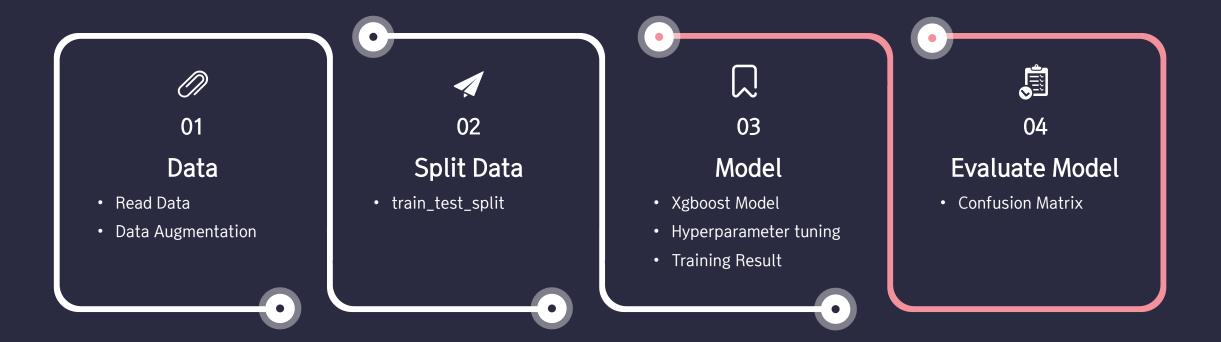
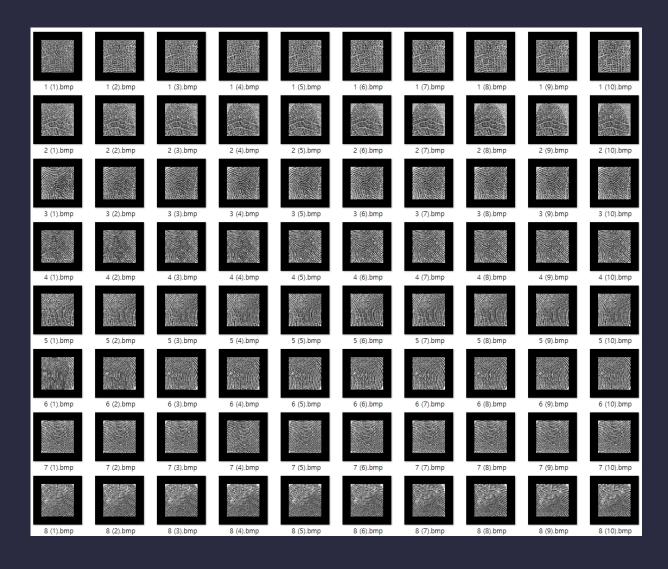
# 지문인식 1차 과제

생체인증보안







#### Given Data

- 8명의 지문 데이터가 1명당 10개씩 총
   80개의 지문 이미지 데이터가 주어짐.
- 각 파일명의 맨 앞 숫자는 label을 의미함.

```
# 이미지 목록
images = glob.glob('./O1_finger_training/*.bmp')
Ten(images)
80
r = re.compile('#d+')
img = [] # O/D/X/
| label = [] # 라벨
for fname in images:
    I = r.findall(fname)[1]
    if I == '8': # 처리 편의성을 위해 라벨 범위를 1-8에서 0-7로 변경
       1 = '0'
    Tabel.append(I)
    im = pilimg.open(fname)
   pix = np.array(im)[25:120,25:120]/255. # 검은 부분 제거, Normalize
    img.append(pix)
X = np.array(img)
X = X.reshape(X.shape[0],95,95,1)
X.shape # ima shape
(80, 95, 95, 1)
v = np.array(label, dtype='int32')
v # /abe/
array([7, 4, 6, 4, 6, 3, 7, 1, 7, 3, 3, 0, 1, 4, 4, 7, 6, 7, 1, 6,
       1, 1, 2, 1, 5, 3, 0, 4, 6, 4, 5, 5, 2, 3, 7, 1, 2, 3, 2, 1, 5, 3,
       7, 2, 6, 0, 4, 5, 0, 3, 1, 0, 0, 3, 6, 0, 5, 6, 5, 2, 4, 0, 0, 2,
       2, 0, 6, 3, 7, 1, 7, 5, 5, 2, 4, 2, 7, 6], dtype=int32)
```

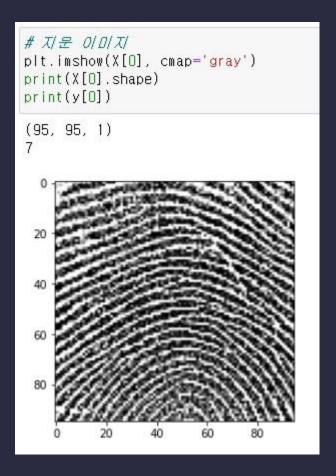
#### 데이터 불러오기

- glob 함수를 이용해 파일명을 불러오고, 파일명에서 label을 읽어 별도의 리스트에 저장함.
- Confusion matrix 등의 처리의 편의성을
   위해 8번 label은 0으로 변경함.
- 불러온 이미지를 numpy array로 변환하고, 이미지 자체의 테두리를 제거함.
- 이후 픽셀을 255로 나누어 Normalize함.

# 지문 이미지 확인

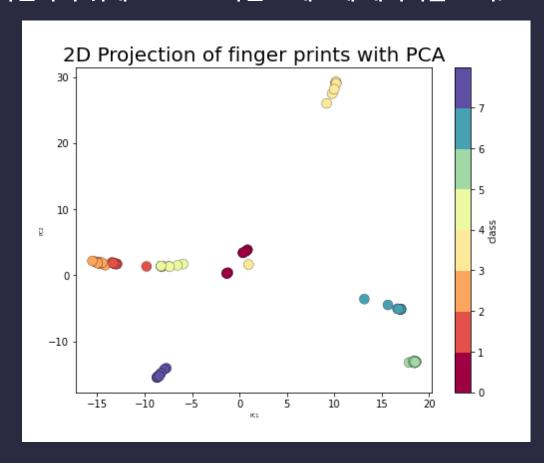


- 테두리 제거
- normalization



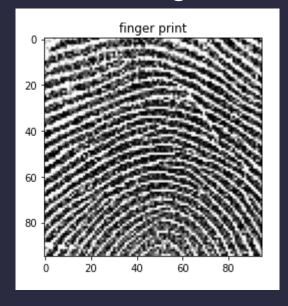
## PCA로 데이터 분포 확인

• 데이터의 분포 양상을 확인하기 위해 PCA로 2차원 그래프에 데이터를 표시.

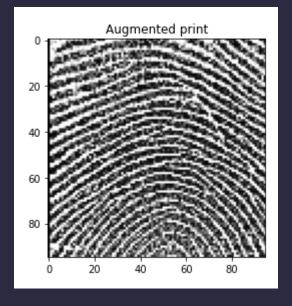


#### **Data Augmentation**

- 1명당 10개의 데이터는 지문을 구별하기에 부족하다고 판단.
- 지문 이미지를 blur처리하고 이미지의 각도를 비틀어 새 데이터를 생성함. (크게 변형되지 않도록)
- 지문패턴 분류 구분에 loop의 방향을 고려하여 이미지를 flip하지 않도록 함.
- 각 이미지당 10개의 augmented image를 생성하여 총 800개의 데이터를 확보함.

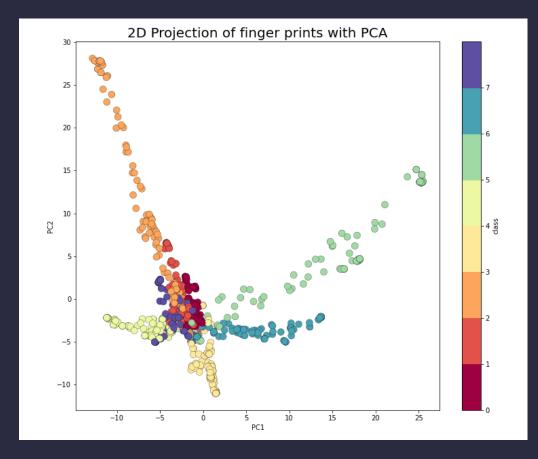


- GaussianBlur
- Affine translate, rotate



## PCA로 데이터 분포 확인

• Augmentation 이후 데이터 분포 PCA로 시각화.



#### 최종 Data

```
#생성환 이미지
x_d = np.array(x_d)
y_d = np.array(y_d)
print(x_d.shape)
print(y_d.shape)
(720, 95, 95, 1)
(720,)
# 기존 이미지
print(X.shape)
print(y.shape)
(80, 95, 95, 1)
(80,)
X_data = np.concatenate([X, x_d], axis=0)
y_data = np.concatenate([y, y_d], axis=0)
print(X_data.shape)
print(y_data.shape)
(800, 95, 95, 1)
(800,)
```

#### Split Data

- sklearn.model\_selection의 train\_test\_split 함수 이용.
- Train: Test의 비율은 8:2로 하고, stratify 옵션을 주어 label이 균등하게 나뉘도록 함.
- X\_test, y\_test는 모델 훈련 후 evaluate으로 이용함.

```
from sklearn.model_selection import train_test_split
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X_data,y_data, test_size=0.2, shuffle=True, stratify=y_

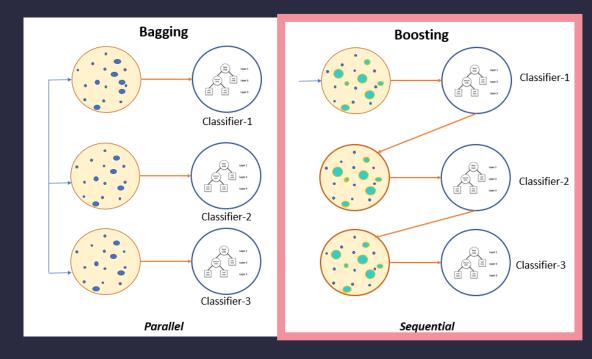
X_train=X_train.astype('float32')
y_train=y_train.astype('float32')
X_test=X_test.astype('float32')
y_test=y_test.astype('float32')

X_train = X_train.reshape(X_train.shape[0],95,95,1)
X_test = X_test.reshape(X_test.shape[0],95,95,1)
print(X_train.shape, y_train.shape, X_test.shape, y_test.shape)

(640, 95, 95, 1) (640,) (160, 95, 95, 1) (160,)
```

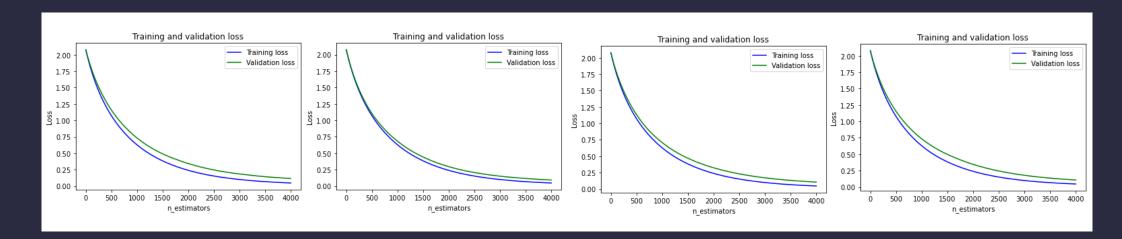
#### **XGBoost**

- 여러 개의 Decision Tree를 조합해서 사용하는 Ensemble Boosting 알고리즘.
- Tree 생성 시 CART를 활용해 모든 리프 노드가 최종 스코어에 연관되도록 하여 모델 간의 우위를 확인 할 수 있다.
- 과적합 방지를 위한 규제(Regularization)가 내부에 포함되어 있다.
- Ensemble Boosting의 특징인 가중치 부여를 경사하강법(Gradient Descent)로 계산한다.



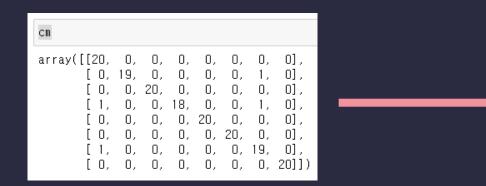
## Training and Validation Loss

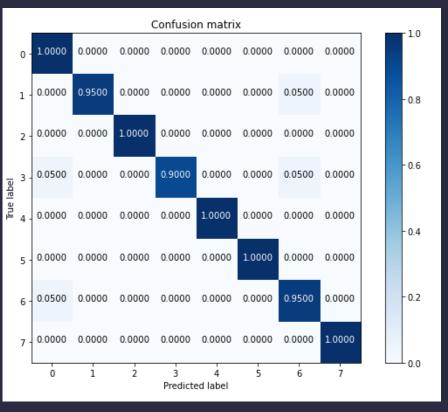
- KFold (k=4) Validation
- Fold 별 Train Loss와 Validation Loss
- 거의 비슷한 양상으로 loss가 줄어들었음을 확인할 수 있음.
- 4번째 fold에서의 마지막 loss: train=0.03754 val=0.22916



#### **Confusion Matrix**

- 앞서 train\_test\_split으로 분리한 test 데이터를 이용해 모델을 평가함.
- Multi-class model임을 고려하여 confusion matrix를 구함.





#### Accuracy, Precision, Recall, F1 score

- Multi-class model임을 고려하여 평가지표들을 계산함.
- 각 label마다의 confusion matrix TP, FN, FP, TN의 평균인 Macro Average를 계산함.

```
# labelDFCP4 confusion matrix
from sklearn.metrics import multilabel_confusion_matrix
cm mat = multilabel confusion matrix(v test, preds)
cm mat
# TP FN
# FP TN
array([[[138, 2],
       [ 0. 2011.
      [[140, 0],
       [ 1, 19]],
      [[140,
             0],
       [ 0, 20]]
      [[140,
       [ 2, 18]],
      [[140,
              0],
       [ 0, 20]],
      [[140.
              0],
       [ 0, 20]],
      [[138, 2],
       [ 1, 19]],
      [[140,
       [ 0, 20]]])
```

```
# Macro Average로 평가지표 계산
accuracy_avg = 0
precision_avg = 0
recall_avg = 0
F1_avg = 0
for i in range(len(cm_mat)):
   accuracy_avg += accuracy(cm_mat[i])
   precision_avg += precision(cm_mat[i])
   recall_avg += recall(cm_mat[i])
   F1_avg += F1(cm_mat[i])
|precision_avg /= len(cm_mat)
recall avg /= len(cm mat)
F1_avg /= len(cm_mat)
print('accuracy: ', accuracy_avg)
print('precision: ', precision_avg)
print('recall: ', recall_avg)
print('F1: ', F1_avg)
```

accuracy: 0.99375 precision: 0.9964536312214837 recall: 0.9964285714285714 F1: 0.9964252687226088

## Test 예측 결과

	Image	Answer
2	1	7
5	2	2
42	3	2
33	4	6
38	5	1
64	76	1
61	77	7
19	78	1
31	79	7
60	80	8
80 rows × 2 columns		

#### 개선방향

- Data Augmentation 시 생성하는 데이터양을 더 늘리거나, 기존 이미지의 특성을 최대한 보존할 수 있도록 augmentation 옵션을 조절.
- 모델 학습 시 하이퍼파라미터 값 조절 (learning\_rate, max\_depth, n\_estimators)
- Cross Validation Fold 수 조절

