v1.0

GenomeTrax Manual

SNUH
서울대학교병원의생명연구원

SNUH
서울대학교병원의생명연구원

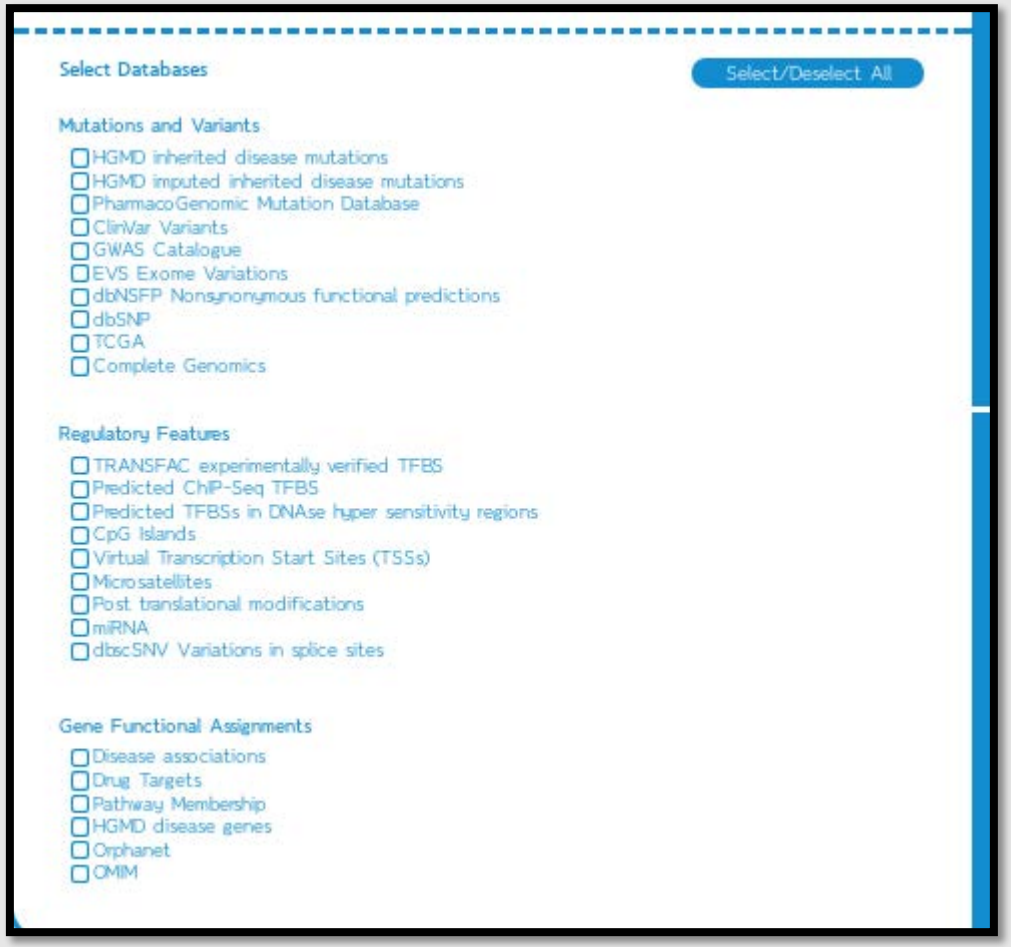
목차

- Search
- Result

Search

1. Genome을 선택합니다(hg18, hg19, hg38)

Search



2. 검색할 데이터베이스를 선택합니다.

* 'Select/Deselect All' 버튼을 통해 **전 데이터베이스를 선택/해제**할 수 있습니다.

Search(Coordinates)

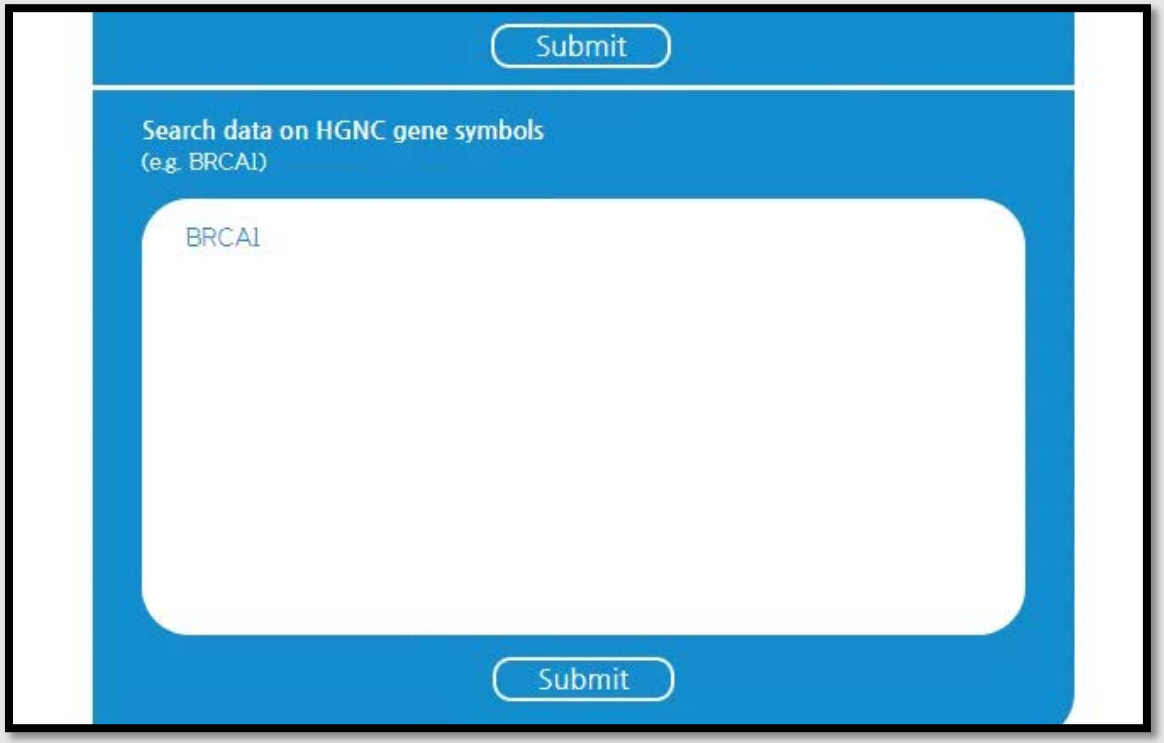
3. Coordinates 검색방법

chr[ver]:[featureStart]-[end] [Nucleotide Change] [Gene Name]

ex) chr17:7154000-7764532 A>C TP53

- 각 항목은 '**띄어쓰기**'로 구분하여야 합니다.
- **chr[ver]:[featureStart]–[end]**는 **무조건** 입력해주셔야 합니다.
- **Nucleotide**와 **hgnc** **없이** 검색이 가능합니다.
- 검색어 입력 후, 하단에 위치한 Submit버튼을 누르시면 됩니다.
- **검색 결과는 최대 1,000,000개로 제한됩니다.**

Search(Gene Name)



3-2. Gene Name(Hgnc) 검색 방법

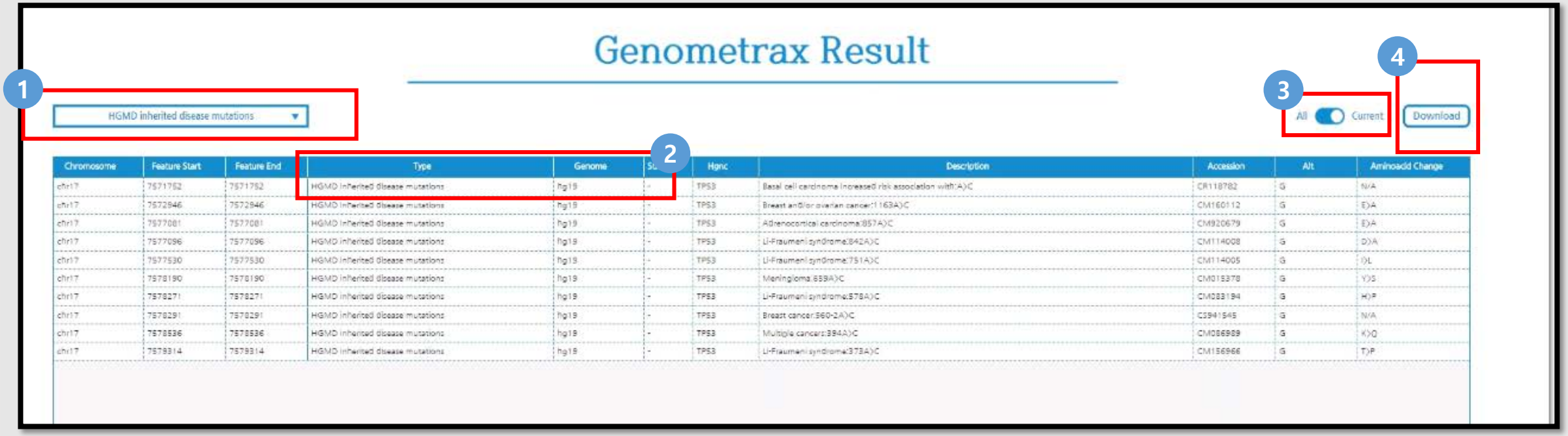
[hgnc]

ex) BRCA1

- **Gene Name**만 입력해 주시면 됩니다.
- 검색 입력 후, 하단에 위치한 '**Submit**'버튼을 누르시면 됩니다.

Result

1) 데이터베이스 목록
2) Column별 필터링
3) All/Current 버튼
4) Download 버튼

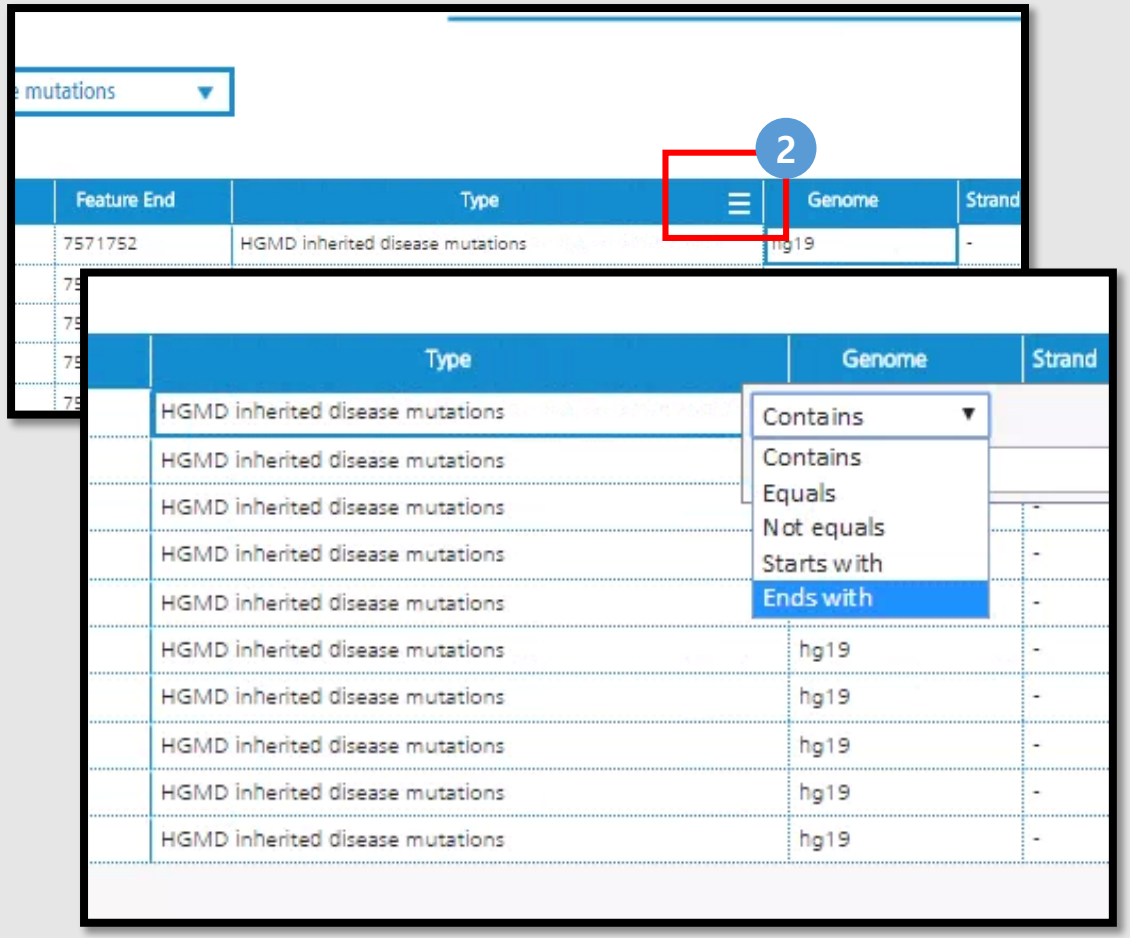


Result(DB List)

4-1) 데이터베이스 목록

- 다중의 데이터베이스를 선택하여 검색한 경우, **특정 데이터베이스를 선택**하여 결과를 확인할 수 있습니다.
- 해당 버튼 클릭하면 데이터 베이스 목록이 보여지며, 그 목록 중 하나를 선택하면 **결과가 전환**됩니다.

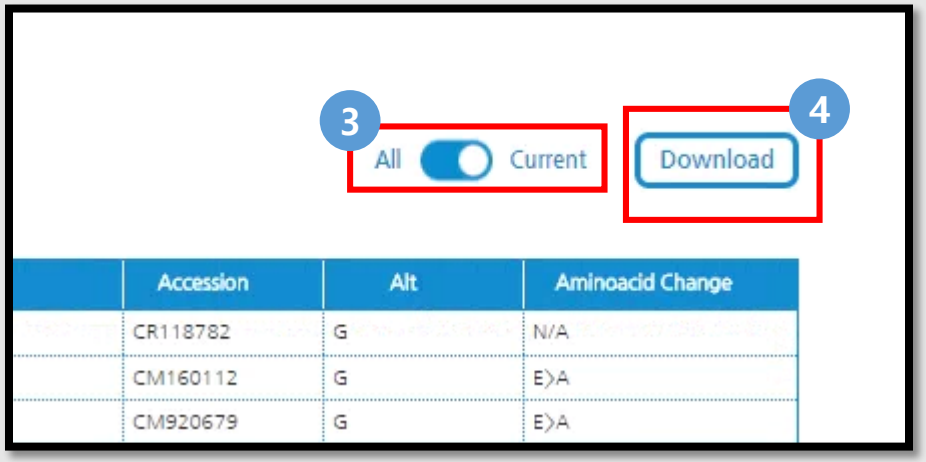
Result(Filtering)



4-2) Column별 필터링

- 특정 결과를 필터링 하여 보고 싶을 때 사용합니다.
- **특정 열에 마우스를 올리면** 메뉴(흰색 세줄)이 활성화 됩니다.
- 해당 버튼을 클릭하면 다양한 조건으로 검색이 가능합니다.
  - Contains : 해당 검색어를 포함
  - Equals : 검색어와 정확히 일치
  - Not equals : 해당 문자열과 불일치
  - Starts With : 검색어로 시작
  - Ends with : 검색으로 종결

Result(All/Current, Download)



4-3) All/Current 버튼

- 결과를 엑셀파일로 다운로드 할 때, 저장할 데이터베이스를 선택합니다.
- **All** : 모든 데이터베이스가 **각각 시트별로 구분**되어 하나의 엑셀파일로 다운로드합니다.
- **Current** : 현재 데이터베이스를 하나의 엑셀파일로 다운로드 받습니다.
  - 이때, **필터링 된 결과** 그대로 저장됩니다.

4-4) Download 버튼

- 검색한 결과를 **엑셀 파일로 다운로드** 받습니다.
- **All/Current**에 따라 결과가 달라지며, Current의 경우 필터링 결과에 따라 저장되는 내용이 달라집니다.

SNUH
서울대학교병원의생명연구원

E N D