, su capacidad de contagio, su capacidad de propagacion, su capacidad de mutacion, etc. Tambien es importante saber como se comporta la poblacion ante la enfermedad, como se comportan los individuos, como se comportan los grupos, como se comportan las familias, etc.

Otro de los objetivos es poder saber con antelacion su capacidad de producir la muerte en los individuos infectados. Esto es particularmente importante para mejorar la eficiencia en la medidas que se puede tomar para combatir la enfermedad.

La pandemia de COVID-19 fue la primer gran pandemia donde pudimos recolectar una gran cantidad de informacion. Es la primera vez en la historia de la humanidad donde se pudo rastrear y hacer seguimiento al curso de la enfermedad en millones de personas alrededor del mundo. Esta gran cantidad de datos nos permiten analizar y descubrir como se comportan las enfermedades cuando se propagan en una poblacion. Con esta gran cantidad de datos hoy puedes predecir con mayor exactitud el comportamiento de la enfermedad. Intentaremos en este trabajo poder empezar a comprender uno de los aspectos mas criticos que es su mortalidad.

HIPOTESIS

El dataset elegido fue creado por el estado de Mexico, el cual contiene informacion de pacientes que fueron diagnosticados con COVID-19. El dataset contiene 21 columnas y 1,048,576 filas. Las columnas son las siguientes:

contenido del data set COVID

The dataset was provided by the Mexican government ([link](#)). This dataset contains an enormous number of anonymized patient-related information including pre-conditions. The raw dataset consists of 21 unique features and 1,048,576 unique patients. In the Boolean features, 1 means "yes" and 2 means "no". values as 97 and 99 are missing data.

- sex: 1 for female and 2 for male.
- age: of the patient.
- classification: covid test findings. Values 1-3 mean that the patient was diagnosed with covid in different degrees. 4 or higher means that the patient is not a carrier of covid or that the test is inconclusive.
- patient type: type of care the patient received in the unit. 1 for returned home and 2 for hospitalization.
- pneumonia: whether the patient already have air sacs inflammation or not.
- pregnancy: whether the patient is pregnant or not.
- diabetes: whether the patient has diabetes or not.
- copd: Indicates whether the patient has Chronic obstructive pulmonary disease or not.
- asthma: whether the patient has asthma or not.
- inmsupr: whether the patient is immunosuppressed or not.
- hypertension: whether the patient has hypertension or not.
- cardiovascular: whether the patient has heart or blood vessels related disease.
- renal chronic: whether the patient has chronic renal disease or not.
- other disease: whether the patient has other disease or not.
- obesity: whether the patient is obese or not.

- tobacco: whether the patient is a tobacco user.
- usmr: Indicates whether the patient treated medical units of the first, second or third level.
- medical unit: type of institution of the National Health System that provided the care.
- intubed: whether the patient was connected to the ventilator.
- icu: Indicates whether the patient had been admitted to an Intensive Care Unit.
- date died: If the patient died indicate the date of death, and 9999-99-99 otherwise.

Mediante la utilizacion de los distintos datos que nos presenta el dataset, se puede realizar una serie de hipotesis que nos permitiran analizar el comportamiento de los datos y asi poder realizar una prediccion de los mismos. Se tratara de encontrar mediante regresion LINEAL la relacion entre las diferentes enfermedades preexistentes y los distintos grados de avance de la enfermedad, desde lo mas leve a los mas grave y finalmente la muerte. Tambien se analizara la relacion entre el sexo y la edad de los pacientes, asi como la relacion entre el tipo de paciente y el tipo de unidad medica en la que fue atendido. Esto ayudara a poder adaptar los tratamientos y cuidados de los pacientes de acuerdo a las necesidades de cada uno de ellos.

Preguntas a responder:

- ¿Cual es la relacion entre las diferentes enfermedades preexistentes y los distintos grados de avance de la enfermedad?
- ¿Cual es la relacion entre el sexo y la edad de los pacientes?
- ¿Cual es la relacion entre el tipo de paciente y el tipo de unidad medica en la que fue atendido?

```
In [ ]: #dataset normalizado y limpio  
  
df_covid = pd.read_csv('./Covid_clean.csv')
```

```
In [ ]: df_covid.head()
```

Out[]:

	USMER	MEDICAL_UNIT	SEX	PATIENT_TYPE	DATE_DIED	PNEUMONIA	AGE	DIABETES	COPD	ASTHMA	INMSUPR	HIPERTI
0	2	1	1	1	03/05/2020	1.0	65.0	2.0	2.0	2.0	2.0	
1	2	1	2	1	03/06/2020	1.0	72.0	2.0	2.0	2.0	2.0	
2	2	1	2	2	09/06/2020	2.0	55.0	1.0	2.0	2.0	2.0	
3	2	1	1	1	12/06/2020	2.0	53.0	2.0	2.0	2.0	2.0	
4	2	1	2	1	21/06/2020	2.0	68.0	1.0	2.0	2.0	2.0	

In []: *#imprimir unicos de cada columna excepto fecha*

```
for col in df_covid.columns:
    if col != 'DATE_DIED':
        print(col, df_covid[col].unique())
```

```

USMER [2 1]
MEDICAL_UNIT [ 1  2  3  4  5  6  7  8  9 10 11 12 13]
SEX [1 2]
PATIENT_TYPE [1 2]
PNEUMONIA [1. 2.]
AGE [ 65.  72.  55.  53.  68.  40.  64.  37.  25.  38.  24.  30.  48.  23.
      80.  61.  54.  59.  45.  26.  32.  49.  39.  27.  57.  20.  56.  47.
      50.  46.  43.  28.  33.  16.  62.  58.  36.  44.  66.  52.  51.  35.
      19.  90.  34.  22.  29.  14.  31.  42.  15.   0.  17.  41.   2.  10.
       1.  12.   4.   7.   6.   8.  60.   5.  13.  63.  75.  81.  67.  18.
      70.  88.  85.  92.  73.  74.  78.  76.  82.  77.  86.  71.  95.  87.
      83.  84.  79.  69.  89.   3.  93. 100.  91.  21. 103.  11.   9.  94.
      96. 101. 107. 102. 109. 116. 105. 111. 104. 114. 120. 106. 110. 118.
     117. 121. 108. 115. 119. 113.]
DIABETES [2. 1.]
COPD [2. 1.]
ASTHMA [2. 1.]
INMSUPR [2. 1.]
HIPERTENSION [1. 2.]
OTHER_DISEASE [2. 1.]
CARDIOVASCULAR [2. 1.]
OBESITY [2. 1.]
RENAL_CHRONIC [2. 1.]
TOBACCO [2. 1.]
CLASIFFICATION_FINAL [3 5 7 6 1 2 4]
fallecidos [1 2]

```

```

In [ ]: #remove CLASIFFICATION_FINAL mayor a 3
df_covid = df_covid[df_covid['CLASIFFICATION_FINAL'] <= 3]

```

```

In [ ]: df_covid.shape

```

```

Out[ ]: (388752, 19)

```

```

In [ ]: df_covid.info()

```

```

<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
Int64Index: 388752 entries, 0 to 1024372
Data columns (total 19 columns):
 #   Column                Non-Null Count  Dtype
---  -
 0   USMER                  388752 non-null int64
 1   MEDICAL_UNIT           388752 non-null int64
 2   SEX                    388752 non-null int64
 3   PATIENT_TYPE           388752 non-null int64
 4   DATE_DIED              388752 non-null object
 5   PNEUMONIA              388752 non-null float64
 6   AGE                    388752 non-null float64
 7   DIABETES               388752 non-null float64
 8   COPD                   388752 non-null float64
 9   ASTHMA                 388752 non-null float64
10   INMSUPR                388752 non-null float64
11   HIPERTENSION           388752 non-null float64
12   OTHER_DISEASE          388752 non-null float64
13   CARDIOVASCULAR         388752 non-null float64
14   OBESITY                388752 non-null float64
15   RENAL_CHRONIC          388752 non-null float64
16   TOBACCO                388752 non-null float64
17   CLASIFFICATION_FINAL   388752 non-null int64
18   fallecidos             388752 non-null int64
dtypes: float64(12), int64(6), object(1)
memory usage: 59.3+ MB

```

El dataset cuenta con las enfermedades y otros factores previos al contagio del COVID, así como el tipo de atención médica que recibió el paciente, si fue hospitalizado o no, si fue intubado o no, si falleció o no, y la fecha de fallecimiento. Con estos datos se puede analizar la relación entre las enfermedades previas y el resultado del COVID, así como la relación entre el tipo de atención médica y el resultado del COVID. Se intentara predecir si el paciente falleció o no, y si fue intubado o no, con base en las enfermedades previas y el tipo de atención médica que recibió.

OBJETIVOS

El objetivo es poder comprender el comportamiento de la enfermedad para permitir la aplicacion de distintos tratamientos y la aplicacion de sistemas de triage para poder atender a los pacientes de acuerdo a sus necesidades. Reduciendo tiempos de espera, tiempos de tratamiento y tiempos de recuperacion. Esto se va a intentar mediante la prediccion de la mortalidad de los pacientes. Lo que va a permitir hacer mas eficiente y efectivo el uso de los recursos disponibles.

Graficas / EDA

Vamos a empezar a analizar las distintas variables para poder tener una aproximacion de como se comportan los datos y poder hacer un analisis mas profundo mediante la hipotesis de que enfermedades previas al COVID pueden influir en el resultado del desarrollo de la enfermedad.

In []:

fallecidos por sexo

En la siguiente grafica se puede observar que el numero de fallecidos es mayor en el sexo masculino, esto puede deberse a que los hombres son mas propensos a tener enfermedades preexistentes que las mujeres, como diabetes, hipertension, etc.

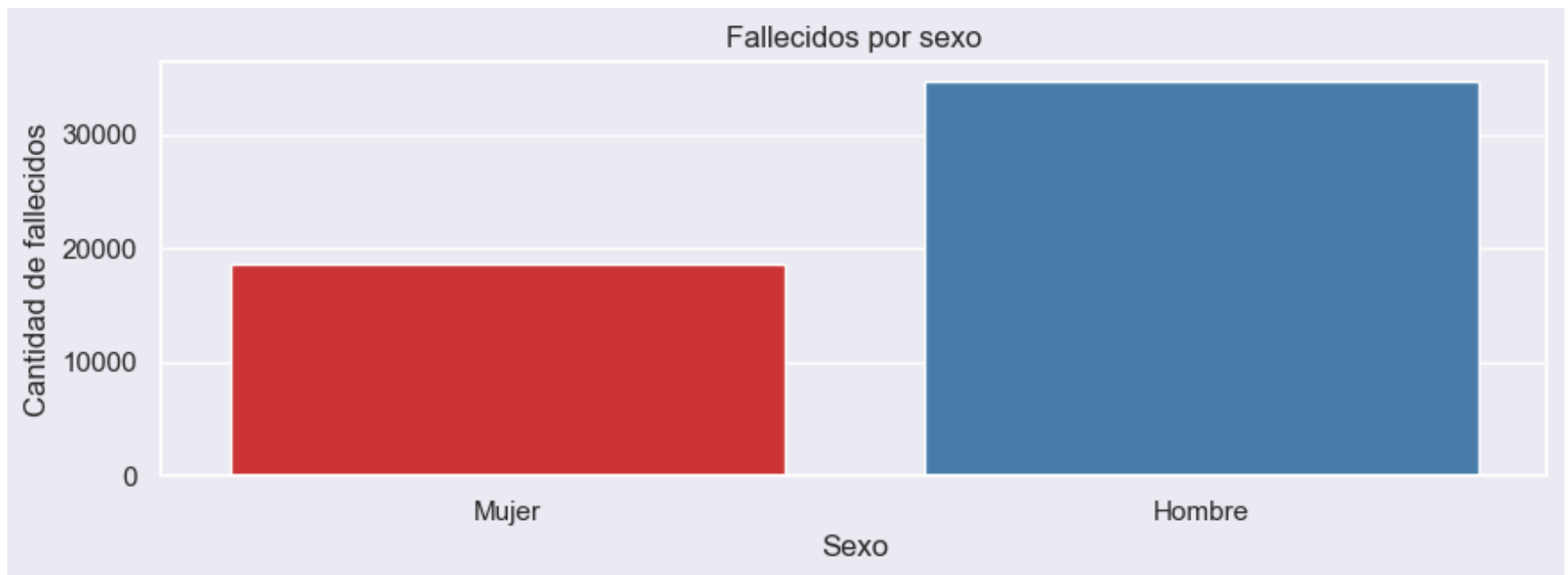
In []:

```
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})

fig, ax = plt.subplots(figsize=(10, 3))
bar = sns.countplot(x='SEX', data=df_covid[df_covid['DATE_DIED'] != "9999-99-99"], palette='Set1')
bar.set_xticklabels(['Mujer', 'Hombre'])
bar.set_title('Fallecidos por sexo')
bar.set_xlabel('Sexo')
bar.set_ylabel('Cantidad de fallecidos')
```

```
# cambiamos colores de fondo y de lienzo
```

```
plt.show()
```



fallecidos por sexo y edad

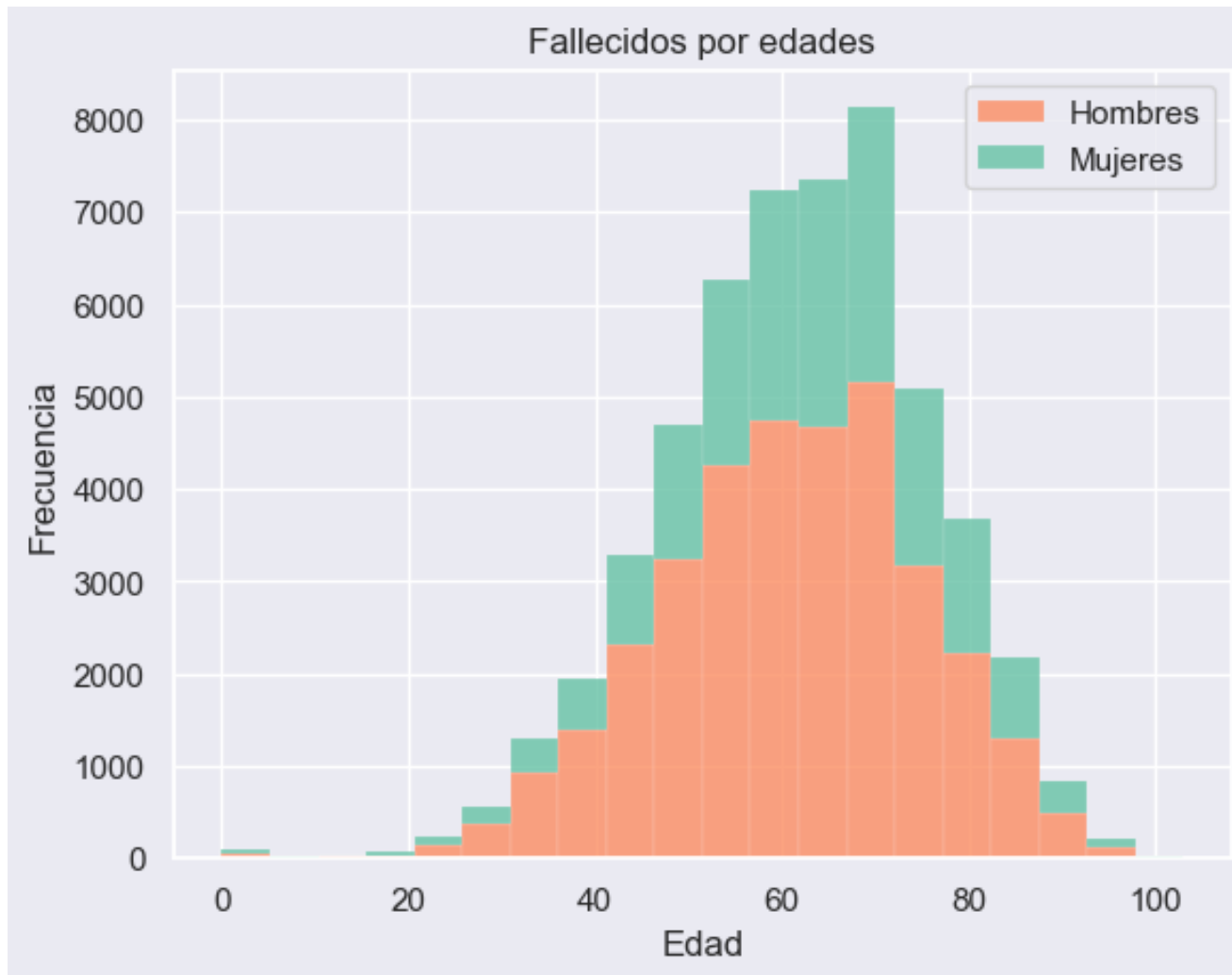
En la grafica se observan los fallecidos por edad y por sexo. Se puede observar que la mayoría de los fallecidos son hombres, y que la mayoría de los fallecidos son mayores de 60 años.


```
In [ ]: # hacemos un gráfico de barras para ver la cantidad de fallecidos por sexo y mostramos la mediana de ambos grupos

bar = sns.histplot(data=df_covid[df_covid['DATE_DIED'] != "9999-99-99"], x='AGE', hue="SEX", palette="Set2",

bar.set(xlabel='Edad', ylabel='Frecuencia', title='Fallecidos por edades')
bar.legend(['Hombres', 'Mujeres'])
```

```
Out[ ]: <matplotlib.legend.Legend at 0x21d43097880>
```



```
In [ ]: # grafico de distribucion de fallecidos mujeres y marcamos la mediana mostrando su valor pero no mostramos el
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
hombres = df_covid[df_covid['SEX'] == 1]

hombres = hombres[hombres['fallecidos'] == 1]

hombres['AGE'].median()
```

```
bar = sns.kdeplot(data=hombres, x='AGE', fill=True, color='red')
bar.set(xlabel='Edad', ylabel='Frecuencia', title='Fallecidos mujeres')

plt.axvline(hombres['AGE'].median(), color='blue', linestyle='--', label='Mediana')
plt.text(hombres['AGE'].median() + 1, 0.01, hombres['AGE'].median(), rotation=90, color='blue')
plt.legend()
```

Out[]: <matplotlib.legend.Legend at 0x21d0234fd00>



```
In [ ]: # grafico de distribucion de fallecidos hom,bres y marcamos la mediana mostrando su valor
sns.set(rc={'axes.facecolor': '#EAEAF2', 'figure.facecolor': '#EAEAF2'})
hombres = df_covid[df_covid['SEX'] == 2]

hombres = hombres[hombres['fallecidos'] == 1]

hombres['AGE'].median()

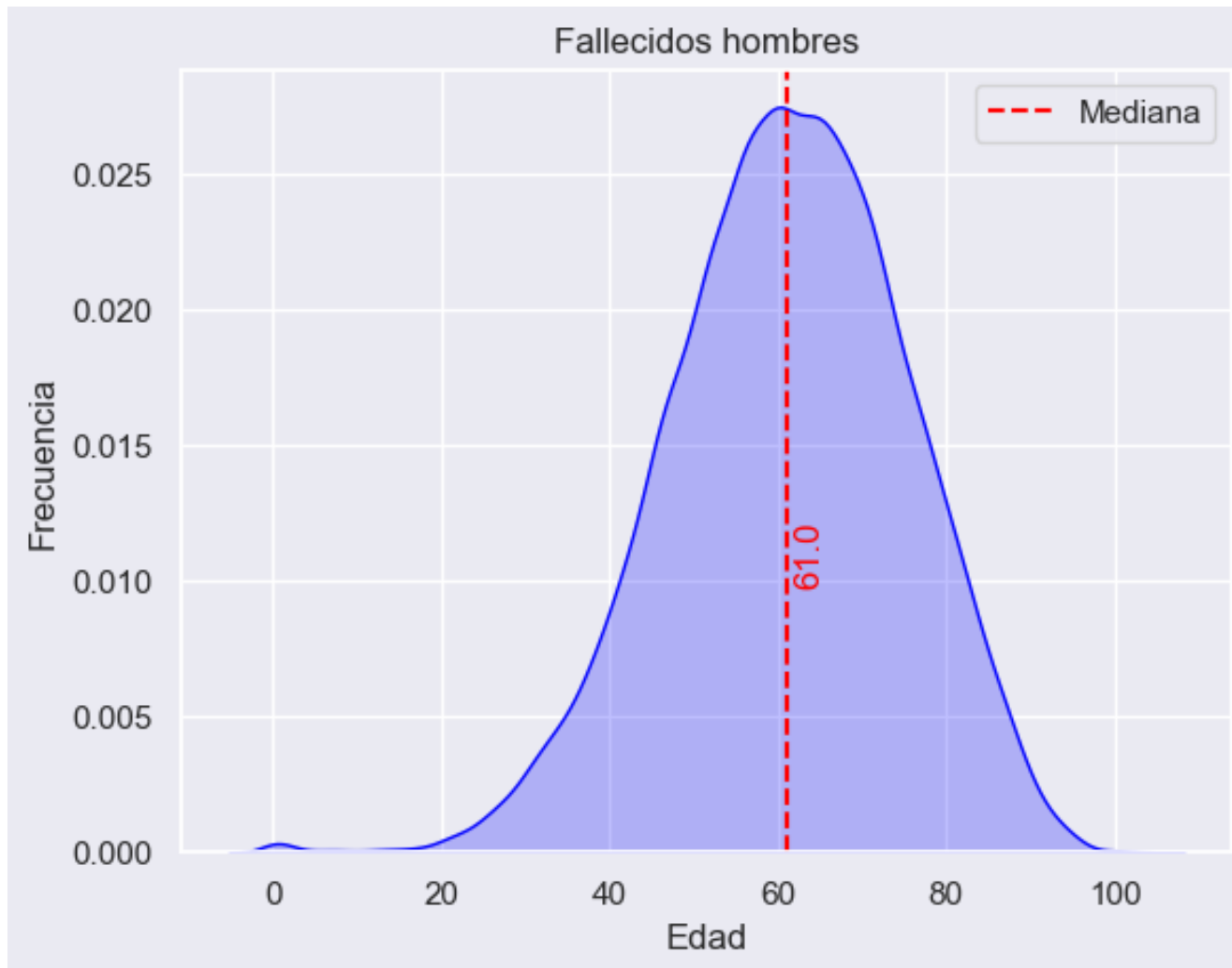
bar = sns.kdeplot(data=hombres, x='AGE', fill=True, color='blue')

bar.set(xlabel='Edad', ylabel='Frecuencia', title='Fallecidos hombres')

plt.axvline(hombres['AGE'].median(), color='red', linestyle='--', label='Mediana')
plt.text(hombres['AGE'].median() + 1, 0.01, hombres['AGE'].median(), rotation=90, color='red')

plt.legend()
```

```
Out [ ]: <matplotlib.legend.Legend at 0x21d01c71a80>
```



fallecidos por edad y enfermedades cardiovasculares

Analizamos los fallecidos por edad y con enfermedades cardiovasculares. Se puede observar que la mayoría de los fallecidos son mayores de 60 años y tienen enfermedades cardiovasculares.

```
In [ ]: # cantidad de pacientes con enfermedades cardiovasculares
```

```
df_covid['CARDIOVASCULAR'].value_counts()
```

```
Out[ ]: 2.0    380349
```

```
1.0      8403
```

```
Name: CARDIOVASCULAR, dtype: int64
```

```
In [ ]: #grafico de barras de pacientes con enfermedades cardiovasculares
```

```
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
```

```
# tamaño de la figura
```

```
plt.figure(figsize=(10, 3))
```

```
bar = sns.countplot(x='CARDIOVASCULAR', data=df_covid, palette='Set1')
```

```
bar.set_xticklabels(['SI', 'NO'])
```

```
bar.set_title('Pacientes con enfermedades cardiovasculares')
```

```
bar.set_xlabel('Enfermedades cardiovasculares')
```

```
bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')
```

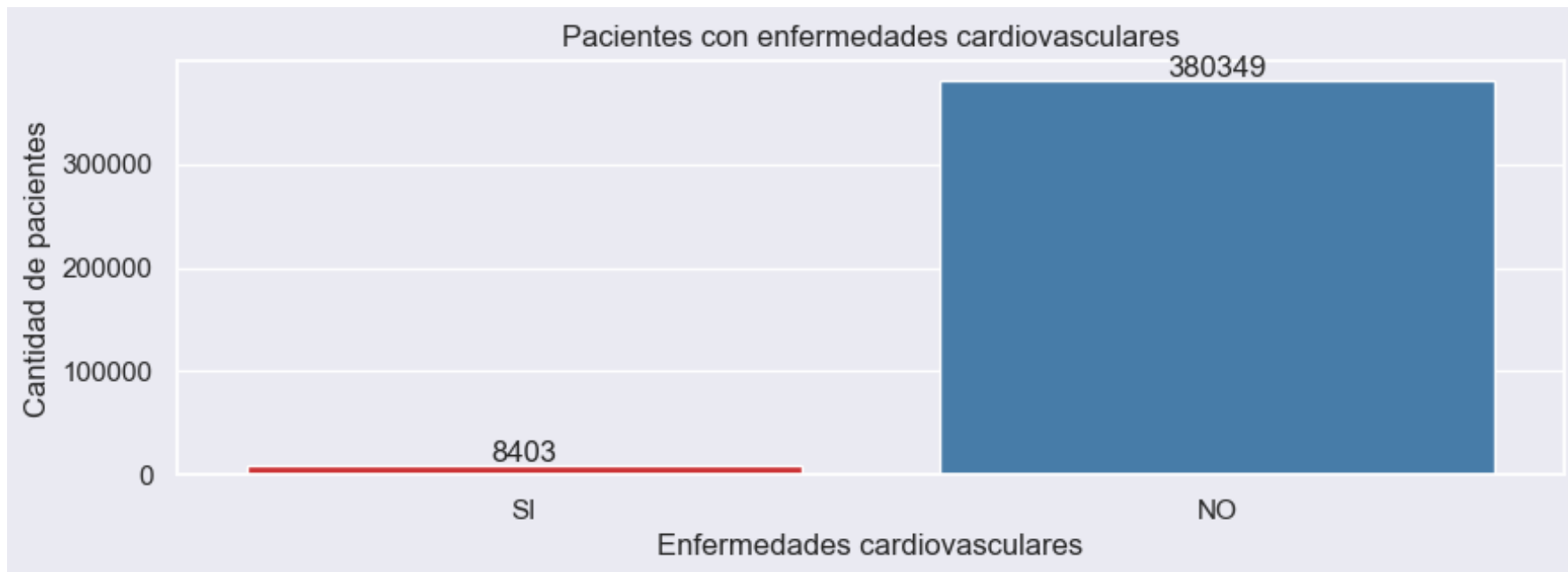
```
# agregamos valores a las columnas
```

```
for p in bar.patches:
```

```
    bar.annotate(format(p.get_height(), '.0f'), (p.get_x() + p.get_width() / 2., p.get_height()), ha = 'center')
```

```
# tamaño de la figura
```

```
plt.show()
```



```
In [ ]: # grafico de fallecidos de covid con enfermedad cardiovascular, removiendo los valores nulos
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
plt.figure(figsize=(5, 5))

df_covid = df_covid[df_covid['CARDIOVASCULAR'] != 98]
df_covid = df_covid[df_covid['CARDIOVASCULAR'] != 99]

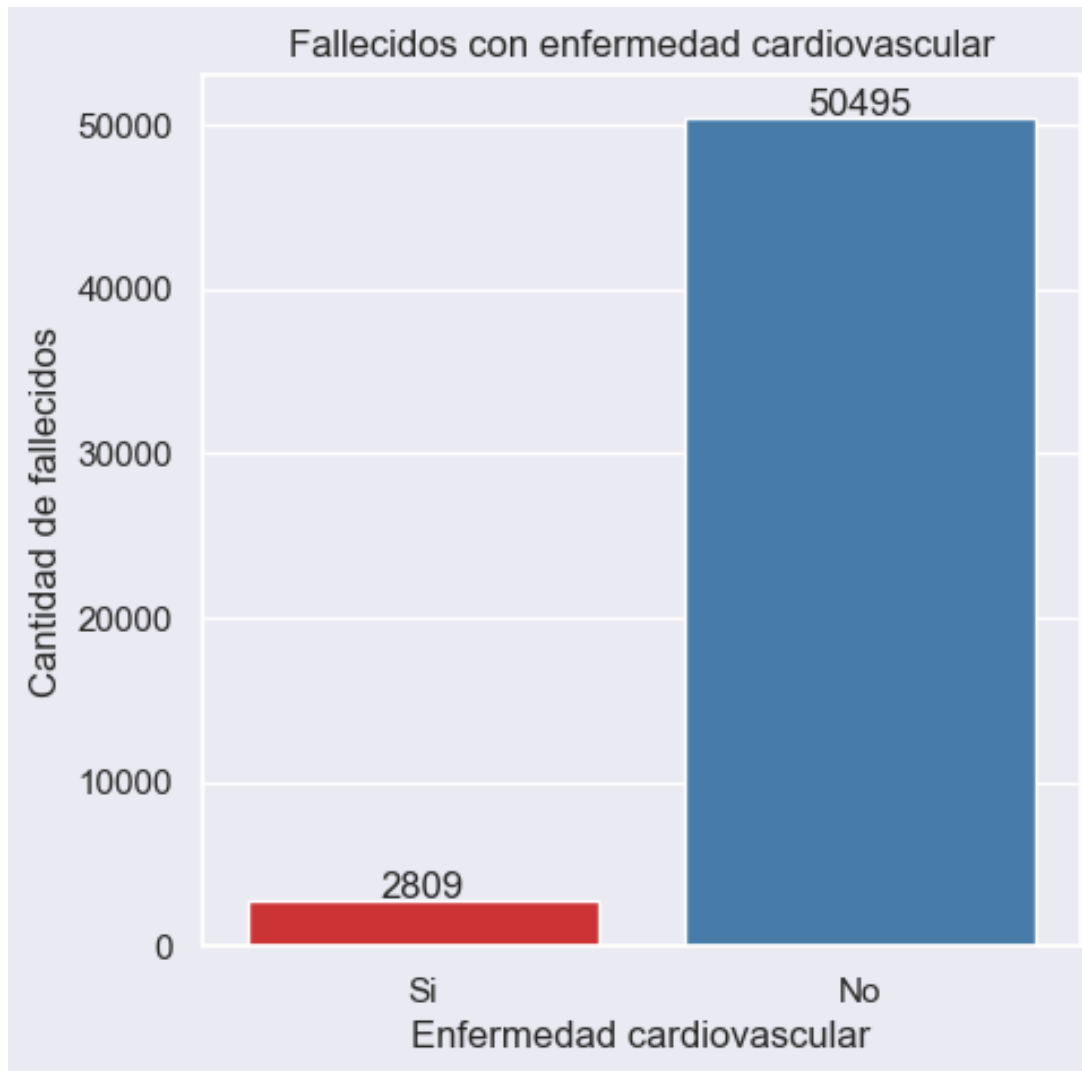
bar = sns.countplot(x='CARDIOVASCULAR', data=df_covid[df_covid['fallecidos'] == 1], palette='Set1')
bar.set_xticklabels(['Si', 'No'])
bar.set_title('Fallecidos con enfermedad cardiovascular')
bar.set_xlabel('Enfermedad cardiovascular')
bar.set_ylabel('Cantidad de fallecidos')
```

```
# mostramos los valores de cada barra
```

```
for p in bar.patches:
```

```
    bar.annotate(format(p.get_height(), '.0f'), (p.get_x() + p.get_width() / 2., p.get_height()), ha = 'cente
```

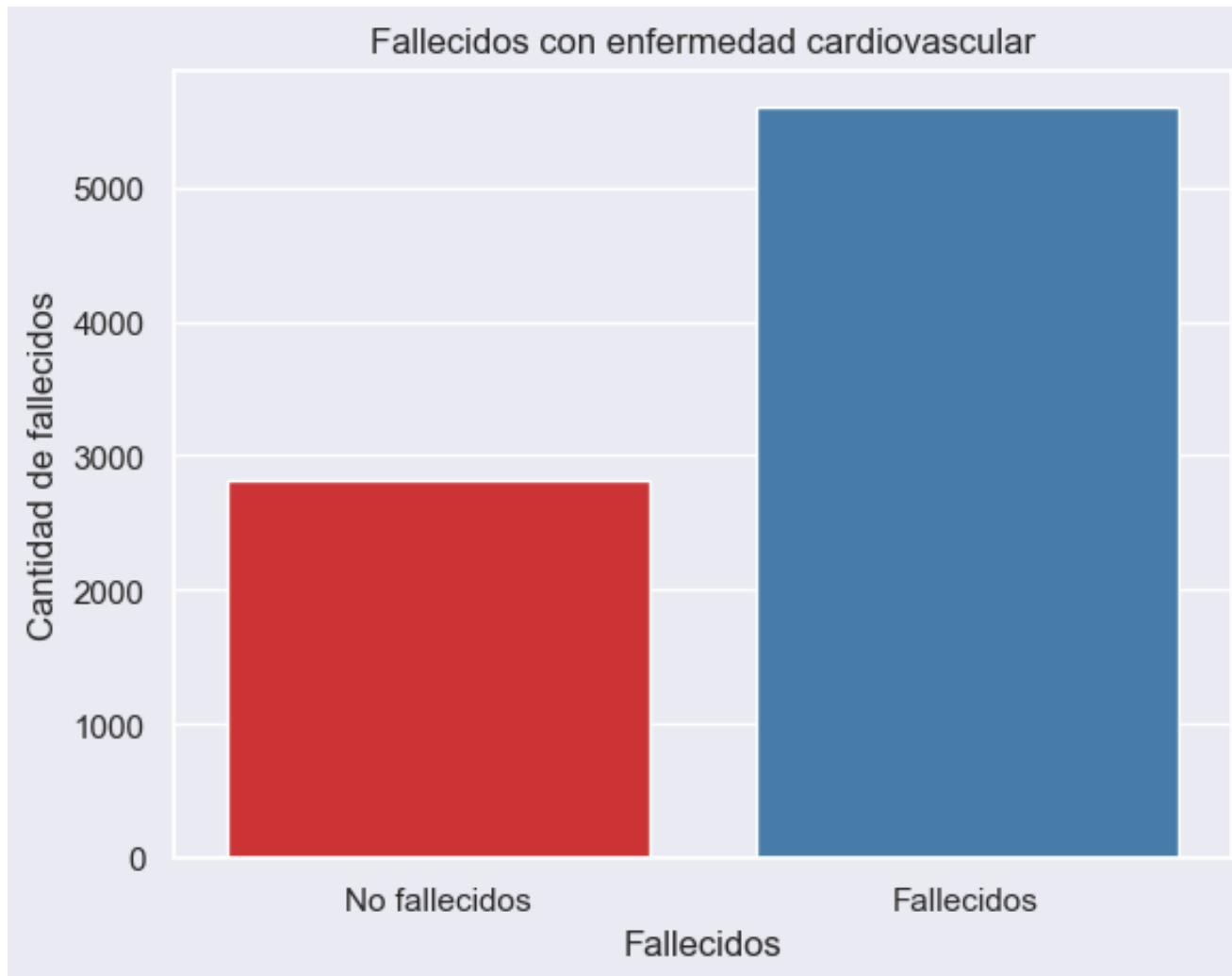
```
plt.show()
```

```
In [ ]: # grafico sobre el total de pacientes con enfermedad cardiovascular y si fallecieron o no
sns.set(rc={'axes.facecolor': '#EAEAF2', 'figure.facecolor': '#EAEAF2'})
cardio = df_covid[df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 1]

bar = sns.countplot(x='fallecidos', data=cardio, palette='Set1')
bar.set_xticklabels(['No fallecidos', 'Fallecidos'])
```

```
bar.set_title('Fallecidos con enfermedad cardiovascular')  
bar.set_xlabel('Fallecidos')  
bar.set_ylabel('Cantidad de fallecidos')  
  
plt.show()
```



```
In [ ]: # grafico de distribucion por edad de Los fallecidos con enfermedad cardiovascular y marca de la mediana  
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
```

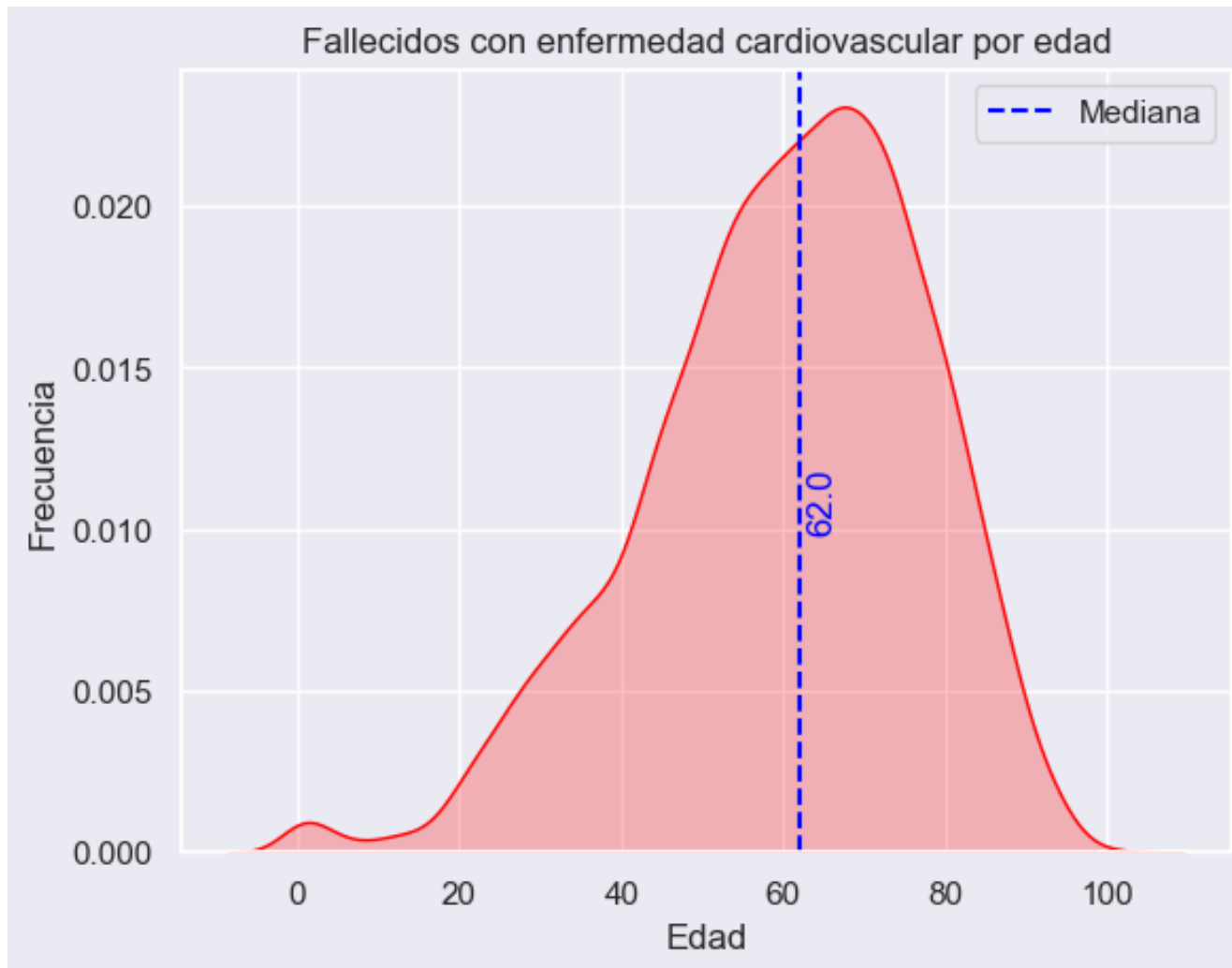
```
bar = sns.kdeplot(data=cardio, x='AGE', fill=True, color='red')

bar.set(xlabel='Edad', ylabel='Frecuencia', title='Fallecidos con enfermedad cardiovascular por edad')

plt.axvline(cardio['AGE'].median(), color='blue', linestyle='--', label='Mediana')
plt.text(cardio['AGE'].median() + 1, 0.01, cardio['AGE'].median(), rotation=90, color='blue')

plt.legend()

plt.show()
```



```
In [ ]: # boxplot de los fallecidos con enfermedad cardiovascular y su edad mostramos la mediana y mostramos la cantidad
plt.figure(figsize=(7, 5))
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
bar = sns.boxplot(data=cardio, x='AGE', color='red', orient='h', linewidth=0.5, fliersize=2, whis=1.5, palette='magma')

bar.set(xlabel='Edad', title='Fallecidos con enfermedad cardiovascular por edad')

# mostramos los valores de los cuantiles
```

```
q1 = cardio['AGE'].quantile(0.25)
# q2 = cardio['AGE'].quantile(0.5)
q3 = cardio['AGE'].quantile(0.75)

plt.text(q1 + 1, 0.1, q1, rotation=90, color='blue')

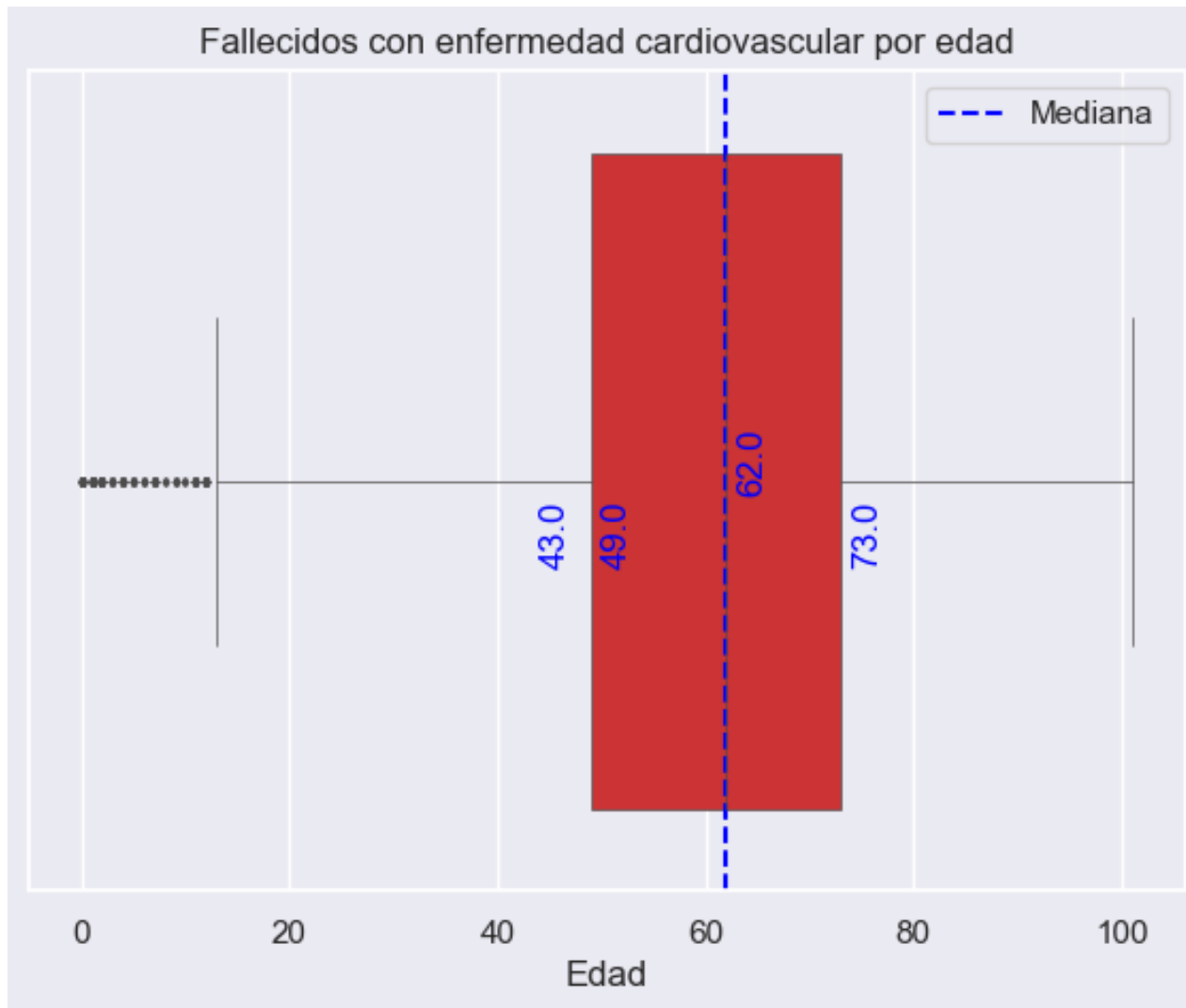
plt.text(q2 + 1, 0.1, q2, rotation=90, color='blue')

plt.text(q3 + 1, 0.1, q3, rotation=90, color='blue')

plt.axvline(cardio['AGE'].median(), color='blue', linestyle='--', label='Mediana')
plt.text(cardio['AGE'].median() + 1, 0.01, cardio['AGE'].median(), rotation=90, color='blue')

plt.legend()

plt.show()
```



In []: *# grafico de torta de los fallecidos con enfermedad cardiovascular en porcentajes*

```
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
```

pasamos los valores a si y no para poder graficar

```
cardio['fallecidos'] = cardio['fallecidos'].replace({1: 'Si', 0: 'No'})
```

```
cardio['fallecidos'].value_counts(normalize=True).plot(kind='pie', autopct='%1.1f%%', figsize=(10, 5), title=  
  
# mostramos los valores en numericos  
  
plt.show()
```

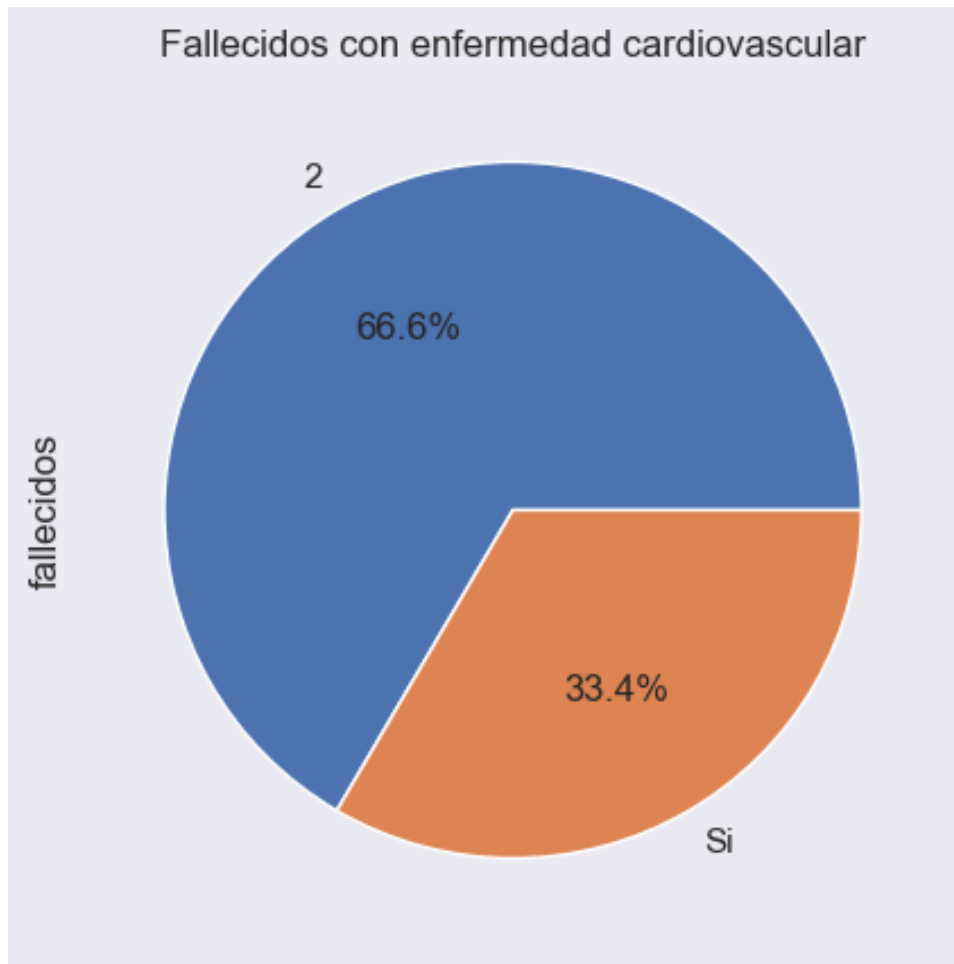
C:\Users\ismael\AppData\Local\Temp\ipykernel_8652\2303429435.py:7: SettingWithCopyWarning:

A value is trying to be set on a copy of a slice from a DataFrame.

Try using .loc[row_indexer,col_indexer] = value instead

See the caveats in the documentation: https://pandas.pydata.org/pandas-docs/stable/user_guide/indexing.html#returning-a-view-versus-a-copy

```
cardio['fallecidos'] = cardio['fallecidos'].replace({1: 'Si', 0: 'No'})
```



Del total con enfermedades cardiovasculares, sobrevivientes y fallecidos

Tomamos una enfermedad preexistente para empezar a comprender la incidencia de las mismas en el desarrollo de la enfermedad.

Comparamos el total de pacientes con enfermedades cardiovasculares y sin enfermedades cardiovasculares. Se puede observar un porcentaje mayor de fallecidos en los pacientes con enfermedades cardiovasculares.

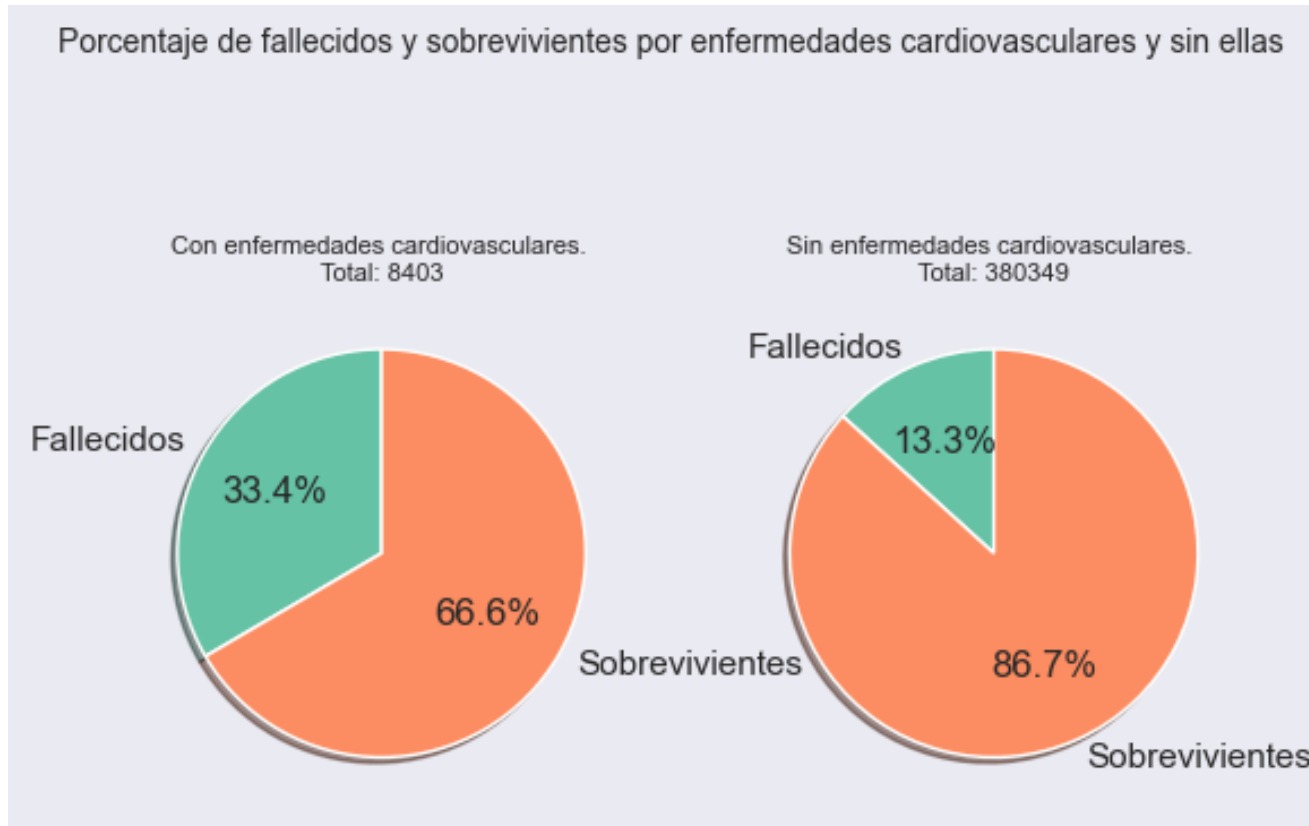

```
In [ ]: total_cardio = df_covid[df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 1]
print(total_cardio['CARDIOVASCULAR'].sum())
sin_cardio = df_covid[df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 2]
```

8403.0

```
In [ ]: fallecidos_cardio = df_covid[(df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 1) & (df_covid['DATE_DIED'] != "9999-99-99")]
sobrevivientes_cardio = df_covid[(df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 1) & (df_covid['DATE_DIED'] == "9999-99-99")]
fallecidos_sin_cardio = df_covid[(df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 2) & (df_covid['DATE_DIED'] != "9999-99-99")]
sobrevivientes_sin_cardio = df_covid[(df_covid['CARDIOVASCULAR'] == 2) & (df_covid['DATE_DIED'] == "9999-99-99")]
fig, ax = plt.subplots( ncols=2, nrows=1)
colores = sns.color_palette('Set2')
sns.set(rc={'axes.facecolor': '#EAEAF2', 'figure.facecolor': '#EAEAF2'})
ax[0].pie([len(fallecidos_cardio), len(sobrevivientes_cardio)], labels=['Fallecidos', 'Sobrevivientes'], auto
ax[0].set_title('Con enfermedades cardiovasculares. \nTotal: ' + str(len(total_cardio)), fontsize=8)

ax[1].pie([len(fallecidos_sin_cardio), len(sobrevivientes_sin_cardio)], labels=['Fallecidos', 'Sobrevivientes
ax[1].set_title('Sin enfermedades cardiovasculares. \nTotal: ' + str(len(sin_cardio)), fontsize=8)

plt.suptitle('Porcentaje de fallecidos y sobrevivientes por enfermedades cardiovasculares y sin ellas', fonts
plt.show()
```



Mapa de calor para ver la correlacion entre las variables y sus posibles incidencias en el resultado del COVID

Generamos un mapa de calor para ver la correlacion entre las variables y sus posibles incidencias en el resultado del COVID. Se puede observar que las variables que tienen mayor correlacion con el resultado del COVID son las enfermedades cardiovasculares, diabetes, hipertension, y la edad.

Contexto Comercial

Los estados son la primer gran barrera de proteccion y cuidado ante la pandemia. Pero como todo su capacidad de respuesta depende mucho del conocimientos de la enfermedad. Los recursos con los que cuentan son finitos y cuando mas eficiente sea su uso mas vidas se salvaran y mas rapido se lograra el control de la enfermedad. Los estados fueron tambien los encargados de la recoleccion de los datos y su publicacion. El presente trabajo permitira tener una mejor comprension de la enfermedad y permitir a los estados mejorar su capacidad de respuesta y adecuarse a ella.

neumonia

```
In [ ]: # cantidad pacientes con neumonia
```

```
neumonia = df_covid[df_covid['PNEUMONIA'] == 1]
```

```
print(neumonia['PNEUMONIA'].sum())
```

```
84737.0
```

```
In [ ]: #graficamos pacientes con neumonia sobre el total de pacientes
```

```
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
```

```
# tamaño grafico
```

```
plt.figure(figsize=(7, 3))
```

```
bar = sns.countplot(x='PNEUMONIA', data=df_covid, palette='Set1')
```

```
#nombre de los ejes y titulo
```

```
bar.set_title('Pacientes con neumonia')
```

```
bar.set_xlabel('Neumonia')
```

```
bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')
```

```
#cambiamos los valores de los ejes
```

```

bar.set_xticklabels(['Si', 'No'])

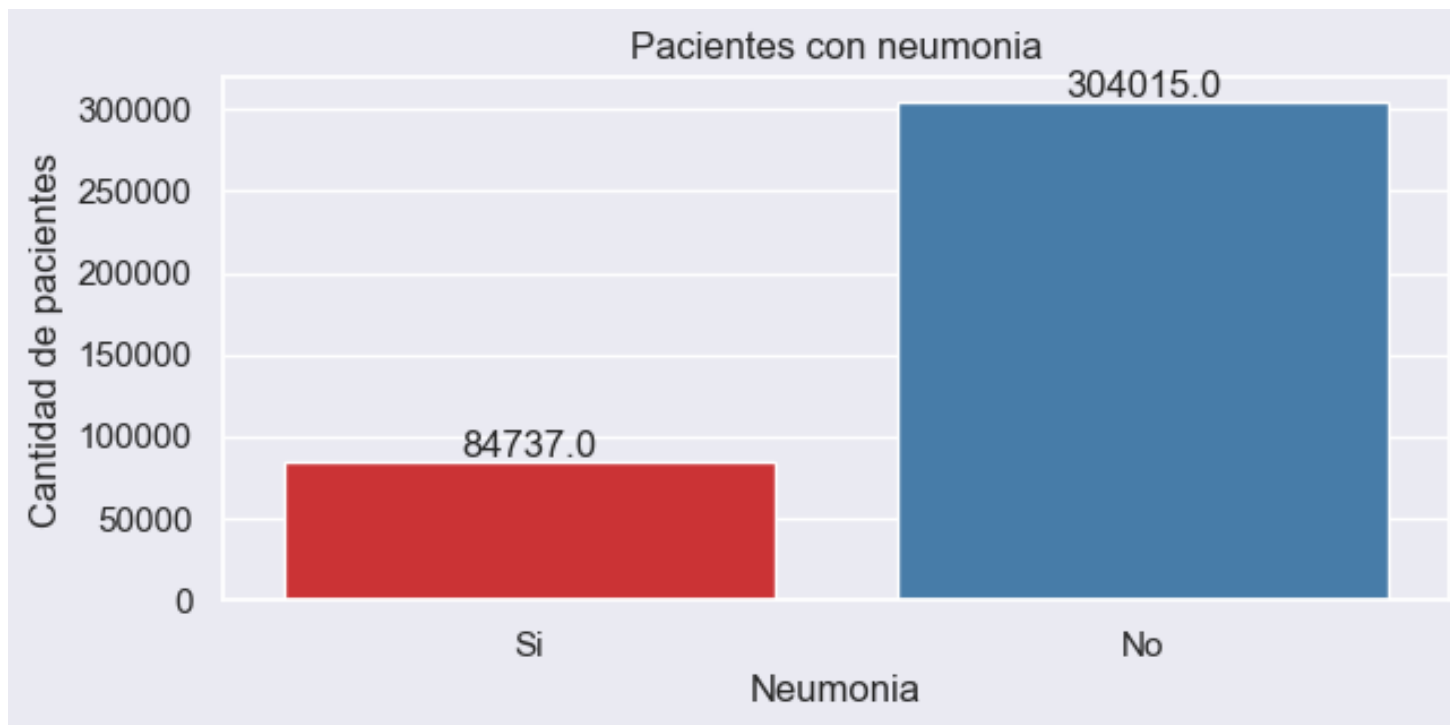
# agregamos los valores a las columnas

for p in bar.patches:

    bar.annotate(format(p.get_height()), (p.get_x() + p.get_width() / 2., p.get_height()), ha = 'center', va

plt.show()

```



```

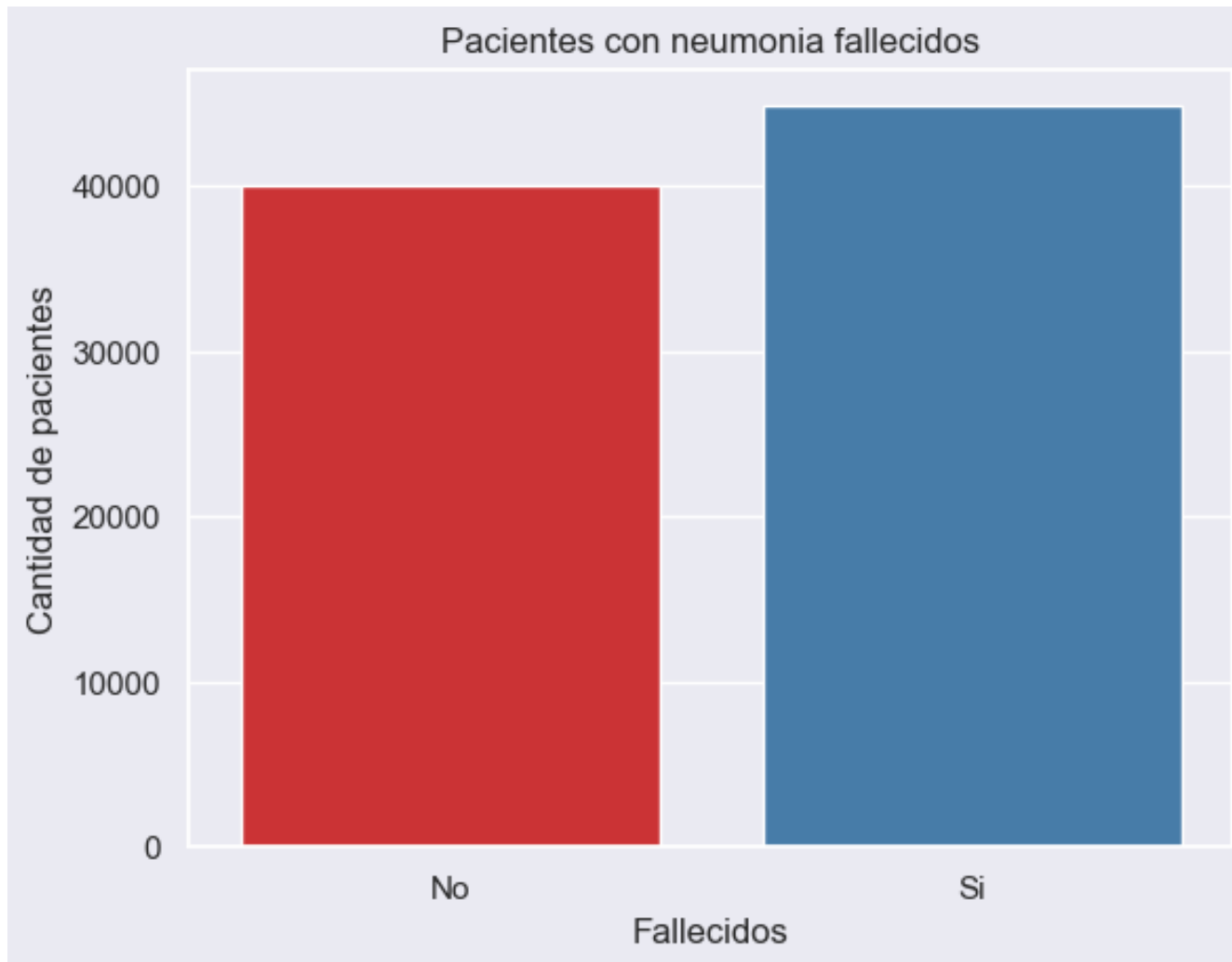
In [ ]: # graficamos los pacientes con neumonia fallecidos
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
neumonia = df_covid[df_covid['PNEUMONIA'] == 1]

bar = sns.countplot(x='fallecidos', data=neumonia, palette='Set1')

```

```
bar.set_title('Pacientes con neumonia fallecidos')  
  
bar.set_xlabel('Fallecidos')  
  
bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')  
  
#cambiamos los valores de los ejes  
  
bar.set_xticklabels(['No', 'Si'])  
  
  
# tamaño grafico  
  
plt.figure(figsize=(7, 3))
```

Out[]: <Figure size 700x300 with 0 Axes>



<Figure size 700x300 with 0 Axes>

```
In [ ]: #boxplot de los fallecidos con neumonia por edad mostramos la mediana y mostramos la cantidad de pacientes de
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
bar = sns.boxplot(data=neumonia, x='AGE', palette='Set1')

bar.set_title('Pacientes con neumonia fallecidos por edad')

bar.set_xlabel('Edad')
```

```
bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')

# calculamos los cuartiles

q1 = neumonia['AGE'].quantile(0.25)

q2 = neumonia['AGE'].quantile(0.5)

q3 = neumonia['AGE'].quantile(0.75)

# graficamos los cuartiles

plt.axvline(q1, color='blue', linestyle='--', label='Cuartil 1')

plt.text(q1 + 1, 0.01, q1, rotation=90, color='blue')

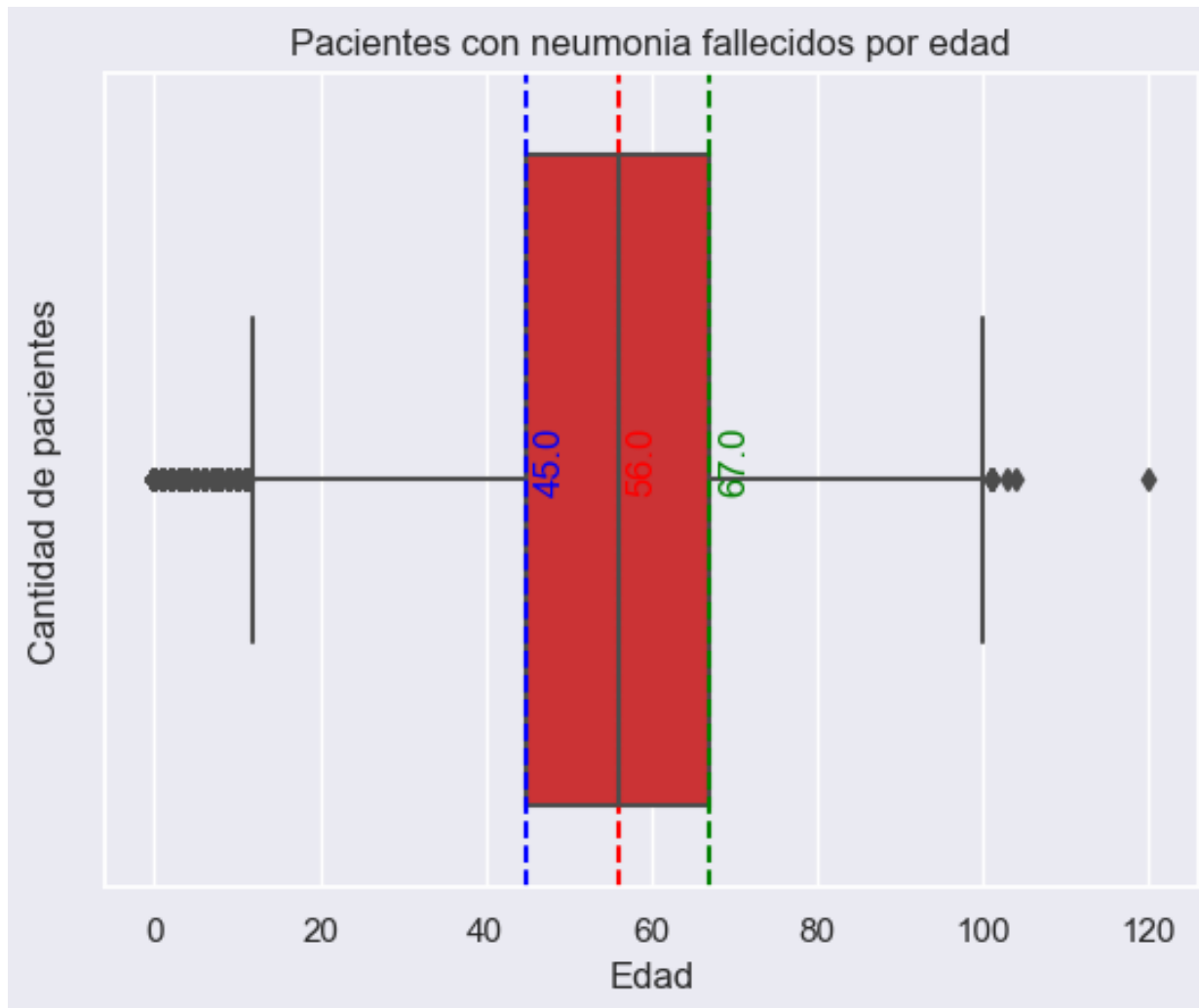
plt.axvline(q2, color='red', linestyle='--', label='Cuartil 2')

plt.text(q2 + 1, 0.01, q2, rotation=90, color='red')

plt.axvline(q3, color='green', linestyle='--', label='Cuartil 3')

plt.text(q3 + 1, 0.01, q3, rotation=90, color='green')
```

Out[]: Text(68.0, 0.01, '67.0')



```
In [ ]: total_neumo = df_covid[df_covid['PNEUMONIA'] == 1]
print(total_neumo['PNEUMONIA'].sum())
sin_neumo = df_covid[df_covid['PNEUMONIA'] == 2]
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})

fallecidos_neumo = df_covid[(df_covid['PNEUMONIA'] == 1) & (df_covid['fallecidos'] == 1)]
sobrevivientes_neumo = df_covid[(df_covid['PNEUMONIA'] == 1) & (df_covid['fallecidos'] == 2)]
fallecidos_sin_neumo = df_covid[(df_covid['PNEUMONIA'] == 2) & (df_covid['fallecidos'] == 1)]
```



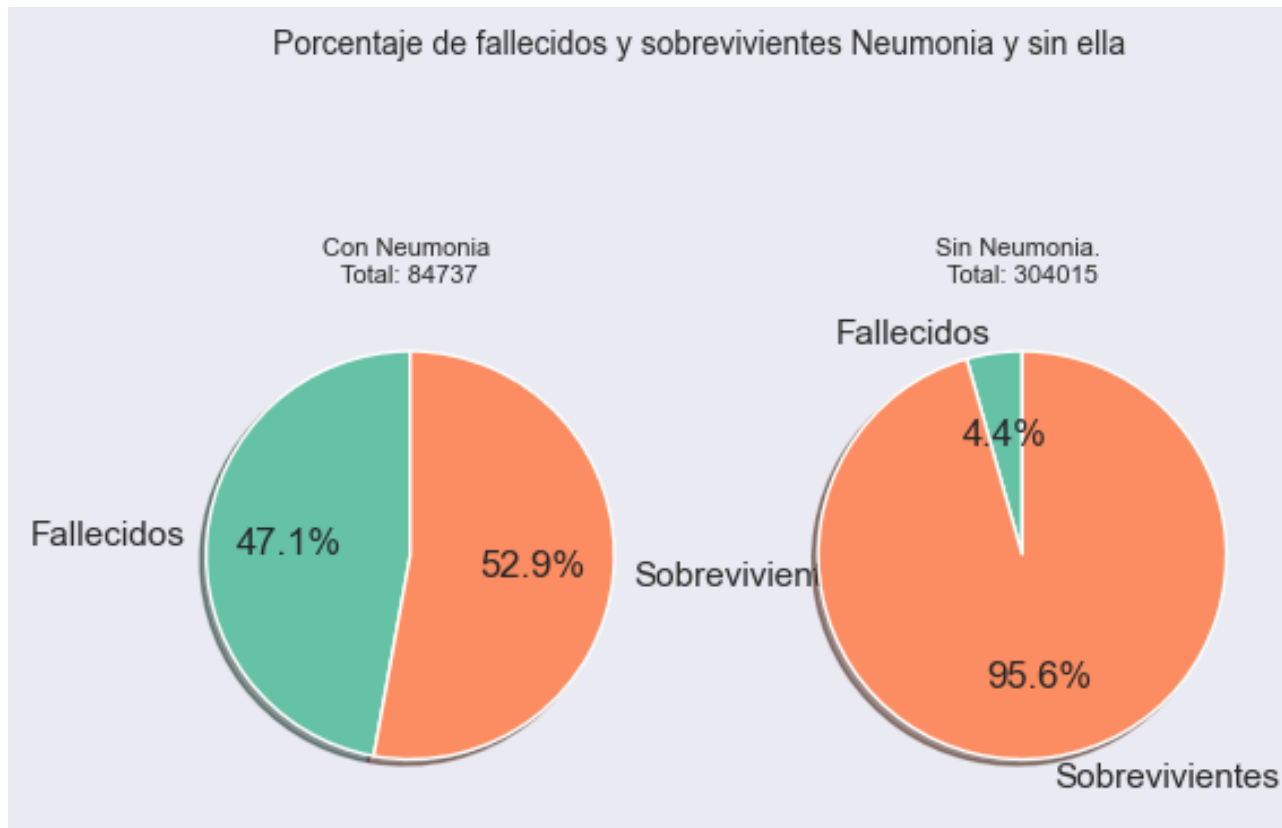
```
sobrevivientes_sin_neumo = df_covid[(df_covid['PNEUMONIA'] == 2) & (df_covid['fallecidos'] == 2)]
fig, ax = plt.subplots( ncols=2, nrows=1)
colores = sns.color_palette('Set2')

ax[0].pie([len(fallecidos_neumo), len(sobrevivientes_neumo)], labels=['Fallecidos', 'Sobrevivientes'], autopct='%1.1f%%')
ax[0].set_title('Con Neumonia \nTotal: ' + str(len(total_neumo)), fontsize=8)

ax[1].pie([len(fallecidos_sin_neumo), len(sobrevivientes_sin_neumo)], labels=['Fallecidos', 'Sobrevivientes'])
ax[1].set_title('Sin Neumonia. \nTotal: ' + str(len(sin_neumo)), fontsize=8)

plt.suptitle('Porcentaje de fallecidos y sobrevivientes Neumonia y sin ella', fontsize=10)
plt.show()
```

84737.0



tabaquismo

```
In [ ]: tabaquismo = df_covid[df_covid['TOBACCO'] == 1]
```

```
print(tabaquismo['TOBACCO'].sum())
```

```
28537.0
```

```
In [ ]: #graficamos pacientes con tabaquismo sobre el total de pacientes
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})
# tamaño grafico
```

```
plt.figure(figsize=(7, 3))
```

```
bar = sns.countplot(x='TOBACCO', data=df_covid, palette='Set1')

#nombre de los ejes y titulo

bar.set_title('Pacientes con tabaquismo')

bar.set_xlabel('Tabaquismo')

bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')

#cambiamos los valores de los ejes

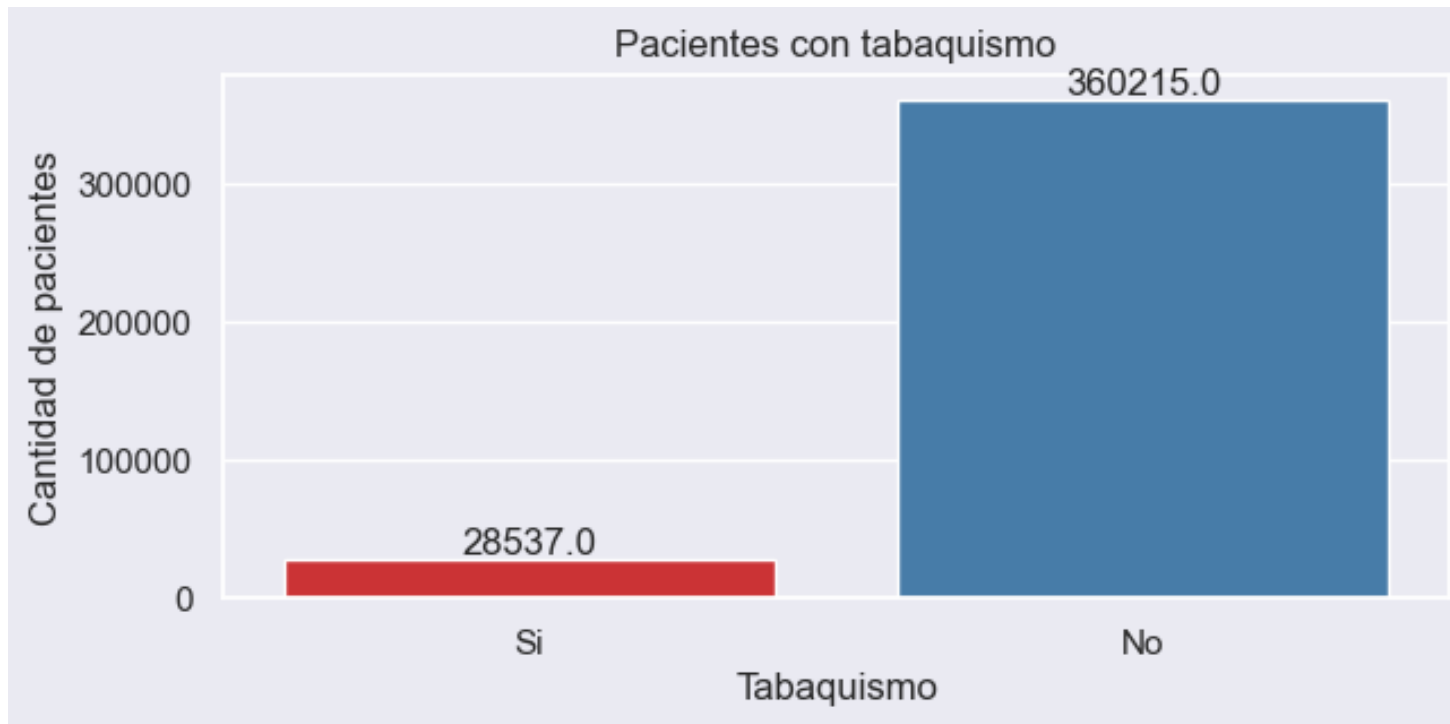
bar.set_xticklabels(['Si', 'No'])

# agregamos los valores a las columnas

for p in bar.patches:

    bar.annotate(format(p.get_height()), (p.get_x() + p.get_width() / 2., p.get_height()), ha = 'center', va

plt.show()
```



```
In [ ]: # graficamos los pacientes con tabaquismo fallecidos
sns.set(rc={'axes.facecolor': '#EAEAF2', 'figure.facecolor': '#EAEAF2'})
tabaco = df_covid[df_covid['TOBACCO'] == 1]

bar = sns.countplot(x='fallecidos', data=tabaco, palette='Set1')

bar.set_title('Pacientes con tabaquismo fallecidos')

bar.set_xlabel('Fallecidos')

bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')

#cambiamos los valores de los ejes

bar.set_xticklabels(['No', 'Si'])
```

```
# tamaño grafico
```

```
plt.figure(figsize=(7, 3))
```

Out[]: <Figure size 700x300 with 0 Axes>



<Figure size 700x300 with 0 Axes>

```
In [ ]: #boxplot de los fallecidos con tabaquismo por edad mostramos la mediana y mostramos la cantidad de pacientes
sns.set(rc={'axes.facecolor': '#EAEAF2', 'figure.facecolor': '#EAEAF2'})
bar = sns.boxplot(data=tabaco, x='AGE', palette='Set1')

bar.set_title('Pacientes con tabaquismo fallecidos por edad')

bar.set_xlabel('Edad')

bar.set_ylabel('Cantidad de pacientes')

# calculamos los cuartiles

q1 = tabaco['AGE'].quantile(0.25)

q2 = tabaco['AGE'].quantile(0.5)

q3 = tabaco['AGE'].quantile(0.75)

# graficamos los cuartiles

plt.axvline(q1, color='blue', linestyle='--', label='Cuartil 1')

plt.text(q1 + 1, 0.01, q1, rotation=90, color='blue')

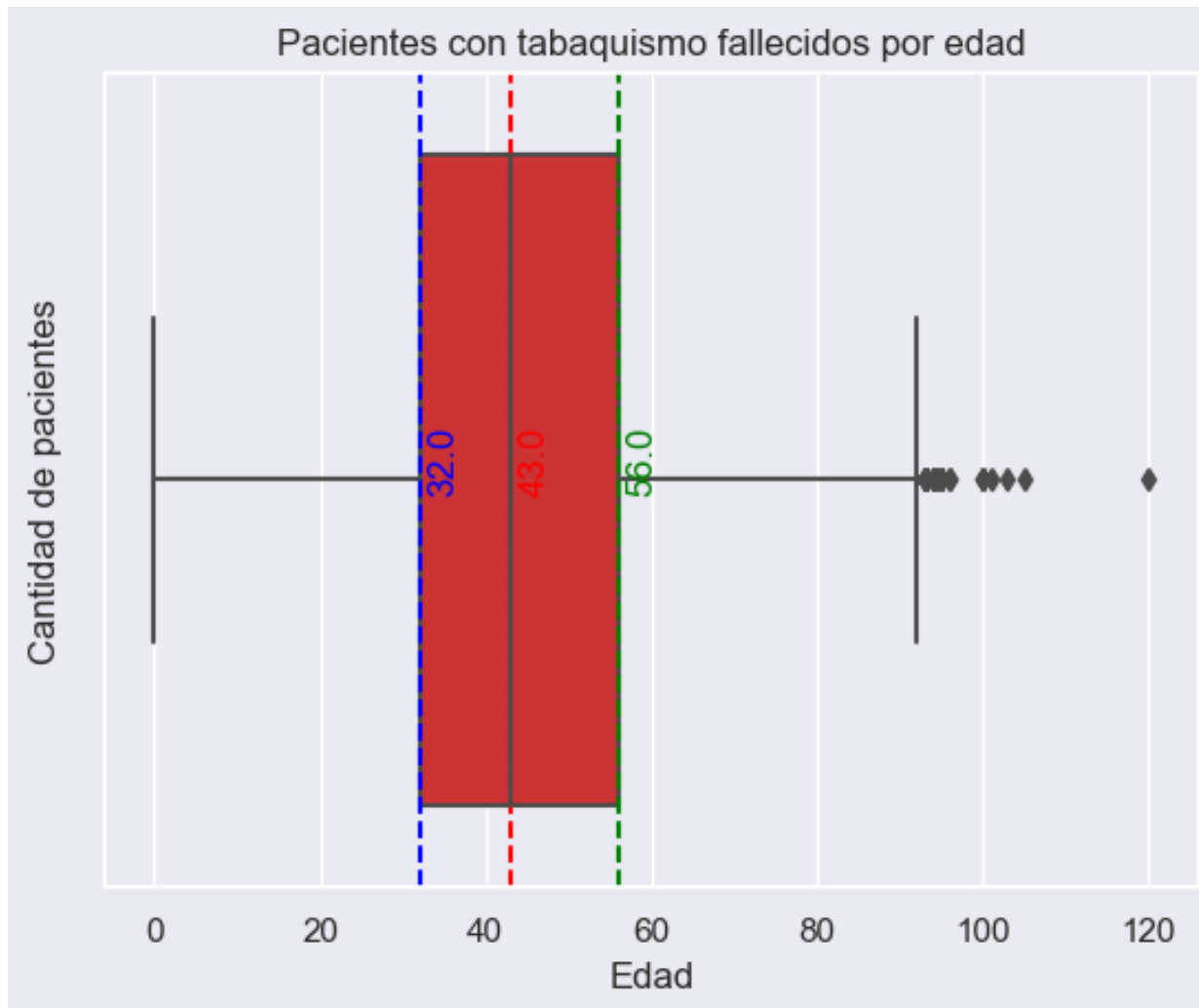
plt.axvline(q2, color='red', linestyle='--', label='Cuartil 2')

plt.text(q2 + 1, 0.01, q2, rotation=90, color='red')

plt.axvline(q3, color='green', linestyle='--', label='Cuartil 3')

plt.text(q3 + 1, 0.01, q3, rotation=90, color='green')
```

```
Out[ ]: Text(57.0, 0.01, '56.0')
```



```
In [ ]: total_tabaco = df_covid[df_covid['TOBACCO'] == 1]
print(total_tabaco['TOBACCO'].sum())
sin_tabaco = df_covid[df_covid['TOBACCO'] == 2]
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})

fallecidos_tabaco = df_covid[(df_covid['TOBACCO'] == 1) & (df_covid['fallecidos'] == 1)]
sobrevivientes_tabaco = df_covid[(df_covid['TOBACCO'] == 1) & (df_covid['fallecidos'] == 2)]
fallecidos_sin_tabaco = df_covid[(df_covid['TOBACCO'] == 2) & (df_covid['fallecidos'] == 1)]
```

```
sobrevivientes_sin_tabaco = df_covid[(df_covid['TOBACCO'] == 2) & (df_covid['fallecidos'] == 2)]
fig, ax = plt.subplots( ncols=2, nrows=1)
colores = sns.color_palette('Set2')

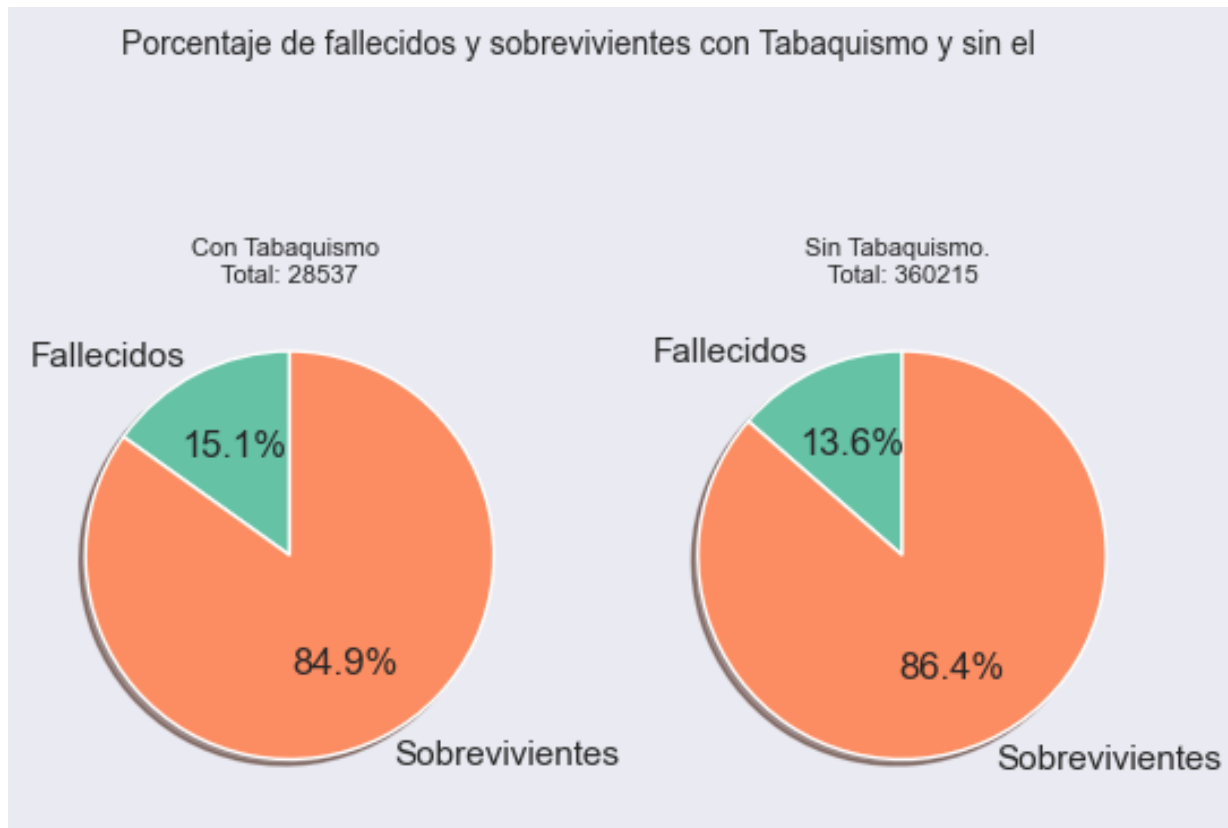
ax[0].pie([len(fallecidos_tabaco), len(sobrevivientes_tabaco)], labels=['Fallecidos', 'Sobrevivientes'], auto
ax[0].set_title('Con Tabaquismo \nTotal: ' + str(len(total_tabaco)), fontsize=8)

ax[1].pie([len(fallecidos_sin_tabaco), len(sobrevivientes_sin_tabaco)], labels=['Fallecidos', 'Sobrevivientes
ax[1].set_title('Sin Tabaquismo. \nTotal: ' + str(len(sin_tabaco)), fontsize=8)

plt.suptitle('Porcentaje de fallecidos y sobrevivientes con Tabaquismo y sin el', fontsize=10)
```

28537.0

Out[]: Text(0.5, 0.98, 'Porcentaje de fallecidos y sobrevivientes con Tabaquismo y sin el')

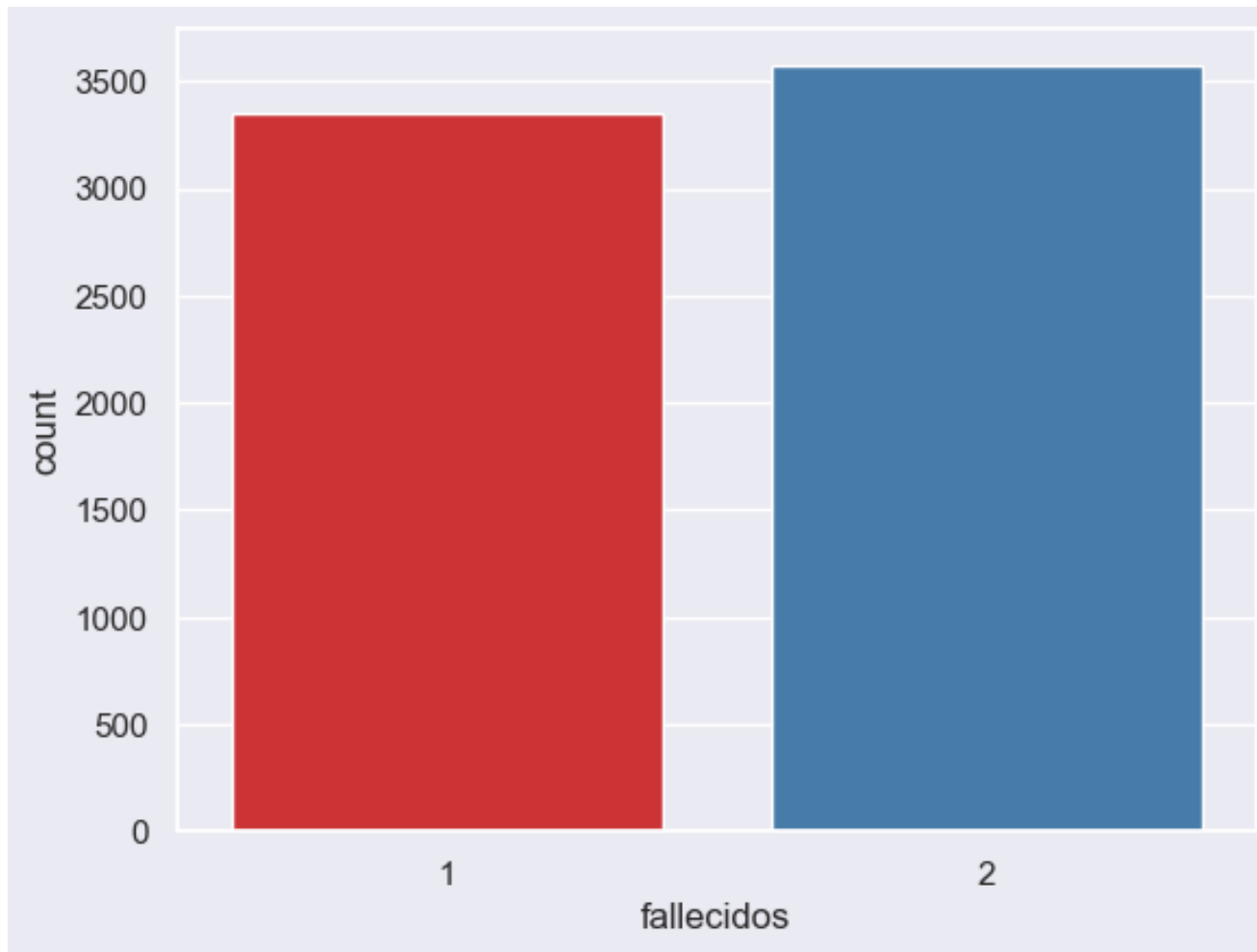


```
In [ ]: # join pacientes con neumonia y cardiaca

neumonia_cardiaca = df_covid[(df_covid['PNEUMONIA'] == 1) & (df_covid['TOBACCO'] == 1)]
sns.set(rc={'axes.facecolor': '#EAEAF2', 'figure.facecolor': '#EAEAF2'})

# graficamos los pacientes con neumonia y cardiaca fallecidos

bar = sns.countplot(x='fallecidos', data=neumonia_cardiaca, palette='Set1')
```



```
In [ ]: # hacemos un mapa de calor
sns.set(rc={'axes.facecolor':'#EAEAF2', 'figure.facecolor':'#EAEAF2'})

plt.figure(figsize=(10, 10))

sns.heatmap(df_covid.corr(), annot=True, cmap='coolwarm', linewidths=0.2, annot_kws={'size':7}, fmt='.2f')

plt.show()
```

```
C:\Users\ismael\AppData\Local\Temp\ipykernel_8652\755516129.py:49: FutureWarning: The default value of numeric_only in DataFrame.corr is deprecated. In a future version, it will default to False. Select only valid columns or specify the value of numeric_only to silence this warning.
```

```
sns.heatmap(df_covid.corr(), annot=True, cmap='coolwarm', linewidths=0.2, annot_kws={'size':7}, fmt='.2f')
```

