



## 个人资料

## PERSONAL

姓 名： 李新  
性 别： 男  
出生年月： 1994.01  
民 族： 汉族  
政治面貌： 党员  
邮 箱： xinli\_0111@126.com  
电 话： 17810266110



## 教育经历

## EDUCATION

**博士**  
2018 年 9 月–2023 年 6 月  
中国农业大学  
植物保护学院·昆虫学系

**硕士**  
2015 年 9 月–2018 年 6 月  
沈阳师范大学  
生命科学学院·昆虫学系

**本科**  
2011 年 9 月–2015 年 6 月  
沈阳大学  
生命科学学院·生物科学系

## 所获荣誉

## AWARD

|                 |              |
|-----------------|--------------|
| 中国农业大学·大北农励志奖学金 | 2021–2022 学年 |
| 中国农业大学·学业二等奖学金  | 2019–2020 学年 |
| 中国农业大学·学业一等奖学金  | 2018–2019 学年 |
| 中国教育部·研究生国家奖学金  | 2017 年       |
| 沈阳师范大学·学业二等奖学金  | 2016–2017 学年 |
| 沈阳师范大学·学业三等奖学金  | 2015–2016 学年 |

## 学术经历

## ACADEMIC EXPERIENCE

### 昆虫系统学与进化实验室 导师：杨 定 教授

使用线粒体全基因组数据重建双翅目家蝇科 Muscidae 亚科间系统发育关系，并基于新的系统发育树重新估计家蝇科及其亚科的分歧时间。

与国外导师 John J. Wiens 合作。基于谱系地理研究中昆虫隐存种的比例，结合动植物、线虫、细菌和昆虫之间的关系，估计全球生物多样性。并通过降低由于相关研究准入条件造成的偏差和不同的数据处理方式验证了数据的稳定性和合理性。

### 辽宁省进化与生物多样性重点实验室 导师：张春田 教授

使用 DNA 条形码技术识别和鉴定双翅目寄蝇科 Tachinidae 昆虫，探究分子种和形态种存在分歧的物种是否存隐存种，并且通过对比不同分子鉴定方法在寄蝇科昆虫中的鉴定结果和形态种一致的比例来寻找最适合寄蝇科昆虫的分子鉴定方法。



## 学术活动 Academic Activity

|                 |                |
|-----------------|----------------|
| 生物系统学论坛         | 2016、2017、2018 |
| 中国昆虫学会分类与区系学术会议 | 2015           |

## 参与项目 Participated Project

1. 国家自然科学基金重点项目 32130012, 脉翅总目昆虫的系统演化: 争议节点类群系统地位的确立及多样性的演化格局 2022–2026
2. 科技部科技基础资源调查专项课题 2019FY1004002, 双翅目半翅目草原有害昆虫多样性调查 2020–2024
3. 国家自然科学基金面上项目 31970444, 中国驼舞虻亚科分类和系统发育研究 2020–2023
4. 国家自然科学基金应急管理项目 31750002, 中国动物志 双翅目寄蝇科突颜寄蝇亚科 2018–2022
5. 科技部国家重点研发计划-重点专项子课题 2017YFD0201001-1, 双翅目及脉翅目天敌资源挖掘与信息/数据库构建 2017–2020
6. 科技部 xxx 专项课题, 动物标本标准化整理与数字化表达 2005DKA21402 2017、2018、2019

## 野外采集经历 Experience of field collection

|                |                |
|----------------|----------------|
| 青海门源、互助        | 2019           |
| 陕西秦岭山脉、北京门头沟灵山 | 2018           |
| 云南绿春黄连山        | 2016、2017、2018 |
| 广西金秀猫儿山、湖北十堰   | 2015           |

## 专业技能

## PROFESSIONAL SKILL

|         |   |
|---------|---|
| 分 类 学   | 标本采集、绘图、拍照、图片处理等。   |
| 分子生物学   | DNA 提取、PCR 扩增、高通量测序组装、生物信息学分析、系统发育分析以及相关分析。   |
| 计算机技能   | 具有 Linux 基础, 在校期间维护 3 台服务器的系统安装 (Ubuntu 和 CentOS 系统) 及相关分析软件; 编写多个简化分析的 Python 程序脚本; 可以使用 R 语言进行分析和作图。  |
| 掌 握 软 件 | AdobePhotoshop, Apptainer, BarcodingR, BioEdit, Clustal Ω, DNAMAN, Docker, Endnote, Geneious, Helicon Focus, IDBA_UD, iTOL, jMOTU, MAFFT, Mega 7, MitoZ, Mrbayes, Muscle, NOVOPlasty, PartitionFinder, Phylosuite, RAxML, Snakemake, Supertree, table2asn, TaxonDNA |
| 相 关 证 书 | 英语 CET 四级 507/六级 519、CET 口语 C+、国家计算机二级、高级中学教师资格证、普通话二级甲等。   |
| 相 关 课 程 | 生物信息学、生物统计学、昆虫生物地理、昆虫分类学、专业英语、教育学、心理学、生物学教学论。   |

## 发表文章

## PUBLICATION

1. Li, X., & Wiens, J. J. (2022). Estimating Global Biodiversity: the Role of Cryptic Insect Species. **Systematic Biology**, syac069. (SCI 1 区 Top 期刊, IF=9.16)
2. Li, X., Cai, X., Ding, S., Wang, L., Zhang, C. & Yang, D. The phylogeny and evolutionary timescale of house flies (Diptera: Muscidae) inferred from mitochondrial genomes. **Insects**. (准备投稿)



3. Li, X., Wang, L., & Yang, D. (2022). The complete mitochondrial genome of *Ornithomya biloba* (Diptera, Hippoboscidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 7(5), 856–858. (SCI 4 区 0.61)
4. Li, X., Zhou, J., Wang, L., Hou, P., & Yang, D. (2020). The mitochondrial genome of *Prosthiochaeta* sp. (Diptera: Platystomatidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 5(3), 2557–2558. (SCI 4 区 0.61)
5. Li, X., Wang, L., Li, Z., Hou, P., & Yang, D. (2019). The mitochondrial genome of *Formicosepsis* sp. (Diptera: Cypselosomatidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(2), 2140–2141. (SCI 4 区 0.61)
6. Li, X., Ding, S. M., Hou, P., Liu, X. Y., Zhang, C. T., & Yang, D. (2017). Mitochondrial genome analysis of *Ectophasia rotundiventris* (Diptera, Tachinidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 2(2), 457–458. (SCI 4 区 0.61)
7. Yang, Q.#, Li, X.#, Li, Z., Pan, Z., & Yang, D. (2019). The mitochondrial genome analysis of *Trypetoptera punctulata* (Diptera: Sciomyzidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(1), 97–98. (共一, SCI 4 区 0.61)
8. Liu, J., Li, X., Cai, X., Du, B., Liu, X., & Yang, D. (2021). The complete mitochondrial genome of *Dicraeus orientalis* Becker, 1911 (Diptera: Chloropidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 6(3), 951–952. (SCI 4 区 0.61)
9. Zhang, C., Li, X., Wang, L., Dong, H., & Yang, D. (2019). The complete mitochondrial genome of *Anthomyza* sp. (Diptera: Anthomyzidae). **Mitochondrial DNA Part B**, 4(2), 2813–2814. (SCI 4 区 0.61)
10. Hou, P., Li, X., Yang, D., & Zhang, C. (2018). Taxonomic study of *Gonia* Meigen (Diptera: Tachinidae) from China. **Zoological Systematics**, 43(03), 64–78.

## 自我评价

## SELF-EVALUATION

- 具备昆虫系统分类学专业基础知识以及分子系统发育分析的相关知识。已发表多篇 SCI 论文。
- 熟练掌握办公、科研、编书所用的软件。在读期间参与多部著作的编写，曾深度参与《东北地区寄蝇科昆虫》（科学出版社）一书的编写和格式的建立与修改。
- 熟练掌握 Linux 系统基本操作和系统发育分析相关软件的安装和使用。在校期间，创建实验室共享知识库。编写系统发育分析相关教程 20 余篇，整理 60 余篇系统发育分析所需 Linux 系统的相关知识点。
- 具有良好的英语表达和写作能力。与国外导师 John J. Wiens（亚利桑那大学）合作两年，发表 SCI 一区文章 1 篇。
- 学习能力强，思维逻辑性强，善于接受新知识。
- 有比较强的团队沟通和组织能力。
- 本人也愿意继续学习新的其它领域的知识和技能。