

王潇扬

✉ xywang191209@gmail.com · ☎ 18513066510 · 🌐 WXYs1209 ·



🎓 教育背景

威斯康星大学麦迪逊分校	威斯康星, 美国	2022.09 – 2024.05
理学硕士 统计学与数据科学		
华东师范大学	上海, 中国	2019.09 – 2023.06
理学硕士 统计学		

💼 工作经验

中国广视索福瑞媒介研究有限责任公司	北京, 中国	2024.07 - 至今
研究主管 体育部		

- 日常报告
 - 负责足球五大联赛、欧足联旗下比赛及 F1 锦标赛比赛的收视报告制作; ONE 冠军赛、FIS 旗下比赛的收视报告查验;
 - 涉及数据提取、数据清洗以及数据分析;
 - 开发自动化程序完成流程自动化;
 - 开发爬虫程序爬去各比赛的赛程及部分节目的节目单;
- 体育数据库
 - 负责协助体育数据库的搭建;
 - 开发交互式自动化数据清洗平台, 协助完成从原始数据到入库数据的过程;
- 语言模型
 - 开发设计综合语言模型完成分类、命名体识别及检索功能;
 - 提升日常工作效率;
- 交互式数据分析报告
 - 开发交互式数据分析报告, 设计数据格式并整合多赛季数据;
 - 设计平台交互逻辑、完成数据分析需求;
- DataEase 数据仪表盘
 - 与团队一起设计开发 DataEase 数据仪表盘, 综合电视和移动端数据进行数据分析;

Wisconsin Institute for Discovery	威斯康星, 美国	2023.07 – 2024.05
研究助理 Claudia Solís-Lemus 实验室		

- BHV 树空间上的统计检验研究
 - 熟练掌握 Bowers-Hatcher-Vogtmann (BHV) 树空间理论, 以及该空间中统计量以及中心极限定律的应用;
 - 设计假设检验, 制定合适的检验统计量, 通过理论推导和模拟研究来验证统计量的渐进性质, 确保分析结果的准确性和可靠性。
- 病毒蛋白质序列相互作用的动态可视化研究
 - 对上传的病毒蛋白质序列数据进行清洗和处理, 确保数据质量, 并将其格式化为用于进一步分析的结构化数据集;
 - 开发动态可视化工具来展现病毒蛋白质序列间的相互关系, 提供直观的数据表征, 辅助生物学家进行实验设计和决策过程。
- 威斯康星州马铃薯种薯认证计划线上数据分析平台
 - 利用 Shiny 构建高效的在线数据分析平台, 集成数据验证、清洗、可视化、统计检验和预测功能, 提供全面的数据处理和分析;
 - 为威斯康星州马铃薯种薯认证计划 (WSPCP) 开展多元化的数据分析, 深入研究马铃薯疾病流行趋势, 为疾病管理和防控策略的制定提供了数据支持。

上海数因信科智能科技有限公司	上海, 中国	2022.03 – 2022.08
助理数据分析师 生物信息部门		

- 成功执行差异表达基因分析和批次效应校正, 以评估不同病人状态对研究结果的影响;
- 运用逻辑回归等统计方法深入分析生物医学数据, 为疾病研究提供精确的数据洞察;
- 深入研究降采样技术的相关文献, 并成功复现了研究, 以评估数据量减少对差异表达基因分析的影响。

华西证券股份有限公司	北京, 中国	2021.07 – 2022.03
助理分析师		

- 积极参与科创板与 A 股主板项目的立项报告制作, 负责分析和梳理关键项目信息, 确保报告的完整性和准确性;
- 协助分析师完成两份深入的企业研究报告。

⚙️ 技能与特长

- 编程语言: R, Python, C++;
- 技术工具: TensorFlow, Git, Linux, LLM, L^AT_EX, SQL, Microsoft Office Softwares;
- 其他: 英语, 运动。