1 下一代矩阵

1.1 模型案例

我们通过一个实例来看,模型如下所示:

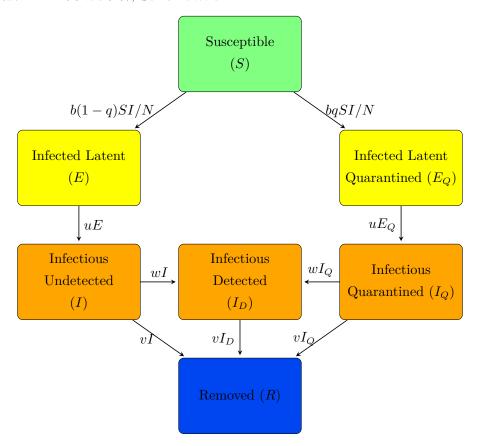


图 1: 传染病改良 SEIR 模型

模型的方程如下所示:

$$\begin{cases} \frac{\mathrm{d}S}{\mathrm{d}t} = -bS\frac{I}{N} \\ \frac{\mathrm{d}E}{\mathrm{d}t} = b(1-q)S\frac{I}{N} - uE \\ \frac{\mathrm{d}E_Q}{\mathrm{d}t} = bqS\frac{I}{N} - uE_Q \\ \frac{\mathrm{d}I}{\mathrm{d}t} = uE - (v+w)I \\ \frac{\mathrm{d}I_Q}{\mathrm{d}t} = uE_Q - (v+w)I_Q \\ \frac{\mathrm{d}I_D}{\mathrm{d}t} = w(I+I_Q) - vI_D \\ \frac{\mathrm{d}R}{\mathrm{d}t} = v(I+I_Q+I_D) \end{cases}$$

其中,S 为易感者,E 为潜伏期感染者, E_Q 为隔离潜伏期感染者,I 为未检测到的感染者, I_Q 为隔离感染者, I_D 为检测到的感染者,R 为康复者。各个参数的含义如下:b 感染率,q 隔离率,u 潜伏期转为感染者的速率,v 感染者转为康复者的速率,w 感染者转为死亡者的速率。

1.2 感染相关的仓室确定

什么是感染相关的仓室?感染相关仓室是指那些与感染者直接相关的仓室,这些仓室的状态变化会影响感染发生率。根据原文献,感染相关仓室包括所有被感染的个体所处在的仓室,除了那些在感染过程中但已经不再能传播疾病(比如永久隔离、治愈后免疫、死亡等).有如下的判别依据:

• (1) 携带病原体: 仓室中的个体必须是已经感染了病原体的状态 (因此排除了易感者 S 和康复者 R 等)

- (2) 能够传播疾病或能够转化为具有传播能力的仓室: 也就是说,这些仓室要么直接具有传染性,要么会变成具有传染性的仓室 (例如潜伏期仓室虽然不传染,但会变成传染性仓室)
- (3) 参与传播动力学: 也就是说,这些仓室的状态变化会影响感染发生率 (比如传染性仓室的大小会影响易感者的感染风险).

根据第一条,可以直接排除仓室 S 和仓室 R,剩下的仓室为: E、 E_Q 、I、 I_Q 、 I_D ,随后根据第二条可以得: 仓室 E 和 E_Q 虽然不直接传染,但它们会转化为传染性仓室 I 和 I_Q ,因此也属于感染相关仓室。仓室 I、 I_Q 和 I_D 都是直接具有传染性的仓室,但是隔离使 I_Q 其传播能力为零,而 I_D 这个仓室不传播且不转化为传播源.

在保守计算下,我们通常仍然将其视为感染相关仓室,但由于其传播系数为零,所以其传播贡献为零. 同时为了简便计算,最后感染相关仓室为 $E \times E_Q \times I$.

1.3 感染相关仓室的分解

感染相关仓室确定了,接下来计算系统的无病平衡点,令感染相关仓室的状态为 $E = E_Q = I = 0$,可解得易感者 S = N,其中 N 为总人口数。感染相关仓室的方程为:

$$\begin{cases} \frac{\mathrm{d}E}{\mathrm{d}t} = b(1-q)S\frac{I}{N} - uE\\ \frac{\mathrm{d}E_Q}{\mathrm{d}t} = bqS\frac{I}{N} - uE_Q\\ \frac{\mathrm{d}I}{\mathrm{d}t} = uE - (v+w)I \end{cases}$$

在无病平衡点处 $(S=N,\ E=E_Q=I=0)$, 方程可以简化为:

$$\begin{cases} \frac{\mathrm{d}E}{\mathrm{d}t} = b(1-q)I - uE\\ \frac{\mathrm{d}E_Q}{\mathrm{d}t} = bqI - uE_Q\\ \frac{\mathrm{d}I}{\mathrm{d}t} = uE - (v+w)I \end{cases}$$

方程组右侧可分解为 F(新感染)和 V(转移:包括移入该仓室的和从该仓室移除的)两部分 $(\mathcal{F}-\mathcal{V})$,注意到 I 是没有新感染的,那么有:

$$\mathcal{F} = \begin{bmatrix} b(1-q)I \\ bqI \\ 0 \end{bmatrix}, \quad \mathcal{V} = \begin{bmatrix} uE \\ uE_Q \\ -uE + (v+w)I \end{bmatrix}$$
 (1)

1.4 计算雅可比矩阵

在无病平衡点处计算雅可比矩阵

$$F = \frac{\partial \mathcal{F}}{\partial \mathbf{x}} = \begin{bmatrix} 0 & 0 & b(1-q) \\ 0 & 0 & bq \\ 0 & 0 & 0 \end{bmatrix}, \quad V = \frac{\partial \mathcal{V}}{\partial \mathbf{x}} = \begin{bmatrix} u & 0 & 0 \\ 0 & u & 0 \\ -u & 0 & v+w \end{bmatrix}$$
(2)

随后求转移矩阵 V 的逆 V^{-1} , 那么有:

$$V^{-1} = \begin{bmatrix} \frac{1}{u} & 0 & 0\\ 0 & \frac{1}{u} & 0\\ \frac{1}{v+w} & 0 & -\frac{1}{v+w} \end{bmatrix}$$
 (3)

1.5 计算下一代矩阵

下一代矩阵 $K = FV^{-1}$:

$$K = \begin{bmatrix} 0 & 0 & b(1-q) \\ 0 & 0 & bq \\ 0 & 0 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} \frac{1}{u} & 0 & 0 \\ 0 & \frac{1}{u} & 0 \\ \frac{1}{v+w} & 0 & \frac{1}{v+w} \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \frac{b(1-q)}{v+w} & 0 & \frac{b(1-q)}{v+w} \\ \frac{bq}{v+w} & 0 & \frac{bq}{v+w} \\ 0 & 0 & 0 \end{bmatrix}$$
(4)

1.6 计算 K 的谱半径

谱半径是矩阵的最大特征值的绝对值。对于矩阵 K,我们可以通过计算其特征值来找到谱半径。特征值 λ 满足以下方程:

$$\det(K - \lambda I) = 0 \tag{5}$$

其中 I 是单位矩阵。对于矩阵 K,我们可以计算其特征值:

$$\det \left(\begin{bmatrix} \frac{b(1-q)}{v+w} - \lambda & 0 & \frac{b(1-q)}{v+w} \\ \frac{bq}{v+w} & -\lambda & \frac{bq}{v+w} \\ 0 & 0 & -\lambda \end{bmatrix} \right) = 0 \tag{6}$$

通过计算行列式,我们可以得到特征值的方程。计算行列式后,我们得到:

$$\left(\frac{b(1-q)}{v+w} - \lambda\right)(-\lambda)(-\lambda) - \frac{bq}{v+w}\left(\frac{b(1-q)}{v+w}\right) = 0 \tag{7}$$

解这个方程,我们可以得到特征值:

$$\lambda_1 = \frac{b(1-q)}{v+w}, \quad \lambda_2 = 0, \quad \lambda_3 = 0 \tag{8}$$

因此, 谱半径为:

$$\rho(K) = \max\left\{ \left| \frac{b(1-q)}{v+w} \right|, 0, 0 \right\} = \frac{b(1-q)}{v+w}$$
(9)

1.7 简单例子

再举一个较为简单的例子,这是一个关于登革热得媒介-宿主模型,这个模型结合了宿主的 SIS 模型和媒介 (SI) 模型. 四个仓室分别对应染病的宿主 I、染病的媒介 V、易感的宿主 S 和易感的媒介 M. 宿主通过接触染病的媒介而被感染,媒介反过来又通过接触染病的宿主而被感染,感染率分别为 β_sSV 和 β_mMI . 模型如下所示:

$$\begin{cases} \dot{I} = \beta_s SV - (b + \gamma)I \\ \dot{V} = \beta_m MI - cV \\ \dot{S} = b - bS + \gamma I - \beta_s SV \\ \dot{M} = c - cM - \beta_m MI \end{cases}$$

其中 b>0 是宿主的出生率和死亡率,c>0 是媒介的出生率和死亡率,因此,无病平衡点为 $x_0=(0,0,1,1)^T$.

易得 S 和 M 都是易感, 而剩下的仓室 I 和 V 就是感染相关仓室.

$$\begin{cases} \dot{I} = \beta_s SV - (b + \gamma)I \\ \dot{V} = \beta_m MI - cV \end{cases}$$

从而方程右侧可分解为 (F - V):

$$\mathcal{F} = \begin{bmatrix} \beta_s SV \\ \beta_m MI \end{bmatrix}, \quad \mathcal{V} = \begin{bmatrix} (b+\gamma)I \\ cV \end{bmatrix}$$
 (10)

下面计算 F 和 V:

$$F = \begin{bmatrix} 0 & \beta_s \\ \beta_m & 0 \end{bmatrix}, \quad V = \begin{bmatrix} (b+\gamma)I & 0 \\ 0 & c \end{bmatrix}$$
 (11)

最后计算基本再生数为

$$R_0 = \sqrt{\frac{\beta_s \beta_m}{c(b+\gamma)}}$$