课本的数学符号约定:

向量用小写加粗的罗马字母表示,所有向量都认为是列向量 大写字母T表示向量或矩阵的转置 矩阵用大写加粗的罗马字母表示

第一章

线性模型,关于参数是线性的(而不是关于自变量),因此多项式回归模型是一个线性模型,尽管里面的自变量x有高次方,但参数w都是一次的。

多项式拟合:

过拟合:

- 随着多项式的次数M的增大,模型的灵活度越来越高,多项式的各阶系数中甚至会出现比较大的正数或负数,来保证拟合曲线能够经过每一个样本点,但由于灵活度较大,拟合曲线也越来越迎合那些噪声点,从而越来越偏离原始的曲线
- 注意到,对于次数高的多项式来说,那些次数较低的多项式是它们【次数高的多项式】的特殊情况,则高次的多项式相对于低次来说应该能产生更好的结果
- 随着样本大小的增大,过拟合的现象会减弱。意味着:数据集越大,用于拟合数据的模型越复杂(灵活)。从中可以得出一个启发式的方法:样本的大小应不小于模型参数【adaptive parameter】的n倍(如n=5或10)

解决过拟合的方法

正则化用于控制过拟合的现象。通过在误差函数中添加一个惩罚项,来防止多项式的系数w取较大的值。通过调整惩罚项的权重lambda来调整惩罚项的重要性。二次的正则化称为岭回归。

数据集的划分方法:

训练集: 训练模型

测试集:调整模型参数

验证集:对模型复杂度进行优化

概率论:

1. 基本概念

先验概率,在不知道观察值A的情况下,某件事B发生的概率 P(B)

后验概率,在已知观察值A的条件下,某件事B发生的概率 P(B|A)

离散型随机变量,概率质量函数, P(X=x)

连续型随机变量,概率密度函数,f(x)delta = P(x<X<x+delta)

2. 贝叶斯的观点 VS 频率学派:

不同于经典概率论,用贝叶斯的观点来理解概率。有的事件是无法重复多次的,是不确定的,只能通过过去的知识,以及现有的新证据,来预测未来可能发生的概率

- 频率估计 frequentist estimator: 极大似然估计 ML
- 贝叶斯估计 bayesian estimator: 极大似然估计ML 或 最大后验概率MAP 贝叶斯的写法 $p(w|D)=rac{p(D|w)p(w)}{p(D)}$,这些量都是关于参数w的函数

3.似然函数likelihood VS 概率probability:

概率,基于已知的参数估计未知的输出 p(w|D),对于不同的D,得到w的可能性是多少(w通过估计的 方法计算出来,估计的误差则是根据D的分布来计算,比如对于sin(2pix),可以从中任意取几组样本点,已知这些样本点服从sin(x)的分布,由此来计算w并估计误差。)

似然,基于已知的输出估计未知的参数 p(D|w),对于不同的w,得到D的可能性是多少(只有一个数据集D,而参数w服从某项分布)。而不是关于w的概率分布(not a probability distribution over w)

后验 正比于 (似然 * 先验) => p(w|D) 正比于 p(D|w)*p(w)

4. 高斯分布为例

D维变量的高斯分布 基本性质

• 均值: D维变量的均值

• 协方差矩阵: 大小为D*D, 是D维变量的协方差矩阵

高斯分布的似然函数:

- sigma为标准差, var为方差 var=sigma^2
- 从同一个高斯分布中随机选取n个数据点,构成数据集x=(x1,x2,...xn)T,这些样本点都是独立同分布的,设高斯分布的参数为(mu, sigma),即N(mu, sigma)
- $p(\mathbf{X}|\mu,\sigma^2) = \prod_{n=1}^N \mathcal{N}(x_n|\mu,\sigma^2)$

极大似然估计:

- 求解未知的mu和sigma, 使得似然函数最大化
- 通常将似然函数求对数,将累乘变为累加,防止计算机计算时数字下溢【若累乘,由于概率都是小数,可能会导致向下溢出】。
- 求出的 μ_{ML} , σ_{ML}^2 , E(mu(ML)) = mu, E(var(ML)) = var*(N-1)/N, 即ML低估了方差,这是由于它采用的均值是样本的均值而不是该分布的均值

5.从贝叶斯的角度看待多项式拟合的问题:

设样本点中自变量为x, 因变量为 t, 估计到的参数为 w,估计到的多项式为y(x,w) 假设噪声符合高斯分布,均值为y(x,w)-t ,方差为 β^{-1}

• 通过极大似然估计可以求解出 w_{ML} 和 eta_{ML}

• 求解 w_{ML} 相当于最小化误差平方和(误差指的是 y(x,w)-t)

接下来,估计w的先验概率,假设 $w=\mathcal{N}(0, lpha^{-1})$

则 $p(w|x,t,\alpha,\beta) \propto p(t|x,w,\beta) * p(w|\alpha)$

由此,可以计算出对于给定数据(x,t),最有可能的w,即w的后验概率

通过最大化后验概率的方法(MAP)来求解,代入高斯分布式子,变换得,最终的目标函数:

$$\min(rac{eta}{2}\sum_{n=1}^N\{y(x_n,\mathbf{w}-t_n\}^2+rac{lpha}{2}\mathbf{w}^T\mathbf{w})$$

此即相当于之前提到的,**最小化带惩罚项的误差函数**,其中惩罚项的权重 $\lambda=lpha/eta$

多项式拟合的总结。

- 多项式的次数相当于参数的自由度,控制着模型的复杂度;
- 在带正则项的误差函数中,正则项的权重λ也控制着模型的复杂度;
- 因此, 越复杂的模型, 掌管模型复杂度的参数就越多。

模型选择:对于一系列模型 (不同参数对应着不同模型),选择在预测新数据时表现最好的。

6.数据集的划分:

前述表明,仅使用训练集的准确率作为评估依据是不全面的,由于过拟合的存在。故一般从数据集中独立选取一部分作为验证集

对于一系列模型, (可能是一个方法用不同部分的训练集, 训练出不同的模型; 也可以是一个模型的参数可以取一定范围内的值, 不同的取值对应不同的模型), 使用验证集来评估, 选择表现最好的一个模型。最后再用测试集来对这个选出来的模型进行评估

S-折交叉验证,将数据分成S等份,用S-1份作为训练集,剩下的1份作为验证集,该验证进行S次(即每一份数据都要被拿来作为一次验证集),

决策论:

1.推理过程: inference step

求解p(x,t) 或 p(t|x) 的过程为推理过程, x为一系列输入变量,t 为输入变量对应标签或值。利用训练数据训练模型来计算p(t|x)。

2.决策过程: decision step

对于给定的x,选择最优的t。即根据推理过程计算得到的关于t的后验概率p(t|x),来做最优分类。

为什么要分离为推理和决策两个过程,而不是直接用一个判别函数 做决策?

若直接用判別函数做决策,即输入样本x,直接输出其对应的类别,这样我们不会计算到后验概率 $p(C_k|x)$

然而计算后验概率是必要的:

- 最小化风险。问题中损失函数的定义可能经常会修改,如果只有判别函数,那么每当修改损失函数就总要重新训练数据,而如果知道后验概率,只需修改与损失函数对应的最小风险决策准则即可。
- 拒绝选项 rejection option。如果给定被拒绝的数据点所占比例,能用后验概率得出最小化(误分类率的拒绝标准)
- 补偿类先验概率。假设对于医疗X光问题,我们开始时收集到的训练数据中,癌症的出现次数很少,而一个平衡的数据集,要求在每个类别中选择数量相等的样本,要想让模型有更好的泛化能力,我们需要补充训练数据,根据贝叶斯定理,原数据的后验=添加新数据后的先验,因此如果知道后验概率,对训练数据做出修改就比较方便。如果直接学习一个判别函数,则无法直接在原来知识的基础上添加新的训练数据,而需要重新训练。
- 组合模型。对于复杂的应用来说,我们可能希望把问题分解成若干个小的子问题,每个子问题可以通过一个独立的模型来解决。

3.分类问题讨论决策论

例子: 假设一位病人拍了 X 光,记 X 光的信息为输入变量 x ,从中判断其有癌症的对应类别标签为C1,否则为C2。为了尽可能保证没有误判,会选择后验概率较大的类别,即选择 p(C1 | x)、p(C2 | x) 中的较大者。

- 最小化误分类概率:
- 将输入空间划分为多个决策空间,每个决策空间的边界称为决策边界或决策面
- 决策空间不一定必须是连续的, 也可以是由多个独立的子空间组成
- 目标是最小化错误的概率。

对于例子,一共有两个决策空间: R_1 , R_2 。当输入变量落在 R_1 时,对应着有癌症; 否则,落在 R_2 对应着没有癌症。 R_k 表示决策类别, C_k 表示实际类别。则错误的概率为

$$p(mistake) = p(\mathbf{x} \in \mathcal{R}_1, \mathcal{C}_2) + p(\mathbf{x} \in \mathcal{R}_2, \mathcal{C}_1) = \int_{\mathcal{R}_1} p(\mathbf{x}, \mathcal{C}_2) d\mathbf{x} + \int_{\mathcal{R}_2} p(\mathbf{x}, \mathcal{C}_1)$$

推理过程:即计算所有的p(Ck|x)

决策过程:根据各个Ck的后验概率选择使评判标准最优的Ck

事实上,在用决策论解决分类问题的时候,有3种完全不同的思路: (复杂度由高到低)

- 生成模型 (generative models) : 对输入数据和输出数据进行建模,因此, 我们可以根据模型生成一些新的输入数据点;
 - a、首先对每一类都要计算一个p(x|Ck)和 p(Ck);
 - b、使用贝叶斯计算后验概率:p(Ck|x);

特点:比较费劲,涉及到x和Ck的联合概率,但是,我们可以从中获取一些额外的信息;比如可以通过归一化得到p(x),从而了解一个待测样本点是噪声点的可能性有多大(噪声检测)。

- 判别模型 (discriminative models) :
 - a、对p(Ck|x)建模;
 - b、直接指定输入x的类别(由于x已经作为条件概率中的条件);
- 判别函数 (discriminant function) :

就是一个映射函数,输入一个x,输出一个label。

生成VS判别,例子:假设x是特征,y是标记,x取1或2,y取0或1。则生成模型学习p(x,y),判别模型学习p(y|x)。假设样本为(1,0)、(1,0)、(1,1)、(2,1)。
 牛成模型:

x\y	0	1
1	1/2	1/4
2	0	1/4

判别模型:

x\y	0	1
1	2/3	1/3
2	0	1

在实际分类问题中,判别模型可直接用来判断分类情况;而生成模型需要基于 贝叶斯法则,再应用到分类中(即需要通过联合分布计算条件概率?)然而,生 成模型可以还有其他应用,即生成模型更一般更普适;而判别模型更简单直接

4.回归问题讨论决策论

- 假设对于每个输入 x, 其目标为 t, 对 t 的估计为y(x)。
- 损失记为L[t,y(x)], 平均损失 $E[L] = \int \int L[t,y(x)]p(x,t)dxdt$
- 一般定义损失函数为平方损失,即 $L[t,y(x)]=\{y(x)-t\}^2$
- 代入求得平均损失 $E[L] = \int \int \{y(x) t\}^2 p(x,t) dx dt$
 - 。 最小化E[L],对y(x)求导,得出 $rac{\delta E[L]}{\delta y(x)}=2\int \{y(x)-t\}p(x,t)dt$

$$\phi \circ y(x) = rac{\int tp(x,t)dt}{\int p(x,t)dt} = rac{\int tp(x,t)dt}{p(x)} = \int tp(t|x)dt = E_t[t|x]$$

- 。 即 在x的条件下, t 的条件均值, y(x)称为回归函数
- 最小化了 期望平方损失的回归函数 y(x) 由条件概率分布 p[t|x] 的均值 给 出

同样,在解决回归问题时,也有三种思路:

- 首先确定联合概率密度 p(t, x)的推断问题, 之后计算条件概率密度p(t|x), 最后求条件均值 E[t|x], 结果即为回归函数
- 首先解决条件概率密度 p(t|x)的推断, 之后求条件均值, 结果即为回归函数
- 直接从训练数据中寻找一个回归函数 v(x)

5.停止决策的阈值 rejection region

当某个分类的概率达到或大于 θ 时,直接用规则判断,而小于 θ 时(不确定性比较高,即无法明确地进行分类),需要人为即专家判断

信息论:

1.定义

一个随机变量x的取值的信息量为h(x),取值的概率分布为p(x)

若p(x)=1,则意味着事件一定会发生,它蕴含的信息量为h(x)=0,因为毫无悬念

- 假设 x, y 两个变量独立
- 则根据h(x,y) = h(x) + h(y),而p(x,y) = p(x) * p(y)
- 因此h(x)应该是p(x)的对数
- $h(x) = -\log_2 p(x)$

随机变量x的 熵 $H(x) = E[h(x)] = -\sum_x p(x) \log_2 p(x)$

2. 熵

在编码论、统计物理、机器学习中的重要概念

例子1

假设离散随机变量x有8个可能的取值,需要多少位(bit)来传送x的状态?

answer: 假设每个取值都是等概率的,则随机变量的熵

$$H(x) = -8 * \frac{1}{8} \log_2 \frac{1}{8} = 3$$

例子2

X	a	b	С	d	е	f	g	h
p(x)	1/2	1/4	1/8	1/16	1/64	1/64	1/64	1/64
code	0	10	110	1110	111100	111101	111110	111111

H(x) = 2 bits

平均编码长度 = 1/2 * 1 + 1/4 * 2 + 1/8 * 3 + 1/16 * 4 + 4 * 1/64 * 6 = 2 bits 例子3

[对离散分布而言]分布越宽广(broader distribution),熵的值越大。当分布为均匀分布时,熵最大。

3.熵的类型

在离散分布的情况下,最大熵对应于变量的所有可能状态的均匀分布

• **微分熵** differential entropy, $-\int p(x) \ln p(x) dx$ 对熵左右乘小区间并取极限。离散变成连续。

连续变量下,最大微分熵的分布是高斯分布

- 条件熵 conditional entropy $H[y|x] = -\int \int p(y,x) \ln p(y|x) dy dx$ H[x,y] = H[y|x] + H[x] 若×和y互相独立,则H[x,y] = H[x] + H[y] 理解:假设有一个联合概率分布 p(x,y),从中抽取了一对(x,y),如果x的值已知,那么需要确定对应的y值所需的附加信息就是-ln p(y|x)
- 相对熵 KL散度

 $D_{KL}(p||q) = \sum_{i=1}^{N} p(x_i) \cdot (\log p(x_i) - \log q(x_i)) = E_p[\log p(x) - \log q(x)]$ 理解: 有一个未知分布p(x),假设用一个近似的分布q(x)来表示这个分布,KL散度度量的是信息损失,即真实和近似的差异。

注意: 散度并非距离,因为其**不满足对称性** 即 $D_{KL}(p||q)
eq D_{KL}(q||p)$

• **互信息** mutual information

$$I[x,y] = KL(p(x,y)||p(x)p(y)) = -\int\int p(x,y)\ln(rac{p(x)p(y)}{p(x,y)})dxdy$$