



个人资料

PERSONAL

姓名: 李新
性别: 男
出生年月: 1994.01
民族: 汉族
籍贯: 山西大同

政治面貌: 党员
住址: 山西太原
邮箱: xinli_0111@126.com
电话: 17810266110



教育经历

EDUCATION

2011.09–2015.06	沈阳大学	生物科学（师范）	本科	
2015.09–2018.06	沈阳师范大学	动物学	硕士	导师: 张春田 教授
2016.03–2018.03	中国农业大学	联合培养		导师: 杨 定 教授
2018.09–2023.07	中国农业大学	农业昆虫与害虫防治	博士	导师: 杨 定 教授

发表文章

PUBLICATION

共发表 SCI 文章 11 篇，一作 7 篇（含 1 共一），二作 4 篇。其中一篇为国际高水平文章，五年影响因子 14.478。参编著作 4 部。

1. Li, X., & Wiens, J. J. (2022). Estimating Global Biodiversity: the Role of Cryptic Insect Species. **Systematic Biology**, syac069. <https://doi.org/10.1093/sysbio/syac069> (SCI 1 区 Top 期刊, 5yIF=14.478)
2. Li, X., Cai, X., Ding, S., Wang, L., Li, W., Liu, X., Zhang, C. & Yang, D. (2023). Phylogeny and evolutionary timescale of Muscidae (Diptera: Calyptratae) inferred from mitochondrial genomes. **Insects**, 14, 286. (SCI 1 区, 中科院 2 区, 5yIF=3.286)
3. Li, X., Wang, L., & Yang, D. (2022). The complete mitochondrial genome of *Ornithomya biloba* (Diptera, Hippoboscidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 7(5), 856–858. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
4. Li, X., Zhou, J., Wang, L., Hou, P., & Yang, D. (2020). The mitochondrial genome of *Prosthiochaeta* sp. (Diptera: Platystomatidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 5(3), 2557–2558. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
5. Li, X., Wang, L., Li, Z., Hou, P., & Yang, D. (2019). The mitochondrial genome of *Formicosepsis* sp. (Diptera: Cypselosomatidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(2), 2140–2141. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
6. Li, X., Ding, S. M., Hou, P., Liu, X. Y., Zhang, C. T., & Yang, D. (2017). Mitochondrial genome analysis of *Ectophasia rotundiventris* (Diptera, Tachinidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 2(2), 457–458. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
7. Yang, Q.[#], Li, X.[#], Li, Z., Pan, Z., & Yang, D. (2019). The mitochondrial genome analysis of *Trypetoptera punctulata* (Diptera: Sciomyzidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(1), 97–98. (共一, SCI 4 区, 5yIF=0.628)
8. Li, M., Li, X., Gao, Y., Cai, X., & Yang, D. (2022). The complete mitochondrial genome of *Hybos grossipes* (Linnaeus, 1767) (Diptera: Empididae). **Mitochondrial DNA Part B**, 7(11), 1913–1915. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
9. Liu, J., Li, X., Cai, X., Du, B., Liu, X., & Yang, D. (2021). The complete mitochondrial genome of *Dicraeus orientalis* Becker, 1911 (Diptera: Chloropidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 6(3), 951–952. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)



10. Wang, L., Li, X., & Yang, D. (2019). The complete mitochondrial genome of *Silba* sp. (Diptera: Lonchaeidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(2), 2694–2695. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
11. Zhang, C., Li, X., Wang, L., Dong, H., & Yang, D. (2019). The complete mitochondrial genome of *Anthomyza* sp. (Diptera: Anthomyzidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(2), 2813–2814. (SCI 4 区, 5yIF=0.628)
12. 李新 (编委, 作者) (2020). 中国生物物种名录. 昆虫. 双翅目. 短角亚目. 蝇类, 北京: 科学出版社, 1–1331.
13. 李新 (作者): 刺股蝇科. 杨定, 姚刚等 (2022). 浙江昆虫志第九卷双翅目短角亚目, 北京: 科学出版社, 1–402 + 24 图版.
14. 李新 (编委, 作者): 寄蝇亚科, 追寄蝇亚科部分, 总论, 图版部分. 张春田等 (2016). 东北地区寄蝇科昆虫, 北京: 科学出版社, 1–698 + 14 图版.
15. 侯鹏, 张春田, 王强, 范宏烨, 李新. 寄蝇科. 石福明, 王建军等 (2018). 历山昆虫与蛛形动物, 北京: 科学出版社, 1–613 + 12 图版.

学术经历

ACADEMIC EXPERIENCE

参与项目 (6 项)

1. 国家自然科学基金重点项目 32130012, 脉翅总目昆虫的系统演化: 争议节点类群系统地位的确立及多样性的演化格局 2022–2026
2. 科技部科技基础资源调查专项课题 2019FY1004002, 双翅目半翅目草原有害昆虫多样性调查 2020–2024
3. 国家自然科学基金面上项目 31970444, 中国驼舞虻亚科分类和系统发育研究 2020–2023
4. 国家自然科学基金应急管理项目 31750002, 中国动物志 双翅目寄蝇科突颜寄蝇亚科 2018–2022
5. 科技部国家重点研发计划-重点专项子课题 2017YFD0201001-1, 双翅目及脉翅目天敌资源挖掘与信息/数据库构建 2017–2020
6. 国家科技基础条件平台工作重点项目, 动物标本标准化整理与数字化表达 2005DKA21402 2017、2018、2019

学术活动 (4 次)

- 生物系统学论坛 2016、2017、2018
- 中国昆虫学会分类与区系学术会议 2015

野外采集经历 (7 省)

- 青海门源、互助 2019
- 陕西秦岭山脉, 北京门头沟灵山 2018
- 云南绿春黄连山 2016、2017、2018
- 广西金秀猫儿山, 湖北十堰, 辽宁抚顺、清源 2015

专业技能

PROFESSIONAL SKILL

分 类 学 标本采集、绘图、拍照、图片处理等。

分子生物学 DNA 提取、PCR 扩增、高通量测序组装、生物信息学分析、系统发育分析以及相关分析。



- 计算机技能** 具有 Linux 基础，在校期间维护 3 台服务器的系统安装（Ubuntu 和 CentOS 系统）及相关分析软件；编写多个简化分析的 Python 程序脚本；可以使用 R 语言进行分析和作图。
- 掌握软件** Adobe Photoshop, Apptainer, BarcodingR, BioEdit, Clustal Ω, DNAMAN, Docker, Endnote, Geneious, Helicon Focus, IDBA_UD, iTOL, jMOTU, MAFFT, Mega 7, MitoZ, Mrbayes, Muscle, NOVOPlasty, PartitionFinder, Phylosuite, RAxML, Snakemake, Supertree, TaxonDNA 等等。
- 相关证书** 英语 CET 四级 507/六级 519、CET 口语 C+、国家计算机二级、高级中学教师资格证、普通话二级甲等、机动车驾驶证 C1。
- 相关课程** 生物信息学、生物统计学、昆虫生物地理、人体及动物生理、细胞生物学、昆虫分类学、专业英语、教育学、心理学、生物学教学论。

所获荣誉

AWARD

中国农业大学·大北农励志奖学金	2021–2022 学年
中国农业大学·寻梦未来奖学金	2019–2020 学年
中国农业大学·学业一等奖学金	2018–2019 学年
中国教育部·研究生国家奖学金	2017 年
沈阳师范大学·学业二等奖学金	2016–2017 学年
沈阳师范大学·学业三等奖学金	2015–2016 学年

自我评价

SELF-EVALUATION

- 具备昆虫系统分类学专业基础知识以及分子系统发育分析的相关知识。已发表 11 篇 SCI 论文（一作 7 篇，二作 4 篇）。
- 熟练掌握 Linux 系统基本操作、Python 脚本编写和系统发育分析相关软件的安装和使用。在校期间，创建实验室共享知识库。编写系统发育分析相关教程 20 余篇，整理 60 余篇系统发育分析所需 Linux 系统的相关知识。
- 具有良好的英语表达和写作能力。与国外导师 John J. Wiens（亚利桑那大学）合作两年，发表 SCI 一区文章 1 篇。
- 熟练掌握办公、科研、编书所用的软件。在读期间参与多部著作的编写，曾深度参与《东北地区寄蝇科昆虫》（科学出版社）一书的编写和格式的建立与修改。
- 学习能力强，思维逻辑性强。有比较强的团队沟通和组织能力。
- 本人也愿意继续学习新的其它领域的知识和技能。

工作计划

WORK PLAN

- 研究昆虫分类、系统发育关系以及分化历史。
- 研究物种分化率与生物多样性之间的联系。
- 融入新团队，与新团队开展合作研究。
- 服从学院安排，承担相关课程的教学任务。