### Modele COVID-19 Recognition:

#### Import des biblio:

```
In [1]: import glob
        import shutil
        import cv2
        import os
        from PIL import Image
        import seaborn as sns
        import numpy as np
        from matplotlib import pyplot as plt
        import tensorflow as tf
        from tensorflow.keras.layers import *
        from tensorflow.keras.models import *
        from tensorflow.keras.preprocessing import *
        from keras.applications.vgg16 import VGG16
        from keras import layers
        # from skimage.feature import local_binary_pattern
        import warnings
        # Ignore waring
        warnings.filterwarnings('ignore')
```

Ce code est destiné à charger un ensemble d'images de radiographies de patients atteints de COVID-19 depuis un répertoire, à les redimensionner et à leur attribuer des étiquettes.

X : contiendra toutes les images sous forme de tableaux de pixels, chacune ayant été redimensionnée à 128x128 pixels.

y : contiendra uniquement des 1, indiquant que toutes les images sont étiquetées comme appartenant à la classe 'Covid'.

```
In [2]: name_list = glob.glob("C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpemen
labels = ['NORMAL', 'Covid']

#Load the training images and labels
X= []
y = []
for name in name_list:
    y.append(1)
    img = cv2.imread(name)
    img = tf.keras.preprocessing.image.img_to_array(img)
    img = cv2.resize(img,(128,128))

X.append((img))
len(X)
```

# ici , on fait le meme démarche pour charger les images des patients normal

x: contiendra toutes les images sous forme de tableaux de pixels, chacune ayant été redimensionnée à 128x128 pixels.

y: contiendra des 1(indique classe COVID), et des 0 (indique classe Normal)

```
In [3]: name_list = glob.glob("C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpemen

for name in name_list:
    y.append(0)
    img = cv2.imread(name)
    img = tf.keras.preprocessing.image.img_to_array(img)
    img = cv2.resize(img,(128,128))
    X.append((img))
len(X)
```

Out[3]: 7841

### Conversion de X et Y en deux tableaux NumPy et les redimensionner :

Cela permet de faciliter le traitement numérique, car NumPy est optimisé pour les opérations sur les tableaux.

```
In [4]: X = np.array(X)
y = np.array(y).reshape(-1,1)
```

# Affichage des informations sur les tableaux X et y après leur conversion en tableaux NumPy.

```
In [5]: print(len(X))
    print(X.shape)
    print(y.shape)

7841
    (7841, 128, 128, 3)
    (7841, 1)
```

Division des données d'images et d'étiquettes en trois parties : un ensemble d'entraînement (90%), un ensemble de validation (2 %) et un ensemble de test(8%).

```
In [6]: from sklearn.model_selection import train_test_split
X_train, X_test,y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.1, random_s
X_test, X_val, y_test, y_val = train_test_split(X_test, y_test, test_size=0.2, r

print( X_train.shape) #Train
print(X_val.shape) #validation
print( X_test.shape) #Test
```

```
(7056, 128, 128, 3)
(157, 128, 128, 3)
(628, 128, 128, 3)
```

#### Normalisation des images : (255 pixels)

```
In [7]: X_train = X_train /255
X_test_scaled = X_test / 255
X_val = X_val/255
```

# VGG16 : C'est une architecture de réseau de neurones convolutifs (CNN) pré-entraînée, célèbre pour ses performances en classification d'images.

Model: "sequential"

Layer (type)	Output Shape	Param #
vgg16 (Functional)	(None, 4, 4, 512)	14714688
flatten (Flatten)	(None, 8192)	0
dense (Dense)	(None, 1024)	8389632
activation (Activation)	(None, 1024)	0
dense_1 (Dense)	(None, 512)	524800
activation_1 (Activation)	(None, 512)	0
dense_2 (Dense)	(None, 1)	513
activation_2 (Activation)	(None, 1)	0
		=======

Total params: 23,629,633 Trainable params: 8,914,945 Non-trainable params: 14,714,688

# Configuration et entraînement d'un modèle d'apprentissage automatique en utilisant TensorFlow et Keras.

```
In [9]: from tensorflow.keras.callbacks import EarlyStopping
learning_rate = 0.00001 # taux d'apprentissage
decay_steps = 10 # le taux d'apprentissage sera ajusté toutes les 10 épo
decay_rate = 1 # le facteur par lequel le taux d'apprentissage doit ê

# Initialisation de l'ordonnanceur de taux d'apprentissage
lr_scheduler = tf.keras.optimizers.schedules.ExponentialDecay(learning_rate, dec
optimizer1 = tf.keras.optimizers.Adam(learning_rate = lr_scheduler)
early_stop = EarlyStopping(monitor='val_loss', patience=5, restore_best_weights=
model.compile(optimizer = optimizer1, loss = 'binary_crossentropy',metrics =['ac
# Entraînement du modèle
history = model.fit(X_train,y_train,batch_size = 32, epochs =15,validation_data
```

```
Epoch 1/15
acy: 0.8468 - val_loss: 0.2785 - val_accuracy: 0.9045
Epoch 2/15
acy: 0.9188 - val_loss: 0.2054 - val_accuracy: 0.9299
Epoch 3/15
acy: 0.9416 - val_loss: 0.1754 - val_accuracy: 0.9490
Epoch 4/15
acy: 0.9495 - val loss: 0.1538 - val accuracy: 0.9554
221/221 [============= ] - 219s 990ms/step - loss: 0.1321 - accur
acy: 0.9575 - val_loss: 0.1412 - val_accuracy: 0.9554
Epoch 6/15
221/221 [============= ] - 223s 1s/step - loss: 0.1175 - accurac
y: 0.9615 - val_loss: 0.1315 - val_accuracy: 0.9554
Epoch 7/15
acy: 0.9674 - val_loss: 0.1227 - val_accuracy: 0.9618
Epoch 8/15
acy: 0.9711 - val_loss: 0.1213 - val_accuracy: 0.9618
Epoch 9/15
acy: 0.9738 - val_loss: 0.1164 - val_accuracy: 0.9618
Epoch 10/15
acy: 0.9780 - val_loss: 0.1071 - val_accuracy: 0.9618
Epoch 11/15
acy: 0.9813 - val_loss: 0.1000 - val_accuracy: 0.9682
acy: 0.9827 - val_loss: 0.0988 - val_accuracy: 0.9745
Epoch 13/15
acy: 0.9868 - val_loss: 0.0956 - val_accuracy: 0.9745
Epoch 14/15
acy: 0.9867 - val loss: 0.0916 - val accuracy: 0.9745
Epoch 15/15
acy: 0.9899 - val_loss: 0.0845 - val_accuracy: 0.9745
```

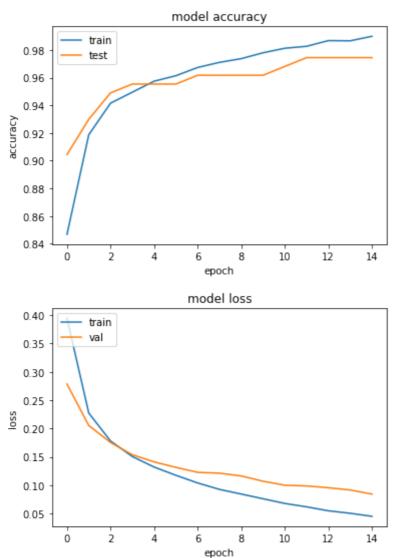
### Visualisation de l'exactitude et la perte du modèle

•

Remarque: Une diminution de la perte indique que le modèle apprend et s'améliore, tandis qu'une perte stagnante ou en augmentation peut indiquer un surapprentissage.

```
In [10]: from matplotlib import pyplot as plt
  plt.plot(history.history['accuracy'])
  plt.plot(history.history['val_accuracy'])
  plt.title('model accuracy')
  plt.ylabel('accuracy')
```

```
plt.xlabel('epoch')
plt.legend(['train','test'],loc ='upper left')
plt.show()
#summarize history for loss
plt.plot(history.history['loss'])
plt.plot(history.history['val_loss'])
plt.title('model loss')
plt.ylabel('loss')
plt.xlabel('epoch')
plt.legend(['train','val'],loc ='upper left')
plt.show()
```



# Enregistrement du modèle pour l'utiliser aprés avec notre interface web

In [11]: model.save('C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpement/model1.h5

chargement du notre modèle de deep learning déjà entraîné et sauvegardé au format HDF5 :

```
In [12]: model1 = load_model('C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpement/
```

#### Utilisation de notre modele pour faire la prediction :

Les sorties de model1.predict() sont des valeurs comprises entre 0 et 1, représentant la probabilité que l'échantillon appartienne à la classe positive (ici, COVID-19).

Si la probabilité est supérieure ou égale à 0,5, la classe est considérée comme 1 (COVID).

Si la probabilité est inférieure à 0,5, la classe est considérée comme 0 (Normal).

```
In [13]: y_hat = model1.predict(X_test_scaled) # prédiction sur les données de test
         def predict(y_hat):
             y_hat[y_hat >= 0.5] =1
             y_hat[y_hat<0.5] =0</pre>
             return y hat
         y_pred = predict(y_hat)
                                    # Calcul de la précision (accuracy)
         from sklearn.metrics import accuracy_score
         accuracy = accuracy_score(y_test, y_pred)
         print(accuracy)
         result= []
         real result = []
         for i in y_pred:
                                       # Conversion des prédictions en étiquettes de te
             if i==0:
                 result.append('Normal')
             if i==1:
                result.append('Covid')
         for i in y_pred:
            if i==0:
                real_result.append('Normal')
                 real result.append('Covid')
```

0.9665605095541401

La precision est 0.9665605095541401

Utilisation des fonctions de la bibliothèque Scikit-learn pour évaluer les performances d'un modèle de machine learning.

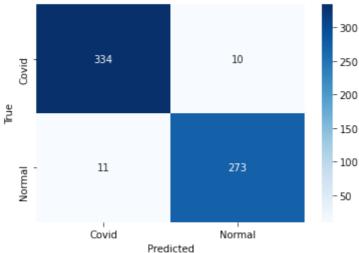
```
In [14]: from sklearn.metrics import confusion_matrix, classification_report, accuracy_sc
labels = ['Covid', 'Normal']
    report = classification_report(y_test, y_pred, target_names=labels)
    print(report)
    accuracy = accuracy_score(y_test, y_pred)

print(f"Accuracy: {accuracy}")
```

	precision	recall	f1-score	support
Covid	0.97	0.97	0.97	344
COVIU	0.97	0.97	0.97	344
Normal	0.96	0.96	0.96	284
accuracy			0.97	628
macro avg	0.97	0.97	0.97	628
weighted avg	0.97	0.97	0.97	628

Accuracy: 0.9665605095541401

#### Affichage de matrice de confusion + Heatmap :



Affichage des images issues d'un ensemble de test, tout en affichant la prédiction du modèle et l'étiquette réelle (label) associée à chaque image.

```
In [16]: import matplotlib.pyplot as plt

def show_image_with_prediction(image_array, prediction, label):
    plt.imshow(image_array)
    plt.axis('off')
    plt.title(f'Prediction: {prediction}, Label: {label}')
    plt.show()
```

```
# In this case, we're only showing the first 10 images
image_arrays = X_test[:10]  # Select only the first 10 images
predictions = result[:10]  # Select the first 10 predictions
labels = real_result[:10]  # Select the first 10 actual labels

# Display 10 images with predicted and actual labels
for image_array, prediction, label in zip(image_arrays, predictions, labels):
    show_image_with_prediction(image_array / 255, prediction, label)
```

Prediction: Normal, Label: Normal



Prediction: Covid, Label: Covid



Prediction: Normal, Label: Normal



Prediction: Normal, Label: Normal



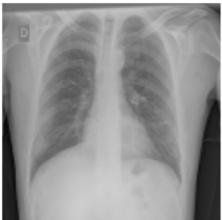
Prediction: Normal, Label: Normal



Prediction: Covid, Label: Covid



Prediction: Covid, Label: Covid



Prediction: Normal, Label: Normal



Prediction: Normal, Label: Normal



Prediction: Normal, Label: Normal



```
In []:
In [17]: name_list = glob.glob("C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpemen

#Load the training images and labels
X_input= []
for name in name_list:
    img = cv2.imread(name)
    img = tf.keras.preprocessing.image.img_to_array(img)
    img = cv2.resize(img,(128,128))

X_input.append((img))
```

### Apres on va charger notre modèle, préparer des images, prédire leur classe, et convertir les probabilités en étiquettes.

```
In [18]: X_input=np.array(X_input)
    X_input = X_input/255
    model1 = load_model('C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpement/
    y_hat = model1.predict(X_input)
    y_pred = predict(y_hat)

In [19]: result_pred =[]
    for i in y_pred:
        if i==0:
            result_pred.append('Normal')
        if i i==1:
            result_pred.append('Covid')

#ce code parcourt les prédictions numériques (0 ou 1) dans y_pred, et pour chaqu
    #il convertit les valeurs numériques en étiquettes de classe ("Normal" ou "Covid
    #A la fin de cette boucle, result_pred contiendra les étiquettes correspondantes
#le modèle.
```

### Visualisation et Sauvegarde des Prédictions d'Images pour la Détection de COVID-19 :

```
In [20]: import matplotlib.pyplot as plt
         import os
         def show_image_with_prediction(image_array, prediction):
             plt.imshow(image_array)
             plt.axis('off')
             plt.title(f'Prediction: {prediction}')
             plt.show()
         image_arrays = X_input
         predictions = result pred
         for image_array, prediction in zip(image_arrays, predictions):
             show_image_with_prediction(image_array, prediction)
         output_dir = "C:/Users/yosser/OneDrive/Bureau/3DNI/Projets/developpement/Resulta
         if not os.path.exists(output_dir):
             os.makedirs(output dir)
         for i, (image_array, prediction) in enumerate(zip(image_arrays, predictions)):
             filename = f"image_{i}_prediction_{prediction}.jpg"
             file_path = os.path.join(output_dir, filename)
             plt.savefig(file_path)
```

Prediction: Covid



Prediction: Covid



Prediction: Covid



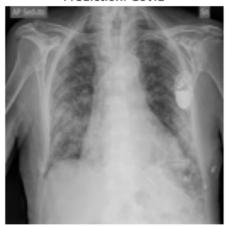
Prediction: Covid



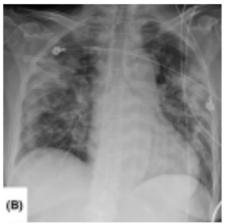
Prediction: Covid



Prediction: Covid



Prediction: Covid



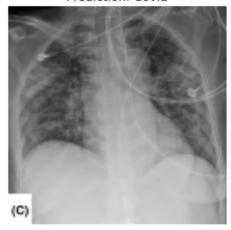
Prediction: Covid



Prediction: Covid



Prediction: Covid



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



Prediction: Normal



<Figure size 432x288 with 0 Axes>