# 白蚁肠道微生物样品收集与制备

### **Collection and Preparation of Microbial Samples from Termite Intestines**

蒋宇彤#,林子佳#,李净净,倪金凤\*

4

1

2

3

- 5 微生物技术研究院,微生物技术国家重点实验室,山东大学,青岛,山东
- 6 \* 通讯作者邮箱:mailto: jinfgni@sdu.edu.cn
- 7 # 共同第一作者/同等贡献

8

- 9 摘要:本文介绍白蚁采集及其肠道微生物样品的制备方法。
- 10 **Abstract**: This protocol introduces the collection of termites and the preparation of the
- intestinal microbial samples from termites.

12

- 13 研究背景: 白蚁是一种属于等翅目的社会性昆虫 (Inward 等, 2007), 主要分布于热带
- 14 和亚热带地区,是木质纤维素的主要降解者,有助于维持生态系统的碳循环 (Yamada
- 15 等, 2005; Engel 等, 2009)。白蚁肠道微生物在其食物木质纤维素的消化分解,营养吸
- 16 收,生物固氮以及抵御病原菌侵染等方面发挥重要作用 (Brune, 2014)。虽然近年来高
- 17 通量测序技术的发展为揭示白蚁肠道微生物菌群种类、多样性及丰度提供了快速而高效
- 18 的方法 (Warnecke 等, 2007; Hongoh, 2011), 但是传统微生物的分离培养和鉴定仍然
- 19 是了解肠道微生物功能不可缺少的手段 (McDonald 等, 2012; Tsegaye 等, 2019)。本
- 20 文主要介绍白蚁肠道微生物样品的收集与制备,按照相关方法制备的样品不仅为分离不
- 21 同种类的肠道微生物提供资源,还可用于微生物多样性如 PCR 扩增子和宏基因组等分
- 22 析。
- 23 关键词: 白蚁,采集,肠道微生物,样品制备

24

### 25 材料与试剂

- 26 1. 内部放置樟木块的樟木盒子(20 cm × 20 cm × 15 cm)
- 27 2. 有盖子的塑料盒 (15 L, 44 cm x 30 cm x 15 cm)
- 28 3. 有盖子的塑料盒特大号 (160 L, 73.3 cm × 52 cm × 43 cm)
- 29 4. 培养皿

- 30 5. 移液器和枪头
- 31 6. 1.5 ml 离心管
- 32 7. 塑料研磨棒
- 33 8. 记号笔
- 34 9. 无菌水
- 35 10. 75%酒精
- 36 11. PBS 缓冲液 (见溶液配方)

38 仪器设备

37

- 39 1. 体视显微镜 (品牌 Olympus, 型号: SZ51)
- 40 2. 超净工作台 (品牌 AIRTCH, 型号: SW-CJ-2FD)
- 41 3. 镊子
- 42 4. 解剖刀
- 43 5. 冰盒

44

### 45 实验步骤

- 46 1. 采集白蚁:本实验所涉及白蚁材料采自湖南省耒阳县木兰村 (112°967262"E,
- 47 26°609833"N)。 白蚁采集选用了两种方法 1) 用樟木做成 20 cm × 20 cm × 15 cm
- 48 大小的木盒作为白蚁的诱饵 (图 1A), 埋藏于阴凉潮湿的土坡地带, 盒子上面覆盖 1-
- 49 **2cm** 厚的土壤。定期观察盒子里是否有白蚁,放置一段时间后将木盒收集,木盒放
- 50 入大塑料容器中 (160 L),运输回实验室; 2) 寻找白蚁巢 (图 1B) 或者有白蚁的树
- 51 木 (图 1C), 收集白蚁转移到有盖子的塑料盒中 (15 L)。
- 52 2. 挑选兵蚁进行白蚁种类的形态学和分子学鉴定 (图 2A)。形态学鉴定参考白蚁分类工
- 53 具书《中国动物志昆虫纲第十七卷等翅目》(黄复生 等,2000),《中国白蚁学概论》
- 54 (黄远达 等, 2001)。分子鉴定是对线粒体 COI 或者 COII 基因进行扩增测序(彭一丁
- 55 等**, 2017**; Wu 等**, 2012**)。
- 56 3. 挑选工蚁进行微生物样品制备 (图 2B)。取 50 只健康工蚁, 放入培养皿中,加入无
- 57 菌水清洗两次, 然后用 75%酒精冲洗白蚁, 表皮消毒 1 min, 最后用 PBS 缓冲液
- 58 (pH7.4) 漂洗 1-2 次。

- 59 4. 将清洗消毒的全部工蚁置于体视显微镜下进行解剖,用镊子夹住头部,解剖刀压住 60 尾尖部并慢慢拉出白蚁肠道,分离前肠、中肠和后肠组织 (图 2C)。
- 61 5. 将分离得到的全部白蚁前肠组织混合,放置于 1.5 ml 含 100 µl 的 PBS 缓冲液的离
- 62 心管中;中肠组织混合后放置于 1.5 ml 含 150 μl 的 PBS 缓冲液的离心管中;后肠
- 63 组织混合后放置于 1.5 ml 含 200 μl 的 PBS 缓冲液的离心管中; 离心管冰浴保存。
- 6. 在冰浴中用研磨棒将上述样品研磨成匀浆 (此步,如果将样品保存于-80℃ 冰箱可
- 65 用于后续总基因组 DNA 提取及微生物多样性分析)。
- 66 7. 在充分研磨成匀浆后的 3 个样品离心管中加入不同体积的 PBS 缓冲液,分别定容至
- 67 500 μl、700 μl 和 1000 μl。

71

72

73

74

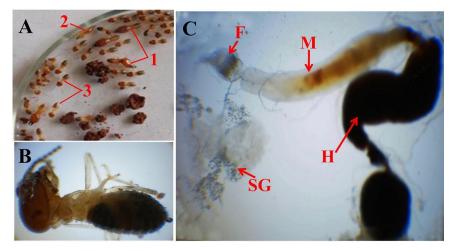
75

76

- 68 8. 以上前肠、中肠和后肠样品分别进行梯度稀释 (10<sup>-1</sup>、10<sup>-2</sup>、10<sup>-3</sup>、10<sup>-4</sup> 和 10<sup>-5</sup>)。
- 69 9. 取各个梯度的稀释液 200 μl 涂布目的培养基,在有氧条件下培养,即可以获得可培 70 养的微生物。

**图 1. 白蚁采集示意图.** A. 采集白蚁的樟木盒; B. 培菌白蚁巢; C. 有白蚁的枯树; D. 收集白蚁,转入塑料盒。

3



78 **图 2. 黄翅大白蚁及其肠道结构.** A. 1: 大兵蚁, 2: 小兵蚁, 3: 工蚁。

B. 工蚁。C. F: 前肠; M: 中肠; H: 后肠。

80

81

79

77

# 结果与分析

82 上述实验步骤 6 得到的样品可以保存于-80 °C 冰箱或者直接用于样品总基因组 DNA

83 提取、PCR 扩增、微生物种类如细菌、真菌及古菌多样性和宏基因组分析。上述实验

84 步骤 9 得到的样品可用于后续分离不同特性的微生物类群,如具有纤维素酶活性的贪

85 噬菌 (吴燕 等, 2011), 木聚糖降解细菌 (石小玉 等, 2016), 木质素降解菌以及几

86 丁质降解菌 (孙新新 等, 2017) , 具有抗菌活性的放线菌等 (未建华 等, 2019)。

87

88

### 注意事项

- 89 1. 采集到的白蚁材料尽量在新鲜状态下立即解剖。
- 90 2. 白蚁的同种不同品级个体之间,肠道组织不存在组成结构方面的本质差别,但不同
- 91 组成部分的发达程度及折叠方式等方面存在差异。
- 92 3. 寻找白蚁巢的方法:白蚁蚁巢一般深藏于地下或建筑物内部,查找有无蚁路、排泄
- 93 物、通气孔、分飞孔、吸水线、泥被、泥线、鸡枞菌等外露迹象,判定蚁巢方位
- 94 后,应在距巢外围 50-100 厘米左右的地方开挖,不破坏巢体周围的防护层。将防
- 95 护层外的泥土刨掉后,搬出整个巢体。取出的巢体如不保留时,可淋上煤油烧掉。
- 96 4. 白蚁巢形状不一,培菌白蚁巢表面形成一道道不规则、曲折的陷窝,这些陷窝被鸡
- 97 枞菌菌丝充塞。白蚁巢由木质素、维生素、植物腐殖质、土颗粒、木质纤维、白蚁

98 的分泌物以及其排泄物等构成。鸡枞菌菌丝在白蚁巢中不断生长,发生分枝,缠结 99 形成白球状的突起。

100

### 101 溶液配方

- 102 1. PBS 缓冲液
- 103 NaCl 8 g,KCl 0.2 ,Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>·12H<sub>2</sub>O 3.628 g,KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub> 0.24 g,加入灭菌去 104 离子水至终体积为 1 L,用 NaOH 或 HCl 调节 pH 至 7.4。

105

- 106 致谢
- 107 感谢实验室毕业的几位成员:员超、石小玉、孙新新、未建华为白蚁肠道微生物研究做
- 108 出的基础工作。本研究获得国家重点基础研究发展计划 (973 计划,编号:
- 109 2011CB707402), 国家自然科学基金 (编号: 31970119, 31272370, 30870085) 及山东
- 110 大学微生物技术国家重点实验室自主设置课题的支持。

111

## 112 参考文献

- 113 1. 黄复生,朱世模,平正明等 (2000). 中国动物志昆虫纲第十七卷等翅目. 北京: 科
- 114 学出版社.
- 115 2. 黄远达 (2001). 中国白蚁学概论. 武汉: 湖北科学技术出版社.
- 116 3. 彭一丁, 肖元玺, 楚君鹏, 李琰, 席玉强, 张成玉, 宋安东, 王凤芹, 苏丽娟 (2017).
- 117 四种散白蚁的分子鉴定及系统发育地位(等翅目: 鼻白蚁科). *应用昆虫学报*,
- 118 54(3): 400-406.
- 4. Wu, Y., Chi, S., Yun, C., Shen, Y., Tokuda, G. and Ni, J. (2012). Molecular cloning
- and characterization of an endogenous digestive beta-glucosidase from the
- midgut of the fungus-growing termite *Macrotermes barneyi*. Insect Mol Biol.
- 122 21(6), 604-614.
- 123 5. 石小玉, 张宁, 宁娜, 员超, 倪金凤 (2016). 一株培菌白蚁后肠木聚糖降解细菌的
- 124 分离与鉴定. 微生物学通报 43(3): 504-509.
- 125 6. 孙新新, 李净净, 宁娜, 谭慧军, 倪金凤 (2017). 黄翅大白蚁后肠几丁质降解微生
- 126 物的分离与鉴定. 微生物学通报 44 (7): 1649-1654.

- 127 7. 未建华,李净净,倪金凤 (2019). 培菌昆虫相关放线菌的次级代谢产物研究进展.
- 128 微生物学报 59(4): 1864-1871.
- 129 8. 吴燕, 迟绍丽, 倪金凤 (2011). 从白蚁中分离到具有纤维素酶活的贪噬菌. 应用昆
- 9. Brune, A. (2014). Symbiotic digestion of lignocellulose in termite guts. Nat Rev
- 132 *Microbiol* 12(3): 168-180. https://doi.org/10.1038/nrmicro3182
- 133 10. Engel, M. S., Grimaldi, D. A. and Krishna, K. (2009). Termites (Isoptera): Their
- phylogeny, classification, and rise to ecological dominance. American Museum
- 135 Novitates(3650): 1-27
- 11. Hongoh, Y. (2011). Toward the functional analysis of uncultivable, symbiotic
- microorganisms in the termite gut. Cellular and Molecular Life Sciences 68(8):
- 1311-1325. https://doi.org/10.1007/s00018-011-0648-z
- 139 12. Inward, D., Beccaloni, G. and Eggleton, P. (2007). Death of an order: a
- comprehensive molecular phylogenetic study confirms that termites are eusocial
- cockroaches. Biology Letters 3(3): 331-335.
- 13. McDonald, J. E., Rooks, D. J. and McCarthy, A. J. (2012). Methods for the
- isolation of cellulose-degrading microorganisms. *Methods Enzymol* 510: 349-374.
- https://doi.org/10.1016/B978-0-12-415931-0.00019-7
- 14. Tsegaye, B., Balomajumder, C. and Roy, P. (2019). <u>Isolation and characterization</u>
- of novel lignolytic, cellulolytic, and hemicellulolytic bacteria from wood-feeding
- termite Cryptotermes brevis. Int Microbiol 22(1): 29-39.
- 148 https://doi.org/10.1007/s10123-018-0024-z
- 15. Warnecke, F., Luginbuhl, P., Ivanova, N., Ghassemian, M., Richardson, T. H.,
- Stege, J. T., Cayouette, M., McHardy, A. C., Djordjevic, G. and Aboushadi, N.
- 151 (2007). Metagenomic and functional analysis of hindgut microbiota of a wood-
- feeding higher termite. *Nature* 450(7169): 560-565.
- 153 16. Yamada, A., Inoue, T., Wiwatwitaya, D., Ohkuma, M., Kudo, T., Abe, T. and
- Sugimoto, A. (2005). <u>Carbon mineralization by termites in tropical forests, with</u>
- emphasis on fungus combs. Ecological Research 20(4): 453-460.