

Laboratorio 0: git, doxygen, make y C++

M. Sc. Ricardo Román Brenes - ricardo.roman@ucr.ac.cr

II-2018

Tabla de contenidos

1. Enunciado	1
1.1. Ejemplo 1	1
2. Consideraciones	2

1. Enunciado

Escriba y documente (con Doxygen) un programa en C++, que genere aminoácidos a partir de los codones de un código genético (ARN) cualquiera. Para esto, el programa recibe por la línea de comandos una hilera de caracteres que representa las bases nitrogenadas (A, G, C, U), que deben ser múltiplo de 3 y siempre empezar y terminar por un codón de parada. La salida se imprime en pantalla. El codón de parada se representa con un '|'.

Use la figura 1 o la tabla en https://en.wikipedia.org/wiki/Genetic_code#RNA_codon_table para la traducción de ARN a aminoácidos.

1.1. Ejemplo 1

```
1 ./lab0 UAACCUUCUACUACGUAG
```

```
1 PSTT
```

Recuerde que la idea de este laboratorio es familiarizarse con el uso de funciones, la sintaxis de C++, git, doxygen y make.

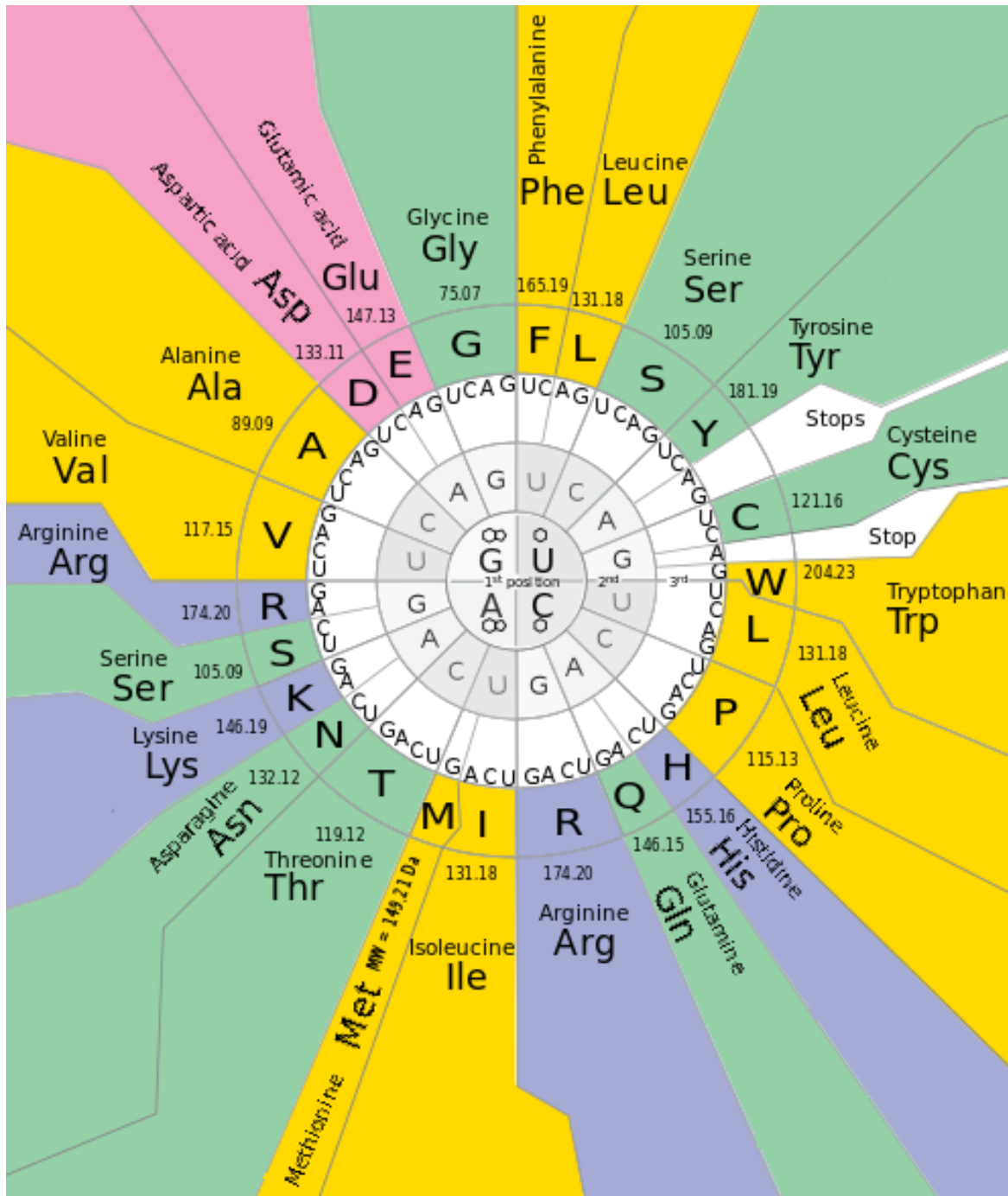


Figura 1: Tabla de conversión ARN a aminoácido

2. Consideraciones

- Haga grupos de hasta 3 personas.
- Genere un reporte en \LaTeX que incluya, el enunciado, su solución, sus conclusiones y su código como anexo.

- Suba su código y documentación al GitLab respectivo de su grupo y laboratorio.
- Todos los estudiantes del grupo deben subir el reporte a Schoology (<https://app.schoology.com/assignment/1698198970/info>) en un archivo llamado `labX_gY.zip`, donde `X` es el número de laboratorio y `Y` es su número de grupo de trabajo.
- Recuerde que por cada día tardío de entrega se le rebajaran puntos de acuerdo con la formula: 4^d , donde $d > 1$ es la cantidad de días tardíos empezando en el minuto siguiente de la hora de entrega.