下面给你提供一个完整的、通用的代码示例,演示如何从仿真数据和真实数据中识别 关键波段(特征),分析 CD 值与波段强度之间的关系,并比较真实数据与仿真数据 的趋势差异。

你可以按下面步骤进行(Python代码):

▶ 完整代码示例:

假设数据结构为:

- 光谱数据(X):每一行是一个样本,每一列是某个波段的强度。
- CD 值(y): 每个样本对应的目标值(连续数值)。

```
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
from sklearn.feature selection import mutual info regression
from scipy.stats import pearsonr
# 假设仿真数据为: X sim, y sim
# 假设真实数据为: X real, y real
# 假设波长为 wavelengths (例如: [400, 401, ..., 800] nm)
# 示例数据加载 (这里请换成你实际的数据)
# X_sim, y_sim = ...
# X_real, y_real = ...
# wavelengths = np.arange(400, 801) # 假设 400 到 800 nm 的光谱
# --- 第一步: 特征重要性分析 (仿真数据) ---
def feature importance analysis(X, y, wavelengths, top n=10):
   rf = RandomForestRegressor(n estimators=100, random state=42)
    rf.fit(X, y)
    importances = rf.feature importances
   # 选出最重要的 top n 个波段
   indices = np.argsort(importances)[::-1][:top n]
   important wavelengths = wavelengths[indices]
   plt.figure(figsize=(10,5))
   plt.bar(important wavelengths, importances[indices])
   plt.xlabel('Wavelength (nm)')
   plt.ylabel('Feature Importance')
   plt.title('Top Important Wavelengths from Simulation Data')
   plt.show()
```

使用仿真数据进行特征重要性分析 important wavelengths = feature importance analysis(X sim, y sim, wavelengths) # --- 第二步: 趋势分析 (对比仿真 vs. 真实) --def plot_trend_comparison(X_sim, y_sim, X_real, y_real, wavelengths, selected wavelengths): for wl in selected wavelengths: idx = np.where(wavelengths == w1)[0][0] plt.figure(figsize=(7,5)) plt.scatter(y_sim, X_sim[:, idx], alpha=0.3, label='Simulation', color='blue') plt.scatter(y real, X real[:, idx], alpha=0.9, label='Real', color='red') plt.xlabel('CD Value') plt.ylabel(f'Intensity at {wl} nm') plt.title(f'Comparison at Wavelength {wl} nm') plt.legend() plt.show() # 对比趋势 plot trend comparison (X sim, y sim, X real, y real, wavelengths, important wavelengths) # --- 第三步: 定量趋势差异分析(相关性对比) --def quantitative difference (X sim, y sim, X real, y real, wavelengths, selected wavelengths): results = [] for wl in selected wavelengths: idx = np.where(wavelengths == w1)[0][0] # 仿真数据相关性 corr sim, = pearsonr(X sim[:, idx], y sim) # 真实数据相关性 corr real, = pearsonr(X real[:, idx], y real) results.append({ 'Wavelength': wl, 'Corr sim': corr sim, 'Corr real': corr real, 'Corr diff': abs(corr sim - corr real) }) df results = pd.DataFrame(results) print(df results.sort values(by='Corr diff', ascending=False)) return df results

定量分析相关性差异

df_diff = quantitative_difference(X_sim, y_sim, X_real, y_real,
wavelengths, important wavelengths)

▶ 上述代码的功能:

•第一步:

使用仿真数据训练一个随机森林回归器,自动识别最重要的几个波段。

•第二步:

绘制真实数据和仿真数据在关键波段上的 CD 值与波段强度趋势图,直观看出域差异。

•第三步:

进一步定量分析仿真与真实数据的趋势差异,通过比较相关系数发现最明显差异的波段。

▶ 如何进一步利用上述结果?

上述分析完成后, 你可以:

- 对发现趋势有明显差异的波段(比如明显的偏差、尺度差异)做简单的数据校正或变换(如线性或非线性拟合校正)。
- 再将处理后的数据应用于迁移学习模型中,以提高真实数据的回归精度。

▶ 下一步建议:

1. 替换示例数据

将上述示例中的数据加载部分替换为你自己的数据加载方式。

- 2. 运行上述代码,获得关键波段和差异趋势。
- 3. 根据趋势差异,明确修正策略,执行特征空间变换或数据修正,提升模型性能。

以上代码和思路可直接用于实践中,后续有任何问题,随时告诉我。

以下给出一个简单、清晰的**数据校正(趋势修正)和迁移学习(微调)**的代码实现,具体包括:

趋势差异的拟合和修正(仿真数据→真实数据)。

用修正后的数据进行迁移学习(仿真预训练→真实数据微调)。

▶ 第一步: 趋势修正(波段校正)

对前面步骤发现的趋势差异大的关键波段(假设已明确),用简单的**多项式拟合**或**线性回归**修正:

```
from sklearn.linear model import LinearRegression
def correct simulation data(X sim, y sim, X real, y real, wavelengths,
selected wavelengths):
   X sim corrected = X sim.copy()
   for wl in selected wavelengths:
       idx = np.where(wavelengths == w1)[0][0]
       # 用真实数据拟合真实关系
       model real = LinearRegression().fit(y real.reshape(-1,1), X real[:,
idx1)
       # 用仿真数据拟合仿真关系
       model sim = LinearRegression().fit(y sim.reshape(-1,1), X sim[:,
idx])
       # 计算仿真到真实的校正关系
       # 真实强度 = a real * CD + b real
       # 仿真强度 = a sim * CD + b sim
       # 校正: X corrected = X sim - (仿真趋势 - 真实趋势)
       # 预测仿真和真实趋势的差值
       trend_diff = (model_sim.predict(y_sim.reshape(-1,1)) -
                    model real.predict(y sim.reshape(-1,1)))
       # 仿真数据减去趋势差异,完成校正
       X sim corrected[:, idx] -= trend diff
   return X sim corrected
# 假设已知重要波段为 important wavelengths
X sim corrected = correct simulation data(X sim, y sim, X real, y real,
wavelengths, important wavelengths)
以上步骤,将仿真数据修正到更贴近真实数据的分布。
```

▶ 第二步: 迁移学习建模(预训练→微调)

典型实现过程为:

- 1. 使用修正后的仿真数据预训练模型。
- 2. 使用少量真实数据进行微调。

```
以简单的深度学习模型(如1D-CNN)为例实现迁移:
```

```
import tensorflow as tf
from tensorflow.keras import layers, models, optimizers
# 定义简单的 1D-CNN 回归模型
def build model(input shape):
    model = models.Sequential([
        layers.Conv1D(32, kernel size=3, activation='relu',
input shape=input shape),
        layers.MaxPooling1D(2),
        layers.Conv1D(64, kernel size=3, activation='relu'),
        layers.GlobalAveragePooling1D(),
        layers.Dense(32, activation='relu'),
        layers.Dense(1)
    ])
   model.compile(loss='mse', optimizer='adam')
    return model
# 数据准备
X sim corrected exp = X sim corrected[..., np.newaxis] # CNN 输入需增加通道维
X real exp = X real[..., np.newaxis]
# --- 仿真数据预训练 ---
model = build model(input_shape=X_sim_corrected_exp.shape[1:])
model.fit(X sim corrected exp, y sim, epochs=50, batch size=64,
validation split=0.1)
# --- 真实数据微调 ---
# 用较小的学习率进行微调
model.compile(loss='mse', optimizer=optimizers.Adam(1e-4))
model.fit(X real exp, y real, epochs=20, batch size=4,
validation split=0.2)
```

▶ 第三步:评估模型效果(真实数据测试)

使用留一法或交叉验证评估:

from sklearn.metrics import mean absolute error

模型预测真实数据

```
y pred real = model.predict(X real exp).flatten()
```

评估指标

```
mae = mean_absolute_error(y_real, y_pred_real)
print(f"Real Data MAE after transfer learning: {mae:.4f}")
```

结果绘图对比

```
plt.figure(figsize=(7,5))
plt.scatter(y_real, y_pred_real, c='red', label='Predicted vs True')
plt.plot([y_real.min(), y_real.max()], [y_real.min(), y_real.max()], 'k--')
plt.xlabel('True CD Value')
plt.ylabel('Predicted CD Value')
plt.title('Real Data Predictions after Transfer Learning')
plt.legend()
plt.show()
```

✓ 代码使用流程总结:

步骤 功能

说明

- 1 趋势差异修正 修正仿真数据,使仿真数据贴近真实数据
- 2 仿真数据预训练模型 使用修正数据训练
- 3 真实数据微调模型 用少量真实数据微调模型,获得更准确预测

★注意事项与后续优化:

- 若趋势差异较为复杂,可考虑更复杂的回归(多项式回归或非线性回归)。
- 微调时要格外注意避免过拟合,可增加 early stopping。
- 在真实数据极少时(<10条),尽量使用更简单的模型结构,避免过拟合。

你可以直接使用以上代码实现**『数据修正+迁移学习微调**』流程,进一步提高模型精度。

这里的校正关系,具体推导和计算方式如下:

★ 原理解析(推导过程):

你有两组数据(仿真与真实),在同一波段下:

• 仿真数据趋势为:

 $X \{ \text{sim} \} = a \{ \text{sim} \} \setminus \text{cdot} \setminus \{ CD \} + b \{ \text{sim} \} \}$

• 真实数据趋势为:

 $X_{\text{real}} = a_{\text{real}} \cdot \text{cdot} \cdot \text{text}(CD) + b_{\text{real}}$

但实际情况是,你想让仿真数据"贴近"真实数据趋势,以更好地为真实数据的回归任务服务,因此需要修正仿真数据。

▶ 修正的推导思路:

希望仿真数据修正后的新趋势(记为 $X_{\text{sim_corrected}}$)满足:

X {\text{sim corrected}} \approx X {\text{real}}

即:

X {\text{sim corrected}} = X {\text{sim}} - \text{趋势差异}

这里『趋势差异』定义为在**相同 CD 值**下,仿真和真实数据趋势(线性关系)的差值:

```
\text{text}{趋势差异} = X {\text{sim 趋势预测}} - X {\text{real 趋势预测}}
```

用公式写清楚, 就是在每个 CD 值对应的点上计算:

```
 X_{\text{sim\_corrected}} = X_{\text{sim}} - \left[ (a_{\text{sim}}) \cdot (\text{CD}) + b_{\text{sim}} \right] - (a_{\text{sim}}) - (a_{\text{sim}}) - (a_{\text{cot}}) + b_{\text{cot}} - (a_{\text{cot}}) \cdot (\text{CD}) + b_{\text{cot}} - (a_{\text{cot}}) \cdot (\text{CD}) + (a_{\text{cot}}) \cdot (\text
```

即:

```
 \begin{split} X_{\text{sim\_corrected}} &= X_{\text{sim}} - (a_{\text{sim}}) - a_{\text{corrected}}) - (b_{\text{sim}}) - b_{\text{cot}} - (b_{\text{sim}}) - b_{\text{cot}} - (b_{\text{sim}}) - b_{\text{cot}} - (b_{\text{cot}}) - (b_{\text{cot}
```

▶ 代码如何实现这个公式的?

对应的 Python 代码解释(与你之前的代码一致):

```
# 拟合真实趋势
```

```
model_real = LinearRegression().fit(y_real.reshape(-1,1), X_real[:, idx])
```

拟合仿真趋势

```
model_sim = LinearRegression().fit(y_sim.reshape(-1,1), X sim[:, idx])
```

预测仿真趋势的数值(仿真趋势线上的点)

```
X sim trend = model sim.predict(y sim.reshape(-1,1))
```

预测真实趋势的数值 (真实趋势线上的点)

```
X real trend = model real.predict(y sim.reshape(-1,1))
```

趋势差异: 仿真趋势 - 真实趋势

```
trend_diff = X_sim_trend - X_real_trend
```

校正: 仿真数据减去趋势差异

```
X sim corrected[:, idx] -= trend diff
```

•上述代码的实质即**在每个仿真数据的 CD 点上,计算并减去了"仿真与真实趋势的差**异"。

▶ 总结(核心思想):

- 拟合真实和仿真数据趋势。
- 找出仿真数据与真实数据的趋势差异。
- 将这个差异应用于仿真数据,实现校正。

通过这个过程,你使仿真数据的趋势更贴近真实数据,从而提高了用仿真数据训练的模型对真实数据的预测精度。

这就是你代码中"趋势差异校正"的本质和详细计算过程的解析。

这里提供几种常见且有效的校正备选方案(线性与非线性),并给出详细的 Python 代码实现:

▶ 备选方案概述:

假设你已经明确了哪些波段趋势差异显著,针对这些波段:

方法	场景	说明
1. 线性回归校正	线性偏差明显	仿真-真实趋势存在明显线性 差异
2. 多项式回归校正	非线性差异明显	趋势存在弯曲、非线性差异
3. 分段线性校正	趋势在不同 CD 范围表现 不同	适合趋势有折点
4. 基于高斯过程回归(GPR) 校正	复杂趋势,少量真实数据	非线性复杂趋势适合

🖍 代码示例:

▶ 方法 1: 线性回归校正

```
from sklearn.linear_model import LinearRegression

def linear_correction(X_sim, y_sim, X_real, y_real, wavelengths, selected_wavelengths):
    X_sim_corrected = X_sim.copy()
    for wl in selected_wavelengths:
        idx = np.where(wavelengths == wl)[0][0]
        model_real = LinearRegression().fit(y_real.reshape(-1,1), X_real[:,idx])
        model_sim = LinearRegression().fit(y_sim.reshape(-1,1), X_sim[:,idx])

# 计算趋势差异
    diff = model_sim.predict(y_sim.reshape(-1,1)) -
model_real.predict(y_sim.reshape(-1,1))
        X_sim_corrected[:, idx] -= diff

return X_sim_corrected
```

▶ 方法 2: 多项式回归校正(非线性)

```
from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures
from sklearn.pipeline import make pipeline
def polynomial correction(X sim, y sim, X real, y real, wavelengths,
selected wavelengths, degree=2):
    X sim corrected = X sim.copy()
    for wl in selected wavelengths:
        idx = np.where(wavelengths == w1)[0][0]
        # 多项式拟合真实趋势
       poly real = make pipeline(PolynomialFeatures(degree),
LinearRegression())
       poly real.fit(y real.reshape(-1,1), X real[:, idx])
        # 多项式拟合仿真趋势
       poly_sim = make_pipeline(PolynomialFeatures(degree),
LinearRegression())
       poly sim.fit(y sim.reshape(-1,1), X sim[:, idx])
        # 计算趋势差异
        diff = poly sim.predict(y sim.reshape(-1,1)) -
poly real.predict(y sim.reshape(-1,1))
        X sim corrected[:, idx] -= diff
    return X_sim_corrected
```

▶ 方法 3: 分段线性校正

```
from sklearn.linear model import LinearRegression
import numpy as np
def piecewise_linear_correction(X_sim, y_sim, X_real, y_real, wavelengths,
selected wavelengths, breakpoint):
    X sim corrected = X sim.copy()
    for wl in selected wavelengths:
        idx = np.where(wavelengths == wl)[0][0]
        # 分段校正
        mask low = y sim <= breakpoint</pre>
        mask high = y sim > breakpoint
        # 低段校正
        model real low = LinearRegression().fit(y real[y real <=</pre>
breakpoint].reshape(-1,1), X real[y real <= breakpoint, idx])</pre>
        model sim low = LinearRegression().fit(y sim[mask low].reshape(-
1,1), X sim[mask low, idx])
        diff low = model sim low.predict(y sim[mask low].reshape(-1,1)) -
model real low.predict(y sim[mask low].reshape(-1,1))
        X sim corrected[mask low, idx] -= diff low
        # 高段校正
        model real high = LinearRegression().fit(y real[y real >
breakpoint].reshape(-1,1), X real[y real > breakpoint, idx])
       model sim high = LinearRegression().fit(y sim[mask high].reshape(-
1,1), X sim[mask high, idx])
        diff high = model sim high.predict(y sim[mask high].reshape(-1,1))
- model_real_high.predict(y_sim[mask_high].reshape(-1,1))
        X sim corrected[mask high, idx] -= diff high
    return X sim corrected
使用时需指定一个合适的 breakpoint (例如中间 CD 值,如 110)。
```

▶ 方法 4: 高斯过程回归(GPR)校正(推荐小样本真实数据时使用)

```
from sklearn.gaussian_process import GaussianProcessRegressor
from sklearn.gaussian_process.kernels import RBF

def gpr_correction(X_sim, y_sim, X_real, y_real, wavelengths,
selected_wavelengths):
    X_sim_corrected = X_sim.copy()
    kernel = RBF(length_scale=1.0)

for wl in selected_wavelengths:
    idx = np.where(wavelengths == wl)[0][0]
```

用真实数据训练 GPR

gpr real =

GaussianProcessRegressor(kernel=kernel).fit(y_real.reshape(-1,1), X_real[:,
idx])

用仿真数据训练 GPR

gpr sim =

GaussianProcessRegressor(kernel=kernel).fit(y_sim.reshape(-1,1), X_sim[:,
idx])

计算趋势差异

return X_sim_corrected

▶ 如何选择合适的方法?

 方法
 适合情景
 样本需求
 稳定性

 线性回归
 明显线性差异
 少量数据即可
 高

分段线性 趋势有明显折点 较多 中等

高斯过程 非线性复杂,真实样本少少量真实数据即可较高

一般建议先尝试『线性』或『多项式回归』,当发现更复杂时再考虑『分段线性』或『高斯过程』。

☑ 推荐实践步骤(示例):

举例调用(多项式回归校正)

selected_wavelengths = [500, 600, 720] # **举例波段**

X_sim_corrected_poly = polynomial_correction(X_sim, y_sim, X_real, y_real, wavelengths, selected_wavelengths, degree=2)

或线性回归校正

X_sim_corrected_linear = linear_correction(X_sim, y_sim, X_real, y_real, wavelengths, selected wavelengths)

★ 下一步使用:

•上述修正后的数据(如 X sim corrected linear)再用来进行后续迁移学习、微调等。

以上代码均可直接使用,帮助你快速进行数据校正,提高模型预测效果。

你目前的问题本质上是:

在完整光谱范围(如 550 维数据)中,不同区间可能有不同类型的域差异(噪声、偏移 Shift、尺度 Scale 变化),如何**自动化识别这些有用区间**,再分别**实施差异校正或变换**。

这需要结合**区间化分析**(Segment Analysis)与**统计/机器学习方法**实现自动区间判断,然后再进行区间级别的变换与校正。

▶ 一、自动识别差异区间的方法:

以下推荐一种清晰可执行的路线:

★(1)光谱自动分段:

建议将550维的完整光谱分成多个更小的区间,比如:

- •均匀划分:如每10~20个波段作为一个区间
- 也可以基于光谱形态、专家知识人为区间化(如果有)

代码示例(简单均匀划分):

def split_spectrum_intervals(wavelengths, interval_size=20):
 intervals = []

```
num_intervals = len(wavelengths) // interval_size
for i in range(num_intervals):
    start = i * interval_size
    end = start + interval_size
    intervals.append((start, end))
    return intervals
intervals = split_spectrum_intervals(wavelengths, interval_size=20)
```

★(2)区间差异类型判断:

自动判断每个区间的差异类型。常见方法是:

• 噪声区间判断:

计算真实数据和仿真数据的信噪比或标准差大小,区间内数据波动大且无明显趋势, 定义为噪声区间。

• shift 或 scale 区间判断:

计算真实数据和仿真数据间的线性回归拟合优度(如决定系数 R²)和回归系数的变化:

- 拟合度高,但截距(intercept)显著不为零 → shift
- 拟合度高,斜率明显偏离 1 → scale (尺度差异)
- 非线性区间判断:

拟合优度(R2)明显偏低或多项式拟合明显优于线性拟合→非线性差异。

代码示例:

```
from sklearn.linear_model import LinearRegression
from sklearn.metrics import r2_score

def classify_interval(X_sim, y_sim, X_real, y_real, start, end):
    interval_type = 'noise'
    sim_interval = X_sim[:, start:end].mean(axis=1)
    real_interval = X_real[:, start:end].mean(axis=1)

# 线性拟合

lr = LinearRegression().fit(sim interval.reshape(-1,1), real interval)
```

```
r2 = lr.score(sim_interval.reshape(-1,1), real_interval)
slope = lr.coef_[0]
intercept = lr.intercept_

if r2 < 0.2:
    interval_type = 'nonlinear'
elif abs(intercept) > 0.1 and abs(slope - 1) < 0.2:
    interval_type = 'shift'
elif abs(slope - 1) > 0.2:
    interval_type = 'scale'
else:
    interval_type = 'usable_linear'

return interval type, r2, slope, intercept
```

•可以调整阈值(如 R², intercept, slope)适合你的数据特征。

▶ 二、基于区间类型进行特征变换和校正:

针对不同区间类型,采用不同的校正策略:

- •噪声(noise)区间: 舍弃(不使用该区间特征)。
- shift 区间:减去 shift (即减去线性拟合的截距)。
- scale 区间:线性缩放(scale 到真实趋势)。
- 非线性(nonlinear): 用非线性回归(如多项式)或高斯过程校正。
- usable linear:不需额外处理,可直接使用。

示例代码实现:

```
def correct_interval(X_sim, y_sim, X_real, y_real, start, end,
interval_type):
    corrected_interval = X_sim[:, start:end].copy()
    sim_interval = X_sim[:, start:end].mean(axis=1)
    real_interval = X_real[:, start:end].mean(axis=1)

    if interval_type == 'shift':
        lr = LinearRegression().fit(sim_interval.reshape(-1,1),
real_interval)
        shift = lr.intercept_
            corrected_interval -= shift

    elif interval_type == 'scale':
        lr = LinearRegression().fit(sim_interval.reshape(-1,1),
real_interval)
```

```
scale = lr.coef_[0]
intercept = lr.intercept_
corrected_interval = corrected_interval * scale + intercept

elif interval_type == 'nonlinear':
    poly = make_pipeline(PolynomialFeatures(2), LinearRegression())
    poly.fit(sim_interval.reshape(-1,1), real_interval)
    correction = poly.predict(sim_interval.reshape(-1,1)) -

sim_interval
    corrected_interval += correction.reshape(-1,1)

# noise 区间不作处理, 因为后续可能会舍弃

return corrected interval
```

▶ 三、完整自动流程示例代码(综合以上两步):

```
interval_results = []
corrected_X_sim = []

for start, end in intervals:
    interval_type, r2, slope, intercept = classify_interval(X_sim, y_sim,
X_real, y_real, start, end)
    print(f"Interval {start}-{end}: type={interval_type}, R²={r2:.2f},
slope={slope:.2f}, intercept={intercept:.2f}")
    if interval_type != 'noise':
        corrected_interval = correct_interval(X_sim, y_sim, X_real, y_real,
start, end, interval_type)
        corrected_X_sim.append(corrected_interval)
        interval_results.append((start, end, interval_type))
    else:
        print(f"Interval {start}-{end} discarded due to noise.")

# 合并所有有效区间,得到校正后的完整数据
corrected_X_sim = np.hstack(corrected_X_sim)
```

▶ 四、后续步骤:

- 使用校正后的特征(corrected X sim)进行迁移学习、回归建模。
- 真实数据同样以对应区间(除噪声区间外)拼接,形成匹配的训练和验证集。

▶ 五、总结和推荐做法:

- 自动区间划分 → 差异类型自动判断 → 针对性校正或舍弃。
- 对每个小区间单独分析, 比整体分析更加细致有效。
- •以上代码示例易于实现,效果较稳健。

推荐先以此为基础,在你数据上测试,具体参数(区间大小、判断阈值)根据实验调整。

你现在遇到的情况是:

- •用少量真实数据(~10个样本)做 PLS 回归,效果不错(R²≈0.85)。
- 手上还有大量仿真数据(~6000个样本),但仿真光谱与真实光谱有差异。

因此下一步明确的目标是:

如何有效将仿真数据融入当前 PLS 建模中,以进一步提升真实数据预测精度?

► 为什么 PLS 回归已有良好效果?

- PLS(偏最小二乘)擅长在少量样本下对高维特征进行建模,已挖掘到真实数据中的有效信息。
- •但是,样本太少,模型可能仍未挖掘完全的信息,进一步提升可能性仍存在。

► 如何将仿真数据有效融入 PLS 中?

这里有三种明确且易实施的策略:

▼(一) 仿真数据预训练+真实数据微调(迁移学习式 PLS)

思路:

- •第一步: 用仿真数据训练 PLS 回归模型,得到初始 PLS 权重。
- 第二步: 再用真实数据进一步调整或修正 PLS 模型权重(类似迁移学习的思路)。

具体实践:

- PLS 虽然本身无『微调』机制,但可实现**组合式迁移**:
- 1. 用仿真数据确定 PLS 的潜变量数量和主要权重。
- 2. 用真实数据再做一次 PLS, 但初始化时或通过权重修正时参考仿真 PLS 的结果。

代码示例(简单实现):

from sklearn.cross decomposition import PLSRegression

Step1: **仿真数据预训练**

pls_sim = PLSRegression(n_components=5)
pls sim.fit(X sim, y sim)

提取仿真 PLS 权重

X weights sim = pls sim.x weights

Step2: 真实数据微调

pls_real = PLSRegression(n_components=5)
pls_real.fit(X_real, y_real)

微调 (融合仿真权重): 用简单的加权平均权重示例

alpha = 0.7 # **控制权重融合程度**

```
pls_real.x_weights_ = alpha * pls_real.x_weights_ + (1 - alpha) *
X weights sim
```

- 实践中 alpha 可调,类似迁移学习的微调因子。
- 最后用调整后的 pls real 进行预测。

★(二) 先用仿真数据校正真实数据的光谱,再用 PLS 建模(数据融合式)

思路:

- •根据前文『区间校正』, 先校正仿真数据到真实数据域。
- 然后用**真实数据+校正后的仿真数据**共同训练 PLS 模型,增加有效数据量。

步骤明确:

- 执行前面讨论的区间校正或趋势校正(线性/多项式)。
- 校正后数据: X_sim_corrected、y_sim。
- 合并真实数据和校正仿真数据, 训练 PLS:

```
X_combined = np.vstack([X_real, X_sim_corrected])
y_combined = np.concatenate([y_real, y_sim])

pls_combined = PLSRegression(n_components=5)
pls_combined.fit(X_combined, y_combined)
```

这样做优点明显:

- •利用大量校正仿真数据,显著降低过拟合风险。
- 提升 PLS 稳定性和泛化能力。

★(三) Stacking 融合 PLS 模型(更稳健方案)

思路:

- •用仿真数据和真实数据分别训练两个独立 PLS 模型。
- 再用真实数据训练一个简单的 Stacking 模型融合两个 PLS 模型预测结果。

步骤:

- 1. 用仿真数据训练 PLS (pls sim), 真实数据训练 PLS (pls real)。
- 2. 再用真实数据训练融合模型 (例如线性回归):

from sklearn.linear model import LinearRegression

分别训练仿真和真实 PLS

```
pls_sim = PLSRegression(n_components=5).fit(X_sim, y_sim)
pls_real = PLSRegression(n_components=5).fit(X_real, y_real)
```

用真实数据训练融合模型

```
pred_real_from_sim = pls_sim.predict(X_real)
pred_real_from_real = pls_real.predict(X_real)

stacker = LinearRegression().fit(
    np.hstack([pred_real_from_sim, pred_real_from_real]),
    y_real
)
```

最终预测新数据:

```
def predict_stacking(X_new):
    pred1 = pls_sim.predict(X_new)
    pred2 = pls_real.predict(X_new)
    final_pred = stacker.predict(np.hstack([pred1, pred2]))
    return final_pred
```

• 这种方法稳健可靠,融合不同域特征。

▶ 推荐实践流程(最佳方案):

推荐第二种(数据校正融合后 PLS 建模)方案:

- 原因:
- 直观有效, 充分发挥 PLS 模型特性。
- 已有前面的特征校正代码可复用,实施简便。
- 对少量真实数据提升效果明显。

▶ 具体推荐实践步骤:

1. 校正仿真数据:

```
X_sim_corrected = polynomial_correction(X_sim, y_sim, X_real, y_real,
wavelengths, selected wavelengths, degree=2)
```

2. 合并训练 PLS 模型:

```
from sklearn.cross_decomposition import PLSRegression

X_combined = np.vstack([X_real, X_sim_corrected])
y_combined = np.concatenate([y_real, y_sim])

pls_final = PLSRegression(n_components=5)
pls_final.fit(X_combined, y_combined)
```

3. 评估模型效果:

```
y_pred = pls_final.predict(X_real)
from sklearn.metrics import r2_score
r2 = r2_score(y_real, y_pred)
print("融合仿真数据后的真实数据 R²: ", r²)
```

▶ 进一步提高精度的技巧:

- 微调 n components 潜变量数量。
- 仿真数据校正方式调整(非线性→分段校正等)。
- 增加数据增强(例如对真实数据的微小随机扰动)。

☑ 结论与推荐:

- PLS + 仿真数据融合(校正仿真数据后加入真实数据建模) 是你当前场景下最有效的方式。
- •明确且易实现,预计可以进一步显著提高目前(0.85)的性能。

你可优先按上述第二种方法进行实践,进一步优化参数,有问题随时再讨论。

光谱数据的标准化方法选择至关重要,会显著影响模型表现和后续分析结果。以下推荐几种最适合光谱数据的标准化方法,并明确说明适用场景:

▶ 光谱数据常用标准化方法(推荐顺序):

方法	原理	适用场景	推荐指数
矢量归一化(Vector Normalization)		关注光谱形状而非绝对 强度时(如余弦相似 度、PLS 模型)	
标准正态变换(Standard Normal Variate, SNV)	每根光谱减去自身均 值再除以自身标准差		
Min-Max 标准化	线性缩放到[0,1]区间	强调波段之间相对幅度 变化时	
均值中心化(Mean Centering)	每个波段减去所有样 本的均值	PLS 回归的基本前处理 步骤	

★1. 最推荐:矢量归一化(Vector Normalization)

优点:

- 消除光谱强度的尺度影响,聚焦光谱形态。
- 非常适合基于光谱形状的相似性评估(余弦相似度)。

实现代码:

```
import numpy as np

def vector_normalize(X):
    norms = np.linalg.norm(X, axis=1, keepdims=True)
    X_norm = X / norms
    return X_norm
```

X_norm = vector_normalize(X)

适用场景:

- •光谱形状、趋势比较(余弦相似度、相关性计算)。
- •基于形态的回归模型(PLS、CNN)。

★ 2. SNV(Standard Normal Variate)变换

SNV 非常适合光谱数据,是一种样本内标准化方法:

优点:

- 消除散射效应、样品厚度变化、仪器漂移等造成的偏移和尺度差异。
- 在红外光谱(NIR、MIR)数据分析中表现出色。

实现代码:

```
def SNV(X):
    mean = np.mean(X, axis=1, keepdims=True)
    std = np.std(X, axis=1, keepdims=True)
    X_snv = (X - mean) / std
    return X_snv

X snv = SNV(X)
```

适用场景:

- •特别推荐红外、近红外、拉曼光谱数据。
- •提高模型的鲁棒性,减小样本间整体差异。

★3. 均值中心化(Mean Centering)

几乎所有 PLS 回归任务中都会用到:

优点:

- •突出各波段的变化趋势,去除波段整体偏移。
- 非常适合 PLS 回归的前处理。

实现代码:

```
def mean_centering(X):
    mean = np.mean(X, axis=0)
    X_mc = X - mean
    return X_mc

X_mc = mean_centering(X)
```

适用场景:

• PLS、PCA 前的常规处理。

★ 4. Min-Max 标准化

在波段特征的尺度变化较大时有帮助:

优点:

• 把所有波段压缩到统一尺度(0~1),直观简单。

缺点:

• 易受极值影响,不太适合有明显异常值的光谱数据。

实现代码:

```
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler
scaler = MinMaxScaler()
X_scaled = scaler.fit_transform(X)
```

适用场景:

- 部分机器学习方法(神经网络)对输入尺度敏感时使用。
- •在PLS中并非最佳选择。

▶ 推荐使用的完整组合方案(综合考虑):

针对你的情况(PLS 建模 + 相似性判断),最佳组合:

·SNV + 均值中心化(推荐)

或

• 矢量归一化 + 均值中心化(次优选择)

代码示例(SNV+均值中心化):

先 SNV

 $X_snv = SNV(X)$

再均值中心化

X processed = mean centering(X snv)

▶ 各方法适用场景快速决策表:

场景 推荐标准化

强调光谱整体形状和趋势 矢量归一化 去除仪器漂移、散射效应 SNV PLS/PCA 模型(一般) 均值中心化 波段尺度差异大 Min-Max

☑ 明确推荐:

- 如果你的光谱为**红外或近红外光谱**,优先考虑 **SNV**。
- 如果主要关注光谱整体趋势,特别是计算相似性,推荐使用 矢量归一化。

•后续再对数据进行均值中心化是常规步骤。

示例:

最佳实践(推荐你当前场景使用)

X final = mean centering(SNV(X))

▶ 最终结论 (明确给你当前情景的最佳推荐):

你目前的情景(PLS 建模+相似性评估):

最佳实践:

SNV 标准化后均值中心化

X_processed = mean_centering(SNV(X))

标准化完成后的数据再用于:

- · PLS 模型建模;
- •马氏距离或余弦相似度计算相似性;
- 有效提升模型性能与预测可信性评价。

以上建议清晰明确,强烈建议采用。