

YANA S. PEREIRA

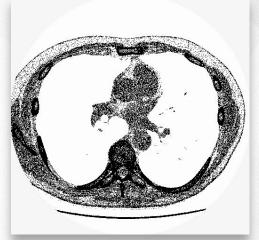
SEGMENTAÇÃO DE IMAGENS DE TOMOGRAFIA COMPUTADORIZADA PULMONAR ATRAVÉS DA CNN U-NET

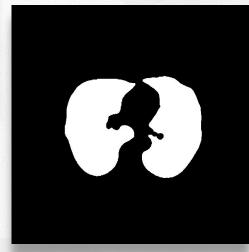
Orientação: Prof. Dr. Anderson Meneses e Prof. Me. Davi Guimarães

Sumário

1.	Banco de Dados	03
2.	Implementação	05
3.	Análise de desempenho: treino e validação	17
4.	Trabalhando com dados de teste	18
5.	Análise de desempenho: teste	20
6.	Conclusão	21
7.	Referências	22

1.1. Banco de Dados





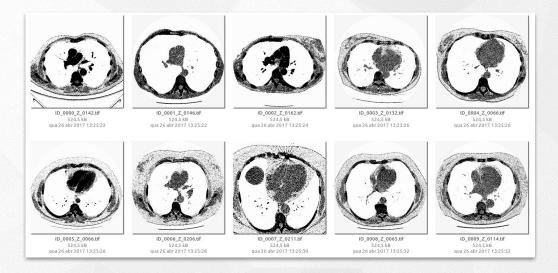
 Banco de Dados: Finding and Measuring Lungs in CT Data

Disponível em:

https://www.kaggle.com/datasets/kmader/finding-lungs-in-ct-data?select=2d_masks.zip

1.2. Organização inicial dos dados

• Imagens 2D (.*tif*) - 267 itens



• Máscaras 2D (.*tif*) - 267 itens



2.1. Importando bibliotecas

- 0s;
- Numpy;
- Pandas;
- Cv2;

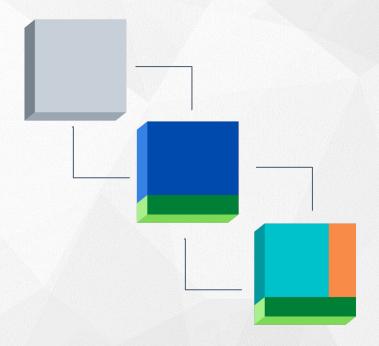
- Matplotlib;
- Sklearn;
- TensorFlow;
- Keras.

```
import os
import numpy as np # linear algebra
import pandas as pd # data processing, CSV file I/O (e.g. pd.read_csv)
import cv2
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.model_selection import train_test_split

from keras import *
from keras.models import Model
from keras.layers import *
from tensorflow.keras.optimizers import Adam
from keras.regularizers import l2
from keras.preprocessing.image import ImageDataGenerator
import keras.backend as K
from keras.callbacks import LearningRateScheduler, ModelCheckpoint
```

2.2. Divisão geral dos dados

Divisão dos dados



- Dados de Treino e Validação (80% = 214)
- Dados de Teste (20% = 53)
- Dados de Treino (80%*80% = 171)
- Dados de Validação (20%*80% = 43)

2.3. Importando dados (treino e validação)

Criação de variáveis para o conteúdo dos diretórios

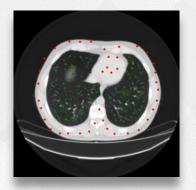


```
#Dados de treino e validação
IMAGE_LIB = '/path/2d_images/'
MASK_LIB = '/path/2d_masks/'
```

```
#Dados de teste
IMAGE_TEST_LIB = '/path/2d_images_test/'
MASK_TEST_LIB = '/path/2d_masks_test/'
```

Determinação das dimensões das imagens e do seed

```
IMG_HEIGHT, IMG_WIDTH = 32, 32
SEED=42
```



2.3. Importando dados (treino e validação)

Mudança dos nomes dos arquivos e redimensionamento dos elementos, salvando-os em matrizes

```
all_images = [x for x in sorted(os.listdir(IMAGE_LIB)) if x[-4:] == '.tif']

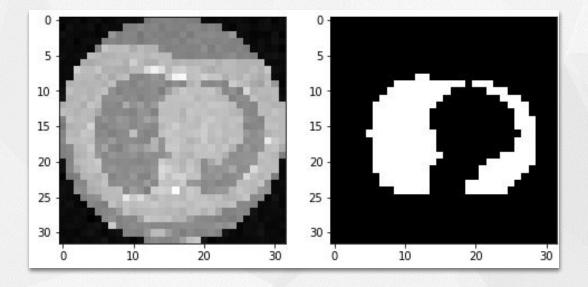
x_data = np.empty((len(all_images), IMG_HEIGHT, IMG_WIDTH), dtype='float32')
for i, name in enumerate(all_images):
    im = cv2.imread(IMAGE_LIB + name, cv2.IMREAD_UNCHANGED).astype("int16").astype('float32')
    im = cv2.resize(im, dsize=(IMG_WIDTH, IMG_HEIGHT), interpolation=cv2.INTER_LANCZOS4)
    im = (im - np.min(im)) / (np.max(im) - np.min(im))
    x_data[i] = im

y_data = np.empty((len(all_images), IMG_HEIGHT, IMG_WIDTH), dtype='float32')
for i, name in enumerate(all_images):
    im = cv2.imread(MASK_LIB + name, cv2.IMREAD_UNCHANGED).astype('float32')/255.
    im = cv2.resize(im, dsize=(IMG_WIDTH, IMG_HEIGHT), interpolation=cv2.INTER_NEAREST)
    y_data[i] = im
```

2.4. Verificação dos dados

• Exibindo a primeira imagem e a primeira máscara

```
fig, ax = plt.subplots(1,2, figsize = (8,4))
ax[0].imshow(x_data[0], cmap='gray')
ax[1].imshow(y_data[0], cmap='gray')
plt.show()
```



2.5. Organização dos dados

• Redimensionamento das matrizes

```
print('\nMatriz original: ', x_data.shape)

x_data = x_data[:,:,:,np.newaxis] #redimensiona a matriz
y_data = y_data[:,:,:,np.newaxis]

print('\nMatriz redimensionada: ', x_data.shape)
```

Matriz original: (214, 32, 32)

Matriz redimensionada: (214, 32, 32, 1)

Dados de treino (80%) e dados de validação (20%)

```
x_train, x_val, y_train, y_val = train_test_split(x_data, y_data, test_size = 0.2)
print('\nDados de Treino: ', x_train.shape)
print('\nDados de Validação: ', x_val.shape)
```

Dados de Treino: (171, 32, 32, 1)

Dados de Validação: (43, 32, 32, 1)

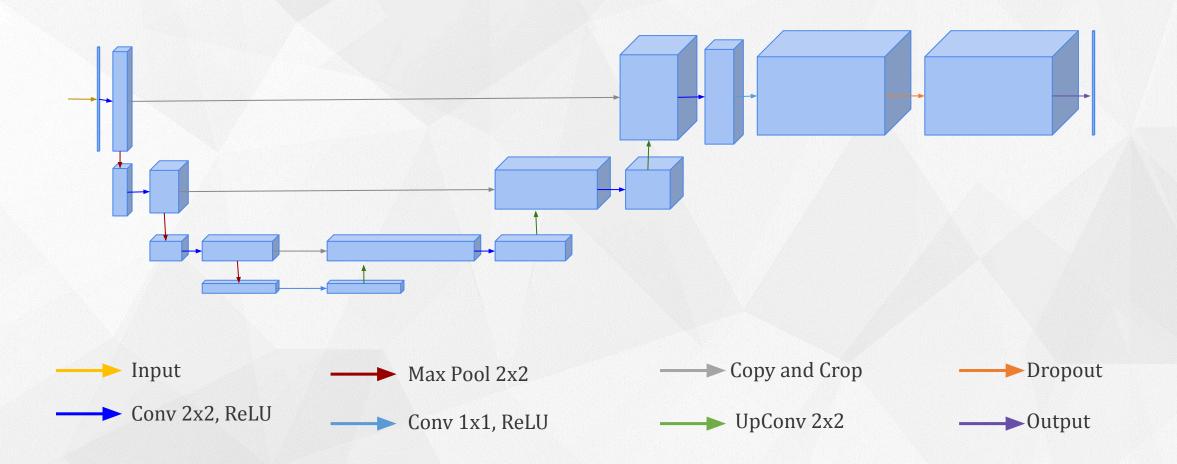
2.6. Coeficiente Dice (Sørensen-Dice coefficient)



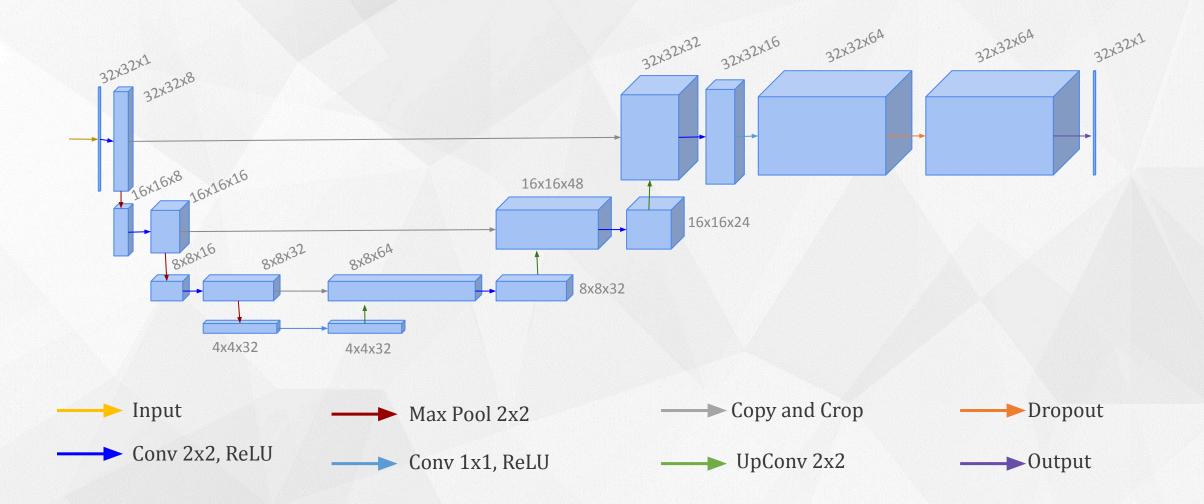
2.7. Criando o modelo

```
input layer = Input(shape=x train.shape[1:]) #somente dimensões
c1 = Conv2D(filters=8, kernel size=(3,3), activation='relu', padding='same')(input layer)
l = MaxPool2D(strides=(2,2))(c1)
c2 = Conv2D(filters=16, kernel size=(3,3), activation='relu', padding='same')(l)
l = MaxPool2D(strides=(2,2))(c2)
c3 = Conv2D(filters=32, kernel size=(3,3), activation='relu', padding='same')(l)
l = MaxPool2D(strides=(2,2))(c3)
c4 = Conv2D(filters=32, kernel size=(1,1), activation='relu', padding='same')(l)
l = concatenate([UpSampling2D(size=(2,2))(c4), c3], axis=-1)
l = Conv2D(filters=32, kernel size=(2,2), activation='relu', padding='same')(l)
l = concatenate([UpSampling2D(size=(2,2))(l), c2], axis=-1)
l = Conv2D(filters=24, kernel size=(2,2), activation='relu', padding='same')(l)
l = concatenate([UpSampling2D(size=(2,2))(l), c1], axis=-1)
l = Conv2D(filters=16, kernel size=(2,2), activation='relu', padding='same')(l)
l = Conv2D(filters=64, kernel size=(1,1), activation='relu')(l)
l = Dropout(0.5)(l)
output layer = Conv2D(filters=1, kernel size=(1,1), activation='sigmoid')(l)
model = Model(input layer, output layer)
```

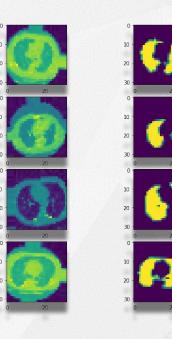
2.8. Representação do modelo

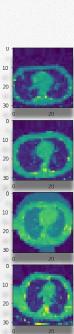


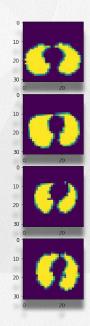
2.8. Representação do modelo



2.9. Data Augmentation







2.10. Compilação e Treinamento

• 2.9.1. Compilação

```
model.compile(optimizer=Adam(2e-4), \
    loss='binary_crossentropy', metrics=[dice_coef])
```

• 2.9.2. Salvando o melhor modelo (pesos)

2.9.3. Valor atualizado da taxa de aprendizado (optmizer)

```
newLearningRate = LearningRateScheduler(lambda x: 1e-3 * 0.8 ** x)
```

• 2.9.4. Treinamento

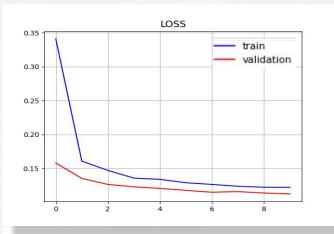
```
hist = model.fit_generator(my_generator(x_train, y_train, 8),
    steps_per_epoch = 200,
    validation_data = (x_val, y_val),
    epochs=10, verbose=2,
    callbacks = [weight_saver, newLearningRate])
```

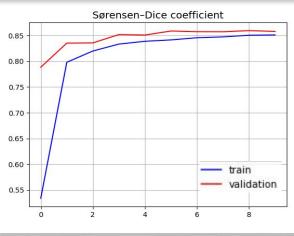
2.9.5. Carregando os melhores pesos

```
model.load_weights('lung.h5')
```

3. Análise de desempenho: treino e validação

```
Epoch 1/10
200/200 - 29s - loss: 0.3410 - dice_coef: 0.5340 - val_loss: 0.1581 - val_dice_coef: 0.7886
Epoch 2/10
200/200 - 21s - loss: 0.1609 - dice_coef: 0.7981 - val_loss: 0.1355 - val_dice_coef: 0.8353
Epoch 3/10
200/200 - 26s - loss: 0.1473 - dice_coef: 0.8200 - val_loss: 0.1266 - val_dice_coef: 0.8357
Epoch 4/10
200/200 - 27s - loss: 0.1359 - dice_coef: 0.8334 - val_loss: 0.1230 - val_dice_coef: 0.8519
Epoch 5/10
200/200 - 27s - loss: 0.1341 - dice_coef: 0.8389 - val_loss: 0.1207 - val_dice_coef: 0.8510
Epoch 6/10
200/200 - 25s - loss: 0.1291 - dice_coef: 0.8415 - val_loss: 0.1179 - val_dice_coef: 0.8588
Epoch 7/10
200/200 - 27s - loss: 0.1266 - dice_coef: 0.8458 - val_loss: 0.1151 - val_dice_coef: 0.8575
Epoch 8/10
200/200 - 21s - loss: 0.1239 - dice_coef: 0.8474 - val_loss: 0.1161 - val_dice_coef: 0.8574
Epoch 9/10
200/200 - 28s - loss: 0.1225 - dice_coef: 0.8506 - val_loss: 0.1139 - val_dice_coef: 0.8596
Epoch 10/10
200/200 - 25s - loss: 0.1223 - dice_coef: 0.8512 - val_loss: 0.1127 - val_dice_coef: 0.8581
```





4.1. Importando dados de teste

Mudança dos nomes dos arquivos e redimensionamento dos elementos, salvando-os em matrizes

```
all_test_images = [x for x in sorted(os.listdir(IMAGE_TEST_LIB)) if x[-4:] == '.tif']
x_test = np.empty((len(all_test_images), IMG_HEIGHT, IMG_WIDTH), dtype='float32')

for i, name in enumerate(all_test_images):
    im = cv2.imread(IMAGE_TEST_LIB + name, cv2.IMREAD_UNCHANGED).astype("int16").astype('float32')
    im = cv2.resize(im, dsize=(IMG_WIDTH, IMG_HEIGHT), interpolation=cv2.INTER_LANCZOS4)
    im = (im - np.min(im)) / (np.max(im) - np.min(im))
    x_test[i] = im

y_test = np.empty((len(all_test_images), IMG_HEIGHT, IMG_WIDTH), dtype='float32')
for i, name in enumerate(all_test_images):
    im = cv2.imread(MASK_TEST_LIB + name, cv2.IMREAD_UNCHANGED).astype('float32')/255.
    im = cv2.resize(im, dsize=(IMG_WIDTH, IMG_HEIGHT), interpolation=cv2.INTER_NEAREST)
    y_test[i] = im

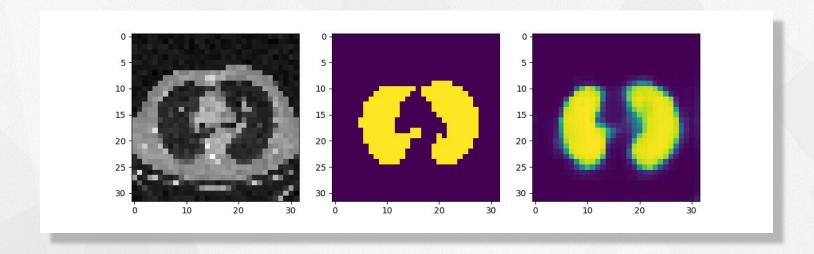
x_test = x_test[:,:,:,np.newaxis] #redimensiona a matriz
y_test = y_test[:,:,:,np.newaxis]
```

4.2. Predição

• Realizando a predição a partir dos dados de teste

```
y_hat = model.predict(x_test)
```

Primeira imagem de teste, primeira máscara de teste, predição do modelo para primeira imagem



5. Análise de desempenho: teste



• Média: 0.83

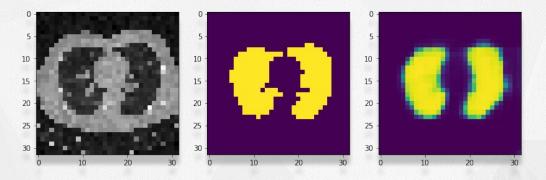
• Mediana: 0.84

Desvio-Padrão: 0.06

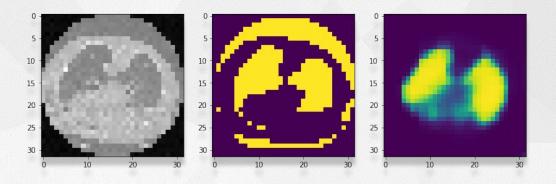
• Valor Máximo: 0.89

• Valor Mínimo: 0.52

Maior Dice



Menor Dice



3. Conclusão

- Importância da segmentação de imagens biomédicas
- Contribuição do Deep Learning às futuras aplicações médicas
- U-net e a capacidade de treino com pequenos volumes de dados

4. Referências

A Lung CT In Keras. Kaggle. Disponível em: https://www.kaggle.com/code/toregil/a-lung-u-net-in-keras/notebook>. Acesso em: 11 de Maio de 2022.

Image Augmentation using Keras ImageGenerator. **Analytics Vidhya**, 2020. Disponível em: https://www.analyticsvidhya.com/blog/2020/08/image-augmentation-on-the-fly-using-keras-imagedatagenerator/>. Acesso em: 13 de Maio de 2022.

ModelCheckPoint. Keras. Disponível em: https://keras.io/api/callbacks/model-checkpoint/>. Acesso em: 15 de Maio de 2022.

Dice Coefficient, IOU. **Medium**, 2019. Disponível em: < https://medium.com/@karan_jakhar/100-days-of-code-day-7-84e4918cb72c>. Acesso em: 19 de Maio de 2022.

TOMAR, N. What is Unet?. **Medium**, 2021. Disponível em: < https://medium.com/analytics-vidhya/what-is-unet-157314c87634. Acesso em 02 de Junho de 2022.

ARAÚJO, A. R. et al. Segmentação das áreas pulmonares em radiografias torácicas digitais. Anais do Simpósio Brasileiro de Computação Aplicada à Saúde, 2021. Niterói. Disponível em: https://sol.sbc.org.br/index.php/sbcas/article/view/16079>. Acesso em 02 de Junho de 2022.

BRUZADIN, A. J. Segmentação Interativa de Imagens de Tomografia Computadorizada Pulmonar com Covid-19 via Aprendizado Profundo. Repositório Unesp, 2021. São José do Rio Preto. Disponível em: https://repositorio.unesp.br/bitstream/handle/11449/211039/bruzadin aj me sjrp.pdf?seguence=5&isAllowed=y>. Acesso em 02 de Junho de 2022.