

# Table of Contents

第	一章	数组	3
	1.1	创建数组	3
	1.2	数组运算效率	6
	1.3	数组的索引	7
第	二章	数组方法	9
	2.1	聚合与统计方法	9
	2.2	形状操作方法	1
	2.3	排序和搜索方法	12
	2.4	数组的数学运算	12
第三章		Random 子库 1	.5
	3.1	例, t 分布的厚尾特征	15
	3.2	例,中心极限定理 1	16
	3.3	通用函数 1	19
	3.4	例: 通用函数	19
	3.5	例:洛伦茨曲线和基尼系数 2	21
	3.6	基尼系数 2	23

本部分简要介绍 Numpy 的基础用法,并用几个例子说明随机数生成器的作用。

## 第一章 数组

## 1.1 创建数组

有许多种方法创建数组,下面是一些简单的例子,使用 np.array() 函数,将列表、元组转化为数组:

```
import numpy as np
a = np.array([1, 2, 3, 4])
print(a)
```

[1 2 3 4]

注意,与列表不同,Numpy 数组只能包含相同类型的数据,下面的例子中,np.array()函数自动将列表中的整数转换为浮点数:

```
b = np.array([3.14, 4, 2, 3])
b
```

array([3.14, 4. , 2. , 3. ])

列表总是一维的, Numpy 数组可以是多维的, 例如下面的例子使用:

array([[ 1.5, -0.1, 3. ],

4 第一章 数组

[ 0. , -3. , 6.5]])

数组 data 是二维数组,可以查看属性 ndim 和 shape:

data.ndim
data.shape

(2, 3)

可以对 data 进行通常的数学运算:

print(data \* 10)
print(data + data)

[[ 15. -1. 30.]

[ 0. -30. 65.]]

[[ 3. -0.2 6. ]

[ 0. -6. 13. ]]

Numpy 也有函数来生成一些特定格式的数组, 如表 Table 1.1 所示:

Table 1.1: Numpy 中生成数组的函数

函数名	描述
array	将输入数据(列表、元组、数组或其他序列类型)转换为
	ndarray,可以自动推断或显式指定数据类型,默认会复制
	输入数据
asarray	将输入转换为 ndarray,如果输入已经是 ndarray,则不会
	进行复制
arange	类似于内置的 range,但返回的是 ndarray 而不是列表
ones,	生成给定形状和数据类型的全 1 数组; ones_like 以另一个
ones_like	数组为模板,生成相同形状和数据类型的全1数组
zeros,	类似于 ones 和 ones_like, 但生成的是全 0 数组
zeros_like	
$\mathtt{empty},$	通过分配新内存创建新数组,但不会像 ones 和 zeros 那样
empty_like	填充值

1.1 创建数组 5

函数名	描述
full,	生成给定形状和数据类型的数组,所有值都设置为指定的
full_like	"填充值";full_like 以另一个数组为模板,生成相同形状
	和数据类型的填充值数组
eye,identity	生成单位矩阵(对角线为1,其余为0)

#### 下面是一些例子:

```
zeros = np.zeros(10)
print(zeros)
ones = np.ones((2,3), dtype=float)
print(ones)
# 生成零矩阵
idents = np.identity(3)
print(idents)
evens = np.arange(0, 20, 2)
print(evens)
grids = np.linspace(0, 1, 21)
print(grids)
[0. 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0.]
[[1. 1. 1.]
 [1. 1. 1.]]
[[1. 0. 0.]
 [0. 1. 0.]
 [0. 0. 1.]]
[ 0 2 4 6 8 10 12 14 16 18]
[0. \quad 0.05 \ 0.1 \quad 0.15 \ 0.2 \quad 0.25 \ 0.3 \quad 0.35 \ 0.4 \quad 0.45 \ 0.5 \quad 0.55 \ 0.6 \quad 0.65
0.7 0.75 0.8 0.85 0.9 0.95 1. ]
```

Numpy 中 random 子库包含丰富的生成随机数的函数,用来生成数组进行模拟运算。如 np.random.normal()可以生成正态分布随机数、np.random.randint()用来生成随机整数:

6 第一章 数组

```
# 生成正态分布
nums_norm = np.random.normal(loc=0, scale=1, size=(4, 3))
print(nums_norm)
nums_int = np.random.randint(low=1, high=11, size=(2, 10))
print(nums_int)

[[-1.01491167  0.05383072  1.41786896]
[-1.71620394  3.27443287  1.69644891]
[-1.23350691  0.40400323  0.66297691]
[ 0.43320345  2.52678038  1.57140624]]
[[ 2 6 3 5 6 4 4 7 5 10]
[ 3 5 1 7 9 3 8 3 3 5]]
```

### 1.2 数组运算效率

数组采用的是向量化操作,运算速度比列表要快许多。让我们通过一个简单的例子来直观感受两者的速度差异:对一百万个元素的集合求平方运算,一种使用列表推导式,一种采用数组。

```
import numpy as np
import time
#
list_data = list(range(1000000))
array_data = np.arange(1000000)

# 使用列表推导式进行运算
start_time = time.time()
list_result = [x ** 2 for x in list_data]
end_time = time.time()
print(f"Time: {end_time - start_time} s")

# 使用 NumPy 的向量化运算
start_time = time.time()
```

1.3 数组的索引 7

```
array_result = array_data ** 2
end_time = time.time()
print(f"Time: {end_time - start_time} s")
```

Time: 0.05298900604248047 s
Time: 0.0018842220306396484 s

可见列表方式运算耗费的时间是数组运算的几十倍。

## 1.3 数组的索引

注意索引与列表一样,从0开始,在选择元素时不包括右侧。

```
z = np.array((1,2,3,4,5))
z[0]
z[0:2]
z[-1]
z[::2]
z[::-1]
```

array([5, 4, 3, 2, 1])

2 维数组用类似行和列的方式进行切片:

array([2, 4])

8 第一章 数组

## 第二章 数组方法

数组方法众多,

#### 2.1 聚合与统计方法

这些方法用于对数组中的数据进行汇总计算,返回一个单一的值或一个较小的数组。例如:

- arr.sum(): 计算数组所有元素的总和,默认是所有值之和;
- arr.mean(): 计算数组元素的平均值。
- arr.min(), arr.max(): 找出数组中的最小值和最大值。
- arr.std(), arr.var(): 计算数组的标准差和方差。
- arr.argmin(), arr.argmax(): 返回数组中最小值或最大值所在的索引。

要注意在 2D 数组时,参数 axis = 0 按列求和(默认),或 arr.sum(axis=1) 按行求和。

```
import numpy as np
np.random.seed(123)
x = np.random.normal(loc=0, scale=1, size=(100, 2))
x.sum(axis=0)
x.mean(axis=0)
x.std(axis=0)
```

array([0.98109429, 1.10461422])

要寻找最大/小值所处的位置,可以使用:

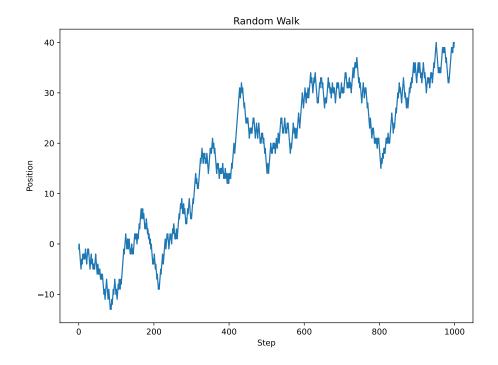
```
x[x.argmax(axis=0)]
```

```
array([[2.39236527, 0.41291216], [0.71226464, 2.59830393]])
```

另外,累积求和或乘积也是常见的运算。下面是一个简单随机游走过程。假设独立的随机变量, $Z_1,Z_2,\cdots,Z_n$ ,每一个变量分别有 50% 的概率取值 1或 -1。设  $S_0=0$ , $S_n=\sum_{i=1}^n Z_i$  是一个简单随机游走过程。

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt

np.random.seed(123)
n_steps = 1000
steps = np.random.choice([-1, 1], size=n_steps)
walk = np.cumsum(steps)
#
fig, ax = plt.subplots(figsize=(8, 6))
ax.plot(walk)
ax.set_title('Random Walk')
ax.set_xlabel('Step')
ax.set_ylabel('Position')
plt.tight_layout()
plt.show()
```



#### 2.2 形状操作方法

这些方法用于改变数组的形状或维度,但通常不会改变数组中的数据。

- arr.reshape(shape): 返回一个具有新形状的数组,但原始数组不变。例如,arr.reshape(2,3)。
- arr.T: 返回数组的转置。这是一个属性,而非方法,但功能上属于形状操作。
- arr.flatten(): 返回一个一维数组的副本。
- arr.transpose(): 也是返回数组的转置,与 arr.T 类似。

```
arr = np.arange(12).reshape(3, 4)
arr.T
```

[3, 7, 11]])

#### 2.3 排序和搜索方法

这些方法用于对数组进行排序或查找特定元素:

- arr.sort(): 对原始数组进行就地排序。
- np.sort(arr): 返回一个已排序的数组副本,不改变原始数组。
- arr.argsort(): 返回排序后元素的索引,而不是排序后的值。
- np.where(): 这是一个函数,但常用于搜索操作。它根据条件返回满足条件的元素的索引。

## 2.4 数组的数学运算

注意,运算符+,-,\*,/和\*\*,都是逐元素运算。例如:

```
a = np.array([1,2,3,4])
b = np.array([5,6,7,8])
a + b
a * b
a + 10
a * 10
# 2D array
A = np.ones((2,2))
B = np.ones((2,2))
A + B
A+10
```

可以使用 @ 或 np.dot() 进行矩阵乘法。如果是向量则计算内积。

array([2, 4])

一个常用的矩阵运算是特征根和特征向量:

 $Ae = \lambda e$ 

Numpy 线性代数子库中的 eig() 函数可以计算特征根和对应的特征向量:

[-0.82456484 0.56576746]

主要与第i个特征根对应的特征向量是特征向量矩阵的第i列,vec[:,i]。

14

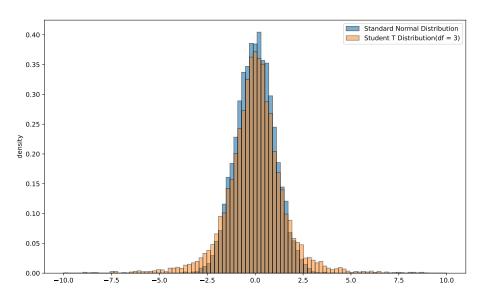
## 第三章 Random 子库

Numpy 中有大量的与随机数生成器有关的函数。

#### 3.1 例, t 分布的厚尾特征

下面是一个例子比较了 t 分布的厚尾特征,随机抽取了标准正态分布和 t 分布的随机数,绘制直方图。如果不设定随机种子数,因此每次运行结果会略有不同。

```
ax.legend()
plt.tight_layout()
plt.show()
```



## 3.2 例,中心极限定理

中心极限定理 (Central Limit Theorem, CLT) 是概率论中一个非常强大的定理。它指出,当从任何形状的总体中抽取足够大的独立同分布 (i.i.d.) 样本时,这些样本均值的分布将近似于正态分布,无论原始总体分布如何。样本量越大,近似程度越好。

在 Figure 3.1 中,我们将通过以下步骤来模拟验证 CLT:

- 选择一个非正态分布的总体: 比如,一个指数分布或均匀分布,它们的 形状都不是钟形的。
- 设置样本参数: 定义每次抽样的样本大小 (sample\_size) 和重复抽样的 次数 (num\_samples)。
- 重复抽样并计算均值: 从总体中抽取 num\_samples 次样本,每次抽取 sample\_size 个数据点,并计算每次抽样的平均值。

• 可视化: 绘制样本均值的直方图, 并与原始总体分布的直方图进行对比。

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
population_size = 1000000
sample_size = 30
num_samples = 10000
np.random.seed(123)
population_data = np.random.exponential(
                    scale=2.0, size=population_size)
# population_data_uniform = np.random.uniform(
                        low=0.0, high=10.0, size=population_size)
sample_means = []
for _ in np.arange(num_samples):
    sample = np.random.choice(
        population_data, size=sample_size,
        replace=True)
    sample_means.append(np.mean(sample))
sample_means = np.array(sample_means)
fig, ax = plt.subplots(nrows = 2, ncols= 1, figsize=(12, 12))
ax[0].hist(population_data,
        bins=50, density=True,
        color='skyblue', edgecolor='black', alpha=0.7)
ax[0].set_xlabel('value')
ax[0].set_ylabel('Density')
ax[0].grid(True, linestyle='--', alpha=0.6)
ax[1].hist(sample_means,
```

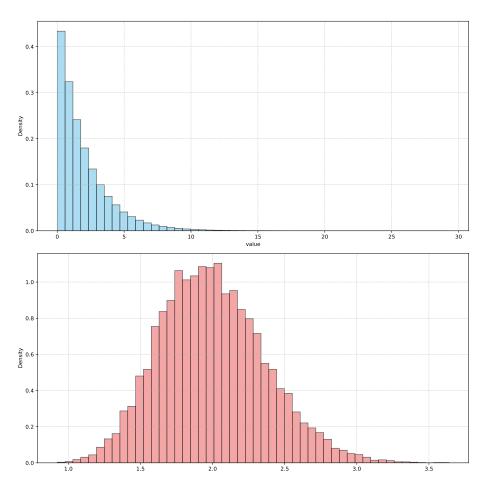


Figure 3.1: Central limit theorem

3.3 通用函数 19

## 3.3 通用函数

Numpy 中许多函数是通用函数 (universal functions),是一种在 ndarray 数据中进行逐元素操作的函数,大多数数学函数属于此类。

例如 np.cos() 函数:

```
np.cos(1.0)
np.cos(np.linspace(0, 1, 3))
```

array([1. , 0.87758256, 0.54030231])

例如,我们想计算  $\frac{0}{1}, \frac{1}{2}, \dots, \frac{4}{5}$ :

array([0. , 0.5 , 0.66666667, 0.75 , 0.8 ])

Table 3.1: Numpy 中算术运算子和函数

运算符	对应的 ufunc	描述	示例
+	np.add	加法	1 + 1 = 2
-	np.subtract	减法	3 - 2 = 1
-	np.negative	一元取反	-2
*	np.multiply	乘法	2 * 3 = 6
/	np.divide	除法	3 / 2 = 1.5
//	np.floor_divide	向下取整除法	3 // 2 = 1
**	np.power	幂运算	2 ** 3 = 8
%	np.mod	取模/余数	9 % 4 = 1

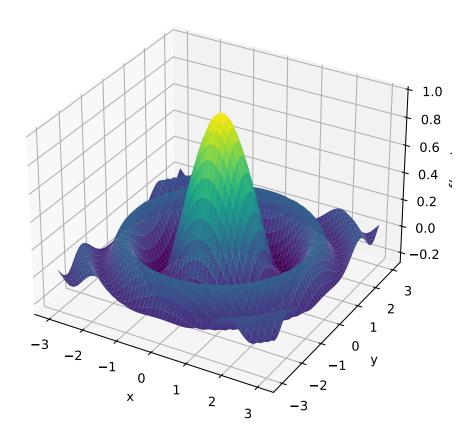
## 3.4 例: 通用函数

考察最大化函数 f(x,y) 在区间 \$ [-a,a] ×[-a, a]\$ 上的最大值:

$$f(x,y) = \frac{\cos(x^2 + y^2)}{1 + x^2 + y^2}$$

令 a=3。我们定义一个函数,然后生成数组,计算对应的-值,通过栅格(grid)搜索最大值(等于 1)。

```
import numpy as np
from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
import matplotlib.pyplot as plt
def f(x, y):
    return np.cos(x**2 + y**2) / (1 + x**2 + y**2)
grid = np.linspace(-3, 3, 50)
x, y = np.meshgrid(grid, grid)
z = f(x, y)
# 最大值
max_value = np.max(z)
print(" 函数的最大值:", max_value)
# 绘制 3D 图像
fig = plt.figure(figsize=(8, 6))
ax = fig.add_subplot(111, projection='3d')
ax.plot_surface(x, y, z, cmap='viridis')
ax.set_xlabel('x')
ax.set_ylabel('y')
ax.set_zlabel('f(x, y)')
plt.show()
```



## 3.5 例: 洛伦茨曲线和基尼系数

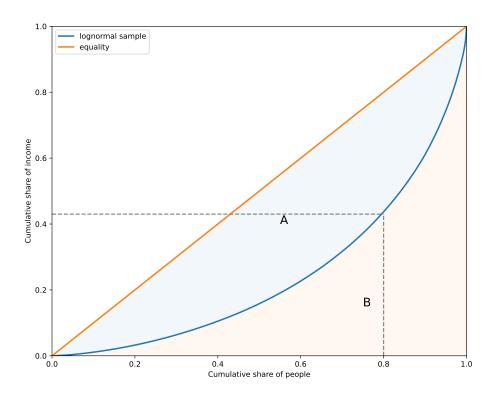
这个例子里, 定义了两个函数, 用来计算洛伦茨曲线和基尼系数。

```
import numpy as np # 载入 numpy 库
def lorenz_curve(y):
    n = len(y)
    y = np.sort(y) # 从小到大排序
    s = np.zeros(n + 1) # 生成 n+1 个数值零
    s[1:] = np.cumsum(y) # 从第 2 个数 (索引 1) 累计求和, 使第一个数据点为 (0, 0)
    cum_people = np.linspace(0, 1, n + 1)
```

```
cum_income = s / s[n] # s[n] 为最后的值,即所有值的和
return cum_people, cum_income
```

```
n = 2000
np.random.seed(1)
sample = np.exp(np.random.randn(n))
f_vals, l_vals = lorenz_curve(sample)
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10, 8))
ax.plot(f_vals, l_vals, label=f'lognormal sample', lw = 2)
ax.plot([0, 1], [0, 1], label='equality', lw = 2)
ax.fill_between(f_vals,l_vals, f_vals, alpha=0.06)
ax.fill_between(f_vals, l_vals, np.zeros_like(f_vals),alpha=0.06)
ax.vlines([0.8], [0], [0.43], linestyles='--', colors='gray')
ax.hlines([0.43], [0], [0.8], linestyles='--', colors='gray')
ax.set_xlim((0,1))
ax.set_ylim((0,1))
ax.text(0.55, 0.4, "A", fontsize=16)
ax.text(0.75,0.15, "B", fontsize=16)
ax.set_xlabel('Cumulative share of people')
ax.set_ylabel('Cumulative share of income')
ax.legend()
plt.show()
```

3.6 基尼系数 23



## 3.6 基尼系数

从图形上看,基尼系数

$$G = \frac{A}{A+B}$$

实际应用中常采用的公式为:

$$G = \frac{\sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} |x_i - x_j|}{2n^2 \bar{x}} = \frac{\sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} |x_i - x_j|}{2n^2 \sum_{i=1}^{n} x_i}$$

```
def gini(x):
    n = len(x)
    x_1 = np.reshape(x, (n, 1))
    x_2 = np.reshape(x, (1, n))
    g_sum = np.sum(np.abs(x_1 - x_2))
    return g_sum / (2 * n * np.sum(x))
```

```
# 模拟对数正态数据
np.random.seed(1)
k = 5
sigmas = np.linspace(0.2, 4, k)
n = 2000
ginis = []
for sigma in sigmas:
    mu = -sigma ** 2 / 2
    y = np.exp(mu + sigma * np.random.randn(n))
    ginis.append(gini(y))
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10, 8))
ax.plot(sigmas, ginis,
         marker = 'o',label='simulated', lw = 2)
ax.set_xlabel('Standard deviation')
ax.set_ylabel('Gini coefficient')
ax.legend()
plt.show()
```

