NUMPY

Numpy

- Numerical Python
- 산술 계산을 위한 패키지
 - 다차원 배열인 ndarray는 빠른 배열 계산과 유연한 브로드캐스팅 기능을 제공한다.
 - 반복문을 작성할 필요 없이 전체 데이터 배열을 빠르게 계산할 수 있는 표준 수학 함수
 - 선형대수, 난수 생성기, 푸리에 변환 가능
- Numpy는 일반적인 산술 데이터 처리를 위한 기본 라이브러리를 제공하기때문에 통계나 분석데이터를 처리하기 위해선 Pandas를 사용해야 한다.
- Numpy가 파이썬 산술 계산 영역에서 중요한 위치를 차지하는 이유중 하나는 대용 량 데이터 배열을 효율적으로 다룰수 있도록 설계되어 있다.

• Numpy 사용

- np 라는 이름으로 자주 사용 된다.
- List 와 numpy 자료형은 서로 다른 객체

```
import numpy as np
my_arr = np.arange(100000)
my_list = list(range(100000))
```

• Numpy 사용

- 각각 배열과 리스트에 원소 2 를 곱해보자
- 속도 차이 비교
- %time 이라는 매직 함수 사용

```
%time
for _ in range(10):
    my_arr2 = my_arr*2

Wall time: 0 ns

%time for _ in range(10):my_arr2 = my_arr*2

Wall time: 2 ms

%time for _ in range(10):my_list2 = [ i*2 for i in my_list]

Wall time: 69 ms
```

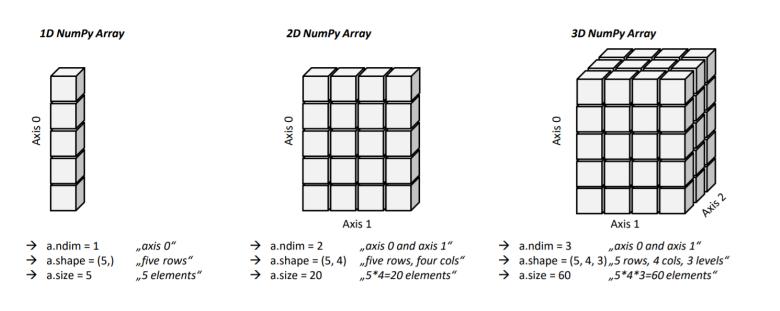
• Numpy 사용

- 각각 배열과 리스트에 원소 2 를 곱해보자
- 속도 차이 비교
- %time 이라는 매직 함수 사용

```
import numpy as np
my_arr = np.arange(100000)
my_list = list(range(100000))
```

• 다차원 배열 객체

- Numpy 는 ndarray라고 하는 N차원 배열 객체를 사용한다.
- 배열은 스칼라 원소 간의 연산에서 사용하는 문법과 비슷한 방식을 사용해 전체 데이터 블록에 수학적인 연산을 수행할 수 있도록 해준다.
- 사용
 - Vectors, Matrices, Tensors, Images, Etc



• 다차원 배열 객체

■ 2x3 배열을 랜덤한 스칼라로 만든다.

```
# 2x3 배열을 랜범한 스칼라로 만든다.
data = np.random.randn(2,3)
```

```
data
```

```
array([[ 0.06546519, 0.58256402, 0.80577224], [ 1.27401936, 0.09533105, -1.99959539]])
```

- ndarray 생성하기
 - array 함수를 이용해 배열을 생성할 수 있다.
 - list 생성후 array 함수 적용

```
data1 = [6,7,3,4,2]

type(data1)

list

arr1 = np.array(data1)

arr1

array([6, 7, 3, 4, 2])
```

• ndarray 생성하기2

- np.zeros : 메모리를 초기화 하고 0 으로 채워 넣는다.
- np.empty : zeros와 비슷하지만, 메모리를 초기화 하지 않고 빈값을 넣기 때문에 0 이외의 값이 들어갈수 있다.
- np.ones : 메모리를 초기화 하고 1 로 채워 넣는다.
- np.full : 특정 값으로 채워 넣는다.
- np. eye : NxN 단위행렬을 생성한다.
- object.asdtype(): 함수를 통해 dtype을 변경할수 있다.(공식 문서 참고)

- numpy 배열의 산술 연산
 - numpy 배열은 반복문을 작성하지 않고 데이터를 일괄 처리할 수 있다.
 - 이를 **벡터화** 라고 한다.
 - **브로드 캐스팅**과는 다른 개념

```
# 나누셉
arr1 = np.array([[1,2,3],
                                         1/arr1
                 [4,5,6]])
                                         array([[1. , 0.5
[0.25 , 0.2
                                                                    , 0.33333333],
                                                                     , 0.16666667]])
# 요소곱
arr1 * arr1
                                         arr1 >= arr1
array([[ 1, 4, 9],
                                         array([[ True, True, True],
       [16, 25, 36]])
                                               [ True, True, True]])
# 요소함
                                         # 행렬곱
                                         np.dot(arr1,np.transpose(arr1))
arr1 + arr1
                                         array([[14, 32],
array([[ 2, 4, 6],
                                               [32, 77]])
       [8, 10, 12]])
```

• 벡터화 연산 적용하기

- 배열의 여러 원소에 어떤 함수를 적용하고 싶다.
- 함수를 벡터화 시킨후 적용한다.
- vectorize 는 원소를 순회하는 for 루프를 구현한것으로 성능이 좋진 않다.
- 브로드 캐스팅이 훨신 효율적이다.

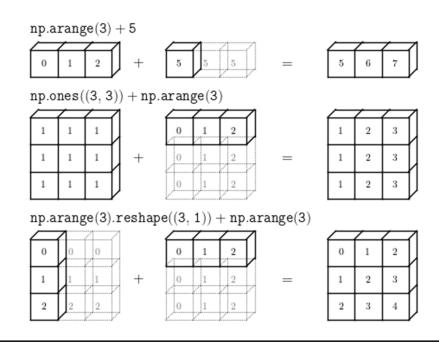
• 인덱싱과 슬라이싱

■ Sequential 데이터 이기 때문에 인덱싱과 슬라이싱이 가능하다.

```
arr_1 = np.arange(10)
arr_1[5]
5
arr_1[5:8]
array([5, 6, 7])
```

• 다차원 배열 객체

- array에 스칼라 값을 대입하면 영역 전체로 브로드캐스팅 된다.
- list와의 차이점은 배열 조각은 원본 배열의 View이다.즉, 데이터는 복사되지 않고 View에 대한변경은 그대로 원본 배열에 반영 된다.
- View 대신 ndarray의 복사본을 얻고 싶다면 object.copy() 함수를 사용해 명시적으로 배열을 복사해야 한다.



• 배열 전치와 축 바꾸기

- 배열 전치는 데이터를 복사하지 않고 데이터의 모양이 바뀐 뷰를 반환하는 기능
- np.T 또는 np.transepose() 를 사용하여 변환한다.

```
arr
                                    arr.transpose()
array([[0, 1, 2, 3, 4],
                                    array([[ 0, 5, 10],
    [5, 6, 7, 8, 9],
                                           [1, 6, 11],
     [10, 11, 12, 13, 14]])
                                           [ 2, 7, 12],
arr.T
                                           [ 3, 8, 13],
                                           [4, 9, 14]])
array([[ 0, 5, 10],
    [ 1, 6, 11],
     [ 2, 7, 12],
     [ 3, 8, 13],
     [4, 9, 14]])
```

- 단항 유니버설 함수
 - exp, sqrt
- 이항 유니버설 함수
 - maximum
 - minimum
 - add

• 수학 메서드와 통계 메서드

- 합, 평균, 표준편차 를 구할수 있다.
- sum : 배열 전체 혹은 특정 축에 대한 모든 원소의 합을 계산한다. 크기가 0 인 배열에 대한 sum 결과는 0 이다.
- mean : 산술 평균을 구한다. 크기가 0인 배열에 대한 mean 결과는 Nan이다.
- std, var : 각각 표준편차(std)와 분산(var)을 구한다. 선택적으로 자유도를 줄 수 있으며 분모의 기본 값은 n 이다.
- min, max :최솟값과 최댓값
- argmin, argmax : 최소 원소의 색인값과 최대 원소의 색인값
- cumsum : 각 원소의 누적합
- cumprod : 각 원소의 누적곱

• 집합 관련함수

- numpy는 1차원 ndarray를 위한 몇 가지 기본적인 집합 연산을 제공한다.
- unique : 중복된 원소릴 제거한뒤 정렬하여 반환
- intersec1d : 배열 x와 y에 중복
- union1d : 두 배열의 합집합
- setdiff1d :두 배열의 차집합

• 배열 데이터의 파일 입출력

```
np.save
arr1 = np.arange(10)
np.save('save_array', arr1)

arr2 = np.load('save_array.npy')
```

• linalg 모듈

- 행렬의 분할과 역행렬, 행렬식과 같은 함수를 포함하고 있다.
- diag : 정사각 행렬의 대각/비대각 원소를 1차원 배열로 반환하거나, 1차원 대각선 원소로 하고 나머지는 0으로 채운 단위행렬을 반환한다.
- dot : 행렬 곱셈
- trace : 행렬의 대각선 원소의 합을 계산 한다.
- det : 행렬식을 계산한다.
- eig : 정사각 행렬의 고윳값과 고유 벡터를 계산하다.
- inv : 정사각 행렬의 역행렬을 계산한다.
- qr : QR분해를 계산한다.
- svd : 특잇값 분해(SVD)를 계산한다.
- solve : A가 정사각 행렬일때 Ax = b를 만족하는 x를 구한다.
- Istsq : Ax = b 를 만족하는 최소 제곱해를 구한다.

• 난수생성

- np.random.radint :균일 분포의 정수 난수 1개 생성
- np.random.rand : 0부터 1사이의 균일 분포에서 난수 생성
- np.random.rnadn : 가우시안 표준 정규 분포에서 난수 matrix array 생성
- 유니버설 함수 :배열의 각원소를 빠르게 처리하는 함수
 - ufunc 이라고 불리기도 하는 유니버설 함수는 ndarray 안에 있는 데이터 원소별로 연산을 수행하는 함수 이다.
 - 유니버설 함수는 하나 이상의 스칼라 값을 받아서 하나 이상의 스칼라 결과값을 반환하는 간단한 함수를 고속으로 수행

PANDAS

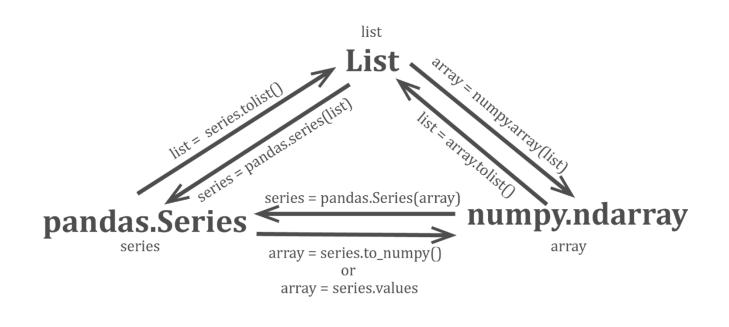


- 파이썬 데이터 분석 라이브 러리
- 빠른 연산속도
- 다양한 포맷의 처리 가능
- 다양한 통계, 그래픽 함수 사용가능

Pandas 자료구조

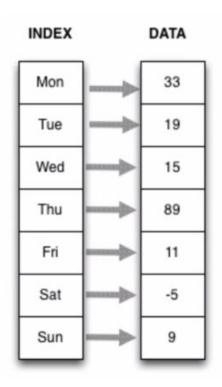
• 판다스 자료구조

- 다른 형식을 갖는 여러 종류의 데이터를 동일한 형식으로 변경
- Series 와 DataFrame 을 통해 자료를 통일 해준다.
- Series : 1차원 Array
- DataFrame: 2차원 Array



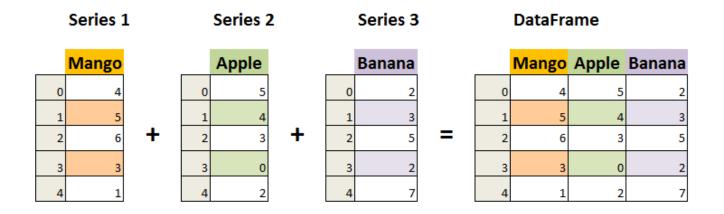
Series

- index : value 형태로 일대일 대응
- dictionary 와 비슷한 구조



DataFrame

- 2차원 Array, Matrix 라고 하기도 한다.
- row 와 column으로 구성, Series 는 row vector 라고 하기도 한다



• DataFrame 의 속성 **SERIES** DATA **INDICES** LABELS **AXIS** 2 3 attendance dayNight homeTeamName awayTeamName startTime duration_minutes Cubs Reds 2016-07-05 18:20:00 UTC 188 41310 D 2016-09-08 16:10:00 UTC 194 15275 D 1 Indians Astros 28456 D Padres Giants 2016-09-25 20:40:00 UTC 185 3 Diamondbacks 2016-08-07 20:10:00 UTC 211 24021 D Brewers **INDICES** 4 2016-04-09 20:05:00 UTC 202 41224 D Giants Dodgers 5 46197 D Blue Jays Indians 2016-07-02 17:07:00 UTC 199 6 Reds 2016-04-09 17:10:00 UTC 180 22799 D Pirates 7 Cubs Mariners 2016-07-30 18:20:00 UTC 157 41401 D **AXIS** 8 Rockies Phillies 2016-07-10 20:10:00 UTC 191 32113 D

2016-05-26 20:05:00 UTC

154

38391

D

9

Yankees

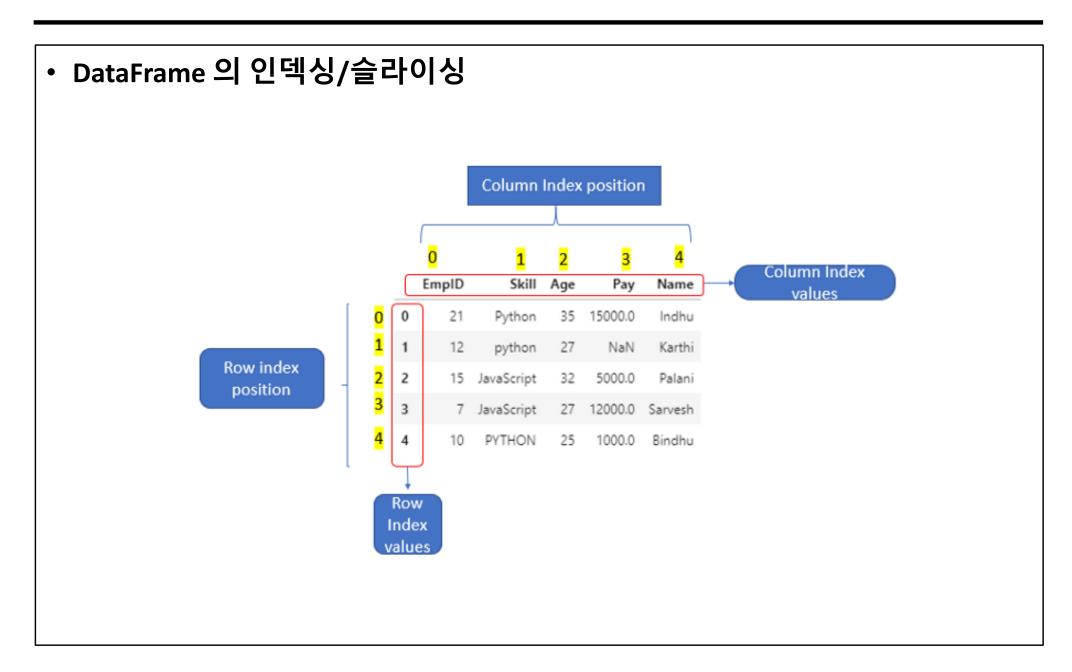
Blue Jays

• DataFrame 의 인덱싱/슬라이싱

- 슬라이싱
 - DataFrame.iloc[start index: end index : step]
- 인덱싱
 - DataFrame.loc[row index, col name]
 - DataFrame.iloc[row num, col num]

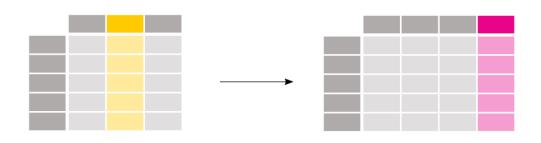


<pre>In [8]: AAPL.iloc[:5,:] Out[8]:</pre>						
	0pen	High	Low	Close	Volume	Adj Close
Date		_				_
2014-09-16	99.80	101.26	98.89	100.86	66818200	100.86
2014-09-15	102.81	103.05	101.44	101.63	61216500	101.63
2014-09-12	101.21	102.19	101.08	101.66	62626100	101.66
2014-09-11	100.41	101.44	99.62	101.43	62353100	101.43
2014-09-10	98.01	101.11	97.76	101.00	100741900	101.00



• 인덱스 설정

- DataFrame 추가/수정
 - 행추가
 - DataFrame.loc['새로운행 이름']= data(또는 배열)
 - DataFrame.loc[row index, col name] = data
 - DataFrame.iloc[row num, col num] = data
- DataFrame 행과 열 변경
- 행과 열 위치 변경
 - DataFrame.transpose()
 - DataFrame.T



• 인덱스 설정

- DataFrame.set_index(['col name'], inplace=True)
 - inplace : 원본 데이터에 변경사항을 적용하기 위한 옵션
- DataFrame.reindex([new_index], fill_value=<value>)
 - 인덱스를 새로운 이름으로 재지정
 - fill_value : 새로운 인덱스를 생성하고 어떤 값으로 채울지 결정
- DataFrame.sort_index(): 행 인덱스를 기준으로 데이터를 정렬
 - ascending=False : 내림차순 정렬
 - ascending=True : 오름차순 정렬
 - DataFrame.sort_values() : 특정 열을 기준으로 정렬

• 산술 연산

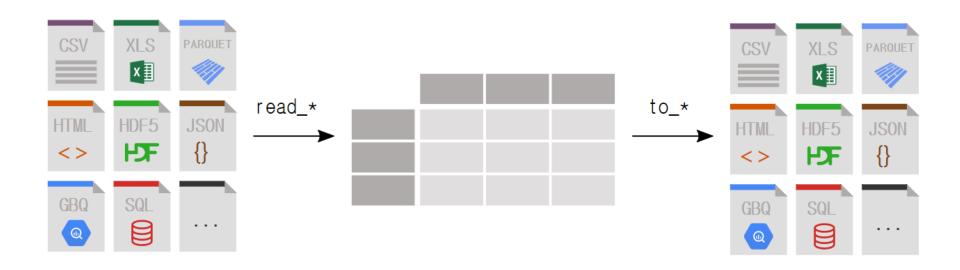
- 시리즈 연산
 - Series to number
 - <Series> <연산자:*+-/) <num>
 - Series to Series
 - <Series> <연산자:*+-/) <Series>
- 참고
 - Nan <연산> <num> = Nan
 - 해결 : 연산 메소드 사용
 - Series.add(<Series2>, fill_value=0)

• 데이터 프레임 연산

- DF to number
 - <DF> <연산자:*+-/) <num>

• 외부파일 읽어오기

■ 다양한 형태의 외부 파일을 읽어와서 데이터프레임으로 변환하는 함수를 제공



• 인덱스 설정

- DF.head(n): n번째 row 까지 미리 보기
- DF.tail(n) : 마지막으로 부터 n 번째 row 까지 미리 보기
- DF.shape : DF의 크기 정보 확인
- DF.info(): DF의 기본 정보 확인
 - 클래스 유형, row index의 구성, col 이름의 종류/개수, 각 col 의 자료형과 개수
- DF.dtypes : 각 col 의 자료형 확인
- DF.describe(): 평균, 표준편차, 최댓값, 최솟값, 중간값 등을 요약

• 통계 함수 적용

- DF.mean() : 모든 열의 평균값
- DF["col_name"].mean() : 특정 열의 평균값
- DF.median() : 모든 열의 중간값
- DF["col_name"].median() : 특정 열의 중간값
- DF.max() : 모든 열의 최댓값
- DF["col_name"].max() : 특정 열의 최댓값
- DF.min() : 모든 열의 최솟값
- DF["col_name"].min() : 특정 열의 최솟값

• 인덱스 설정

- DF.std(): 표준편차
- DF["col_name"].corr() : 특정 열의 표준 편차
- DF.std(): 모든 열의 상관계수
- DF["col_name"].corr() : 특정 열의 상관계수

• 인덱스 설정

- DF.std() : 표준편차
- DF["col_name"].std() : 특정 열의 표준 편차
- DF.std(): 모든 열의 상관계수
- DF["col_name"].corr() : 특정 열의 상관계수

• 표준 편차

- 자료의 관찰값이 얼마나 흩어져 있는지 나타내는 값
- 표준 편차 0에 가까울수록 데이터가 평균에 많이 분포되어 있다.

[편차]
$$d = x - \bar{x}$$
 $d : 편차$ $x : 변인$ [분산] $s^2 = \frac{\sum (x - \bar{x})^2}{n-1}$ $\bar{x} : 표본의 평균$ $n : 표본의 크기$ $s^2 : 분산$ $s : 표준편차$

• 상관계수

- cov (공분산) : 두 확률 변수의 선형관계를 나타내는 값.
 - cov > 0 : x 가 증가할때 y 도 증가한다.
 - cov < 0 : x 가 증가할때 y는 감소한다.
 - cov = 0 : x와 y는 독립이다.
- 상관 계수 : 상관 계수는 공분산의 단위화

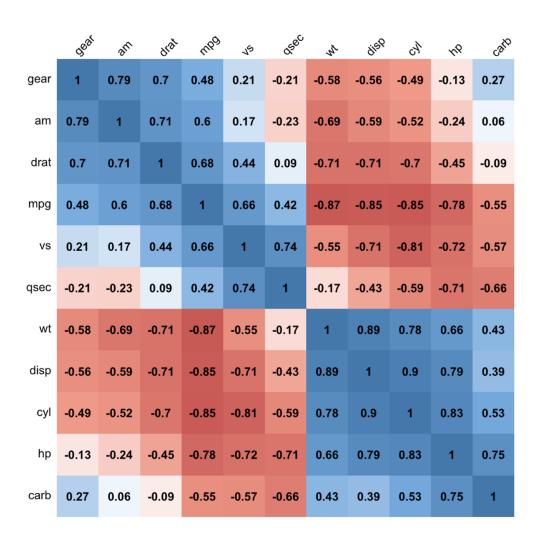
$$\rho_{X,Y} = \frac{cov(X,Y)}{\sigma_X \sigma_Y}$$

$$= \frac{\mathbf{E}[(X - \mu_X)(Y - \mu_Y)]}{\sigma_X \sigma_Y}$$

$$= \frac{\mathbf{E}(XY) - \mathbf{E}(X)\mathbf{E}(Y)}{\sigma_X \sigma_Y}$$

• 상관 계수별 산포도 1.0 0.8 0.4 0.0 -0.4-0.8-1.01.0 1.0 1.0 -1.0-1.0-1.00.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0

• Feature 별 상관계수



• 인덱스 설정

- Pandas 내장 그래픽 도구
- - 선, 막대, 히스토그램, 박스플롯, 파이, 산점도, 등등 가능

