4 Punto

Se cargan las librerias

```
library(MASS)
library(Intest)

## Loading required package: zoo

##
## Attaching package: 'zoo'

## The following objects are masked from 'package:base':

##
## as.Date, as.Date.numeric

library(nortest)
library(leaps)

carga de data

data("swiss")
attach(swiss)
```

Para hacer el calculo del Press se usan las siguientes funciones como referencia

 $https://fhernanb.github.io/libro_regresion/diag2.html\#estad\%C3\%ADstica-press-y-r2-de-predicci\%C3\%B3n$

```
PRESS <- function(linear.model) {
    # calculate the predictive residuals
    pr <- residuals(linear.model) / (1-lm.influence(linear.model)$hat)
    # calculate the PRESS
    PRESS <- sum(pr^2)
    return(PRESS)
}</pre>
```

```
pred_r_squared <- function(linear.model) {
    #' Use anova() to get the sum of squares for the linear model
    lm.anova <- anova(linear.model)
    #' Calculate the total sum of squares
    tss <- sum(lm.anova$'Sum Sq')
    # Calculate the predictive R^2
    pred.r.squared <- 1-PRESS(linear.model)/(tss)
    return(pred.r.squared)
}</pre>
```

Se crea el modelo completo para iniciar su interpretacion y su conjunto de covariables regresoras

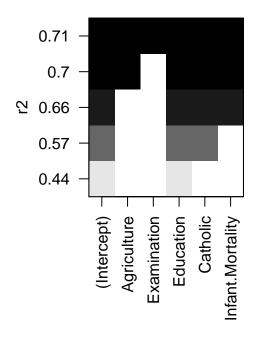
```
elegir <- regsubsets(Fertility ~ Agriculture + Examination+Education + Catholic + Infant.Mortality, dat
summary(elegir)
## Subset selection object
## Call: regsubsets.formula(Fertility ~ Agriculture + Examination + Education +
      Catholic + Infant.Mortality, data = swiss)
## 5 Variables (and intercept)
##
                    Forced in Forced out
## Agriculture
                        FALSE
                                   FALSE
## Examination
                        FALSE
                                   FALSE
## Education
                                   FALSE
                        FALSE
## Catholic
                        FALSE
                                   FALSE
## Infant.Mortality
                        FALSE
                                   FALSE
## 1 subsets of each size up to 5
## Selection Algorithm: exhaustive
            Agriculture Examination Education Catholic Infant.Mortality
##
                        11 11
                                              11 11
## 1 (1)""
                        11 11
                                                       11 11
## 2 (1)""
                                    "*"
                                              "*"
## 3 (1)""
                        11 11
                                    "*"
                                              "*"
                                                       "*"
                        11 11
## 4 (1) "*"
                                    "*"
                                              "*"
                                                       "*"
## 5 (1) "*"
                        "*"
                                    "*"
                                              "*"
                                                       "*"
```

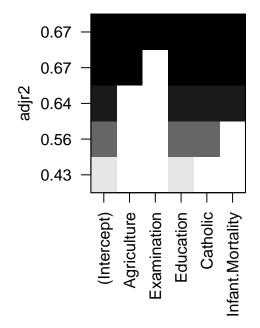
Se grafican cada uno de los modelos entregados por regsubsets

```
par(mfrow=c(1,2))
plot(elegir,scale="r2", main="R^2, Swiss.")
plot(elegir,scale="adjr2", main="R^2.ajust, Swiss.")
```

R^2, Swiss.

R^2.ajust, Swiss.

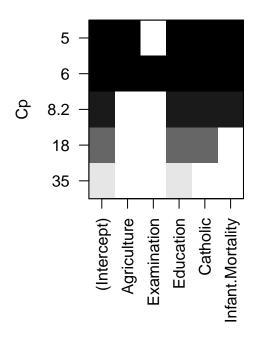


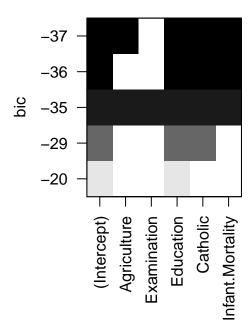


```
par(mfrow=c(1,2))
plot(elegir, scale="Cp", main="Cp, Swiss")
plot(elegir,scale="bic", main="(BIC, Swiss.")
```

Cp, Swiss

(BIC, Swiss.





Se toma como canidadato el modelo apartir del R2 0.67 ajustado: Fertility = Bo + B1 * Education + B2 * Catholic + B3 * Infant.Mortality

```
modelo <- lm(Fertility ~ Education + Catholic + Infant.Mortality)
```

```
ValidarSupuestos <- function (respuesta ,modelo,confianza){

# Test de normalidad

shapiro <- shapiro.test(modelo$residuals)
    shapiro <- shapiro$p.value

lillie <- lillie.test(modelo$residuals)
    lillie <- lillie$p.value

    ifelse((shapiro > confianza) & (lillie > confianza), print("Existe normalidad de los errores"), pri:

# Test de homocedasticidad

baruch <- bptest(modelo)
    baruch <- baruch$p.value</pre>
```

```
golfred <- gqtest(modelo)
golfred <- golfred$p.value

ifelse((baruch > confianza) & (golfred > confianza), print("Existe homocedasticidad"), print("No exis

# Test de independencia

indepenencia <- dwtest(respuesta ~ modelo$residuals)
indepenencia <- indepenencia$p.value

ifelse((indepenencia > confianza), print("Hay independencia"), print("No hay independencia"))

# Construccion de la Tabla de respuestas

tabla <- rbind(shapiro, lillie, baruch, golfred, indepenencia)
rownames(tabla) <- c("shapiro", "lillie", "baruch", "golfred", "independencia")
colnames(tabla) <- c("p.value")

print(round(tabla,5))</pre>
```

Funcion para evaluacion de supuestos se validan supuestos mediante la funcion y se obtiene una conclusion

```
ValidarSupuestos(Fertility, modelo, 0.1)

## [1] "Existe normalidad de los errores"

## [1] "Existe homocedasticidad"

## [1] "No hay independencia"

## p.value

## shapiro 0.52297

## lillie 0.82607

## baruch 0.53231

## golfred 0.33480

## independencia 0.00006
```

El modelo propuesto no cumple todas las validaciones de supuestos, por lo tanto existe riesgo al evaluar y no se recomeinda estadisticamente:

```
Fertility = Bo + B1 * Education + B2 * Catholic + B3 * Infant.
Mortality R2 de predicción
```

```
PRESS(modelo)

## [1] 2901.555

pred_r_squared(modelo)
```

```
## [1] 0.5957686
```

De la salida anterior se observa que el R2 de predicción toma un valor de 0.5957686, esto indica que el modelo mod tiene una buena capacidad de predicción para nuevas observaciones.