最优化理论大作业---作业2

学号: 19335182

姓名: 唐晨轩

作业要求

- 二、请设计下述算法,求解 MNIST 数据集上的分类问题:
- 1、梯度下降法;
- 2、随机梯度法;
- 3、随机平均梯度法 SAG(选做)。

对于每种算法,请给出每步计算结果在测试集上所对应的分类精度。对于随机梯度法,请讨论 mini-batch 大小的影响。可采用 Logistic Regression 模型或神经网络模型。

载入 MNIST 数据集

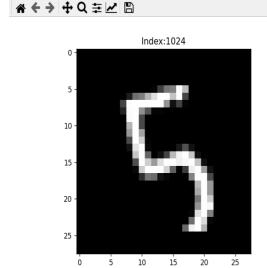
这里没有什么要解释的地方,就略过了。

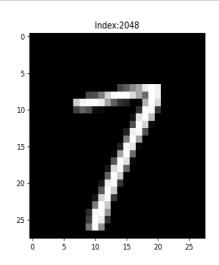
```
# -*- coding: utf-8 -*-
Created on Mon Dec 16 10:22:12 2019
@author: Ding
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import gzip as gz
          ------读取数据------
#filename为文件名, kind为'data'或'lable'
def load_data(filename,kind):
   with gz.open(filename, 'rb') as fo:
       buf = fo.read()
       index=0
       if kind=='data':
       #因为数据结构中前4行的数据类型都是32位整型,所以采用i格式,需要读取前4行数据,所
以需要4个i
          header = np.frombuffer(buf, '>i', 4, index)
          index += header.size * header.itemsize
          data = np.frombuffer(buf, '>B', header[1] * header[2] * header[3],
index).reshape(header[1], -1)
       elif kind=='lable':
       #因为数据结构中前2行的数据类型都是32位整型,所以采用i格式,需要读取前2行数据,所
以需要2个i
          header=np.frombuffer(buf,'>i',2,0)
          index+=header.size*header.itemsize
```

```
data = np.frombuffer(buf, '>B', header[1], index)
   return data
#-----加载数据-----
X_train = load_data('train-images-idx3-ubyte.gz','data') # 训练数据集的样本特征
y_train = load_data('train-labels-idx1-ubyte.gz','lable') # 训练数据集的标签
X_test = load_data('t10k-images-idx3-ubyte.gz','data') # 测试数据集的样本特征
y test = load_data('t10k-labels-idx1-ubyte.gz','lable') # 测试数据集的标签
#-----查看数据的格式----
print('Train data shape:')
print(X_train.shape, y_train.shape)
print('Test data shape:')
print(X_test.shape, y_test.shape)
#-----查看几个数据------
index_1 = 1024
plt.imshow(np.reshape(X_train[index_1], (28, 28)), cmap='gray')
plt.title('Index:{}'.format(index_1))
plt.show()
print('Label: {}'.format(y_train[index_1]))
index_2=2048
plt.imshow(np.reshape(X_train[index_2], (28, 28)), cmap='gray')
plt.title('Index:{}'.format(index_2))
plt.show()
print('Label: {}'.format(y_train[index_2]))
```

读取数据后存储在x_train,y_train,x_test,y_test中,查看了其中的两个数据,看一下数据的情况:

```
PS D:\课程\最优化理论\大作业\src> python ./code2.py
Train data shape:
(60000, 784) (60000,)
Test data shape:
(10000, 784) (10000,)
Label: 5
Label: 7
Start training...
```





可以看出train数据中有60000个,test数据中有10000,data中数据为手写数字图像,在示例中我们可以看到图像还是较易识别的。

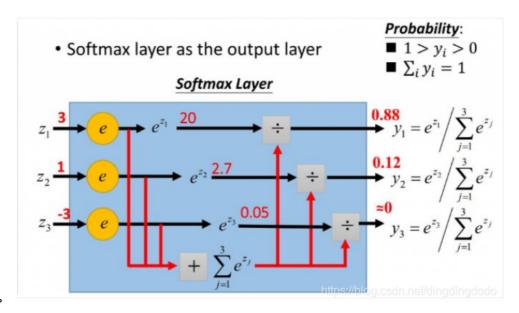
☆ ← → + Q ≒ ∠ 🖺

建立模型

该问题是一个多分类问题,因此使用Logistic Regression时激活函数选用Softmax函数:

$$S_i(x) = \frac{e^{x_i}}{\sum_j e^{x_j}}$$

该函数可以将输入映射为0-10-10-1之间的实数,同时具有归一化的特征,因此与概率可以对应,易与分类



任务对应。

故根据这个思路,建立Logistic Regression模型。

定义损失函数

$$L = -\sum_{i}^{K} p(x_i) log(q(x_i))$$

在使用softmax函数时,我们普遍采用交叉熵作为损失函数:

其中 p 表示期望的概率分布, q 表示实际的概率分布, L 表示交叉熵。

交叉熵刻画的是实际输出概率和期望输出概率的距离,交叉熵的值越小,则两个概率分布越接近,即实际与期望差距越小。交叉熵可以反映出隐藏在输出结果背后的更深的错误率表现出来。

$$J = -\sum_{i=1}^K y_i log(p_i)$$

因此,在softmax模型中,用交叉熵函数表示的损失函数为:

其中 y_i 表示样本标签,表示是否属于类型 c , p_i 为属于类型c的概率 由于我们使用了softmax函数的输出作为概率,故在此处 p_i 可以视为 softmax (y_i) 进一步简化,每一次的标签实际上除了真实值处,其余均为0 ,故对于单

$$L = -log(S_i(y_i))$$

数据而言:

实际上我们是希望通过训练得到一个 y=Wx+by ,再对该函数的结果进行softmax,使该线性函数能够将x映射到正确的标签,所以训练目标为找到最优的W和b 故对于样本(x_i,y_i),损失函数为

$$L_i(W, b) = -\log\left(S_{y_i}(Wx_i + b)\right)$$

$$rac{\partial L_i}{\partial W_{ij}} = egin{cases} (S_i-1)x_j &, y=i \ S_ix_j &, y
eq i \end{cases}$$

$$rac{\partial L_i}{\partial b_i} = egin{cases} (S_i-1) &, y=i \ S_i &, y
eq i \end{cases}$$

单样本损失函数梯度如下:

在此多样本情况直接相加即可。需要注意的是,我们最终的预测结果为softmax函数的结果向量中最大的元素的下标。同时,我们可以通过将训练后的模型进行测验,从而在测试集上得到正确率accurate_rate,以检验模型效果,通过调整参数等操作使正确率尽可以高。

```
x_{dim} = 28 * 28 # data shape, 28*28
y dim = 10 #output shape, 10*1
W_dim = (y_dim, x_dim) # 矩阵W
b_dim = y_dim #index b
#------定义logic regression中的必要函数------
# Softmax函数
def softmax(x):
   输入向量x,输出其经softmax变换后的向量
   return np.exp(x) / np.exp(x).sum()
#Loss函数
#L=-log(Si(yi)),yi为预测值
def loss(W, b, x, y):
   .....
   W,b为当前的权重和偏置参数,x,y为样本数据和该样本对应的标签
   return -np.log(softmax(np.dot(W,x) + b)[y]) # 预测值与标签相同的概率
#单样本损失函数梯度
```

```
#按照公式很容易写出来
def L_Gra(W, b, x, y):
    W,b为当前的权重和偏置参数,x,y为样本数据和该样本对应的标签
   #初始化
   W_G = np.zeros(W.shape)
   b G = np.zeros(b.shape)
   S = softmax(np.dot(W,x) + b)
   W_row=W.shape[0]
   W_column=W.shape[1]
   b_column=b.shape[0]
   #对Wij和bi分别求梯度
   for i in range(W_row):
       for j in range(W column):
          W_G[i][j]=(S[i] - 1) * x[j] if y==i else S[i]*x[j]
   for i in range(b column):
       b G[i]=S[i]-1 if y==i else S[i]
   #返回W和b的梯度
   return W_G, b_G
#检验模型在测试集上的正确率
def test_accurate(W, b, X_test, y_test):
   num = len(X_test)
   #results中保存测试结果,正确则添加一个1,错误则添加一个0
   results = []
   for i in range(num):
       #检验softmax(W*x+b)中最大的元素的下标是否为y, 若是则预测正确
       y_i = np.dot(W,X_{test[i]}) + b
       res=1 if softmax(y i).argmax()==y test[i] else 0
       results.append(res)
   accurate_rate=np.mean(results)
   return accurate rate
```

梯度下降法

建立好Logistic Regression模型后,可以对该模型进行优化,以得到较好的参数。

在此仅设置一个mini_batch算法,因为在mini_batch算法中,当size为1时则为随机梯度下降,当size为all时则为梯度下降,因此可以通过调整size的大小实现不同的梯度下降策略。

批量梯度下降、随机梯度下降、mini-batch梯度下降算法简介:

- 批量梯度下降每次迭代时使用所有样本进行梯度的更新,每次更新的梯度就是所有的梯度和,故当目标函数为凸函数时,一定可以达到全局最优,但是由于每次需要使用所有样本,因此训练过程非常慢,并且当样本非常大时将耗费巨大的计算资源和时间
- 随机梯度下降每次迭代随机使用一个样本,因此每轮迭代将非常快,但是由于单个样本不能代表全局样本的趋势,故可能无法收敛,同时使最优解的准确度下降,但由于其速度上有非常好的优势,故现在大

多数样本较大的机器学习采用该策略。随机梯度下降通常来说使得参数在大体上趋向于最优的,通常会达到最优解附近

- mini-batch梯度下降则是上述两种方法的折中,每次迭代采用batch-size个样本数据来对参数进行更新,故在该方法中size的选择通常是较为重要的,选择较好的size可以发挥批量梯度下降和随机梯度下降的优势,在较快的速度内完成迭代且最终有着不错的收敛效果。实际上当size选择为1的时候就是随机梯度下降,当size为data-size的时候则为批量梯度下降
- 需要注意的是,通过查看训练数据可以得知数据具有非常好的随机性,即不具备局部性的特点(并非是一批数据为1的数据聚集在一起,一批数据为2的样本聚集在一起,而是非常好的分散随机分布),故在此可以直接遍历每一个batch数据即可,不需要每次选取随机以避免局部性的特点

设置不同的size时对应的梯度只需要将所取的样本求和即可。

故写代码时直接写一个具有泛化的mini-batch,通过修改步长即可完成三种方法的实现和比较。

```
# mini-batch随机梯度下降
def mini_batch(batch_size,alpha,epoches):
   batch_size为batch的尺寸, alpha为步长,epochsnum为epoch的数量,即直接决定了训练的次
数
   accurate_rates = [] # 记录每次迭代的正确率 accurate_rate
   iters W = [] # 记录每次迭代的 W
   iters_b = [] # 记录每次迭代的 b
   W = np.zeros(W_dim)
   b = np.zeros(b_dim)
   #根据batch size的尺寸将原样本和标签分批后
   #初始化
   x_batches=np.zeros(((int(X_train.shape[0]/batch_size),batch_size, 784)))
   y batches=np.zeros(((int(X train.shape[⁰]/batch size),batch size)))
   batches num = int(X train.shape[0]/batch size)
   #分批
   for i in range(∅,X train.shape[∅],batch size):
       x batches[int(i/batch size)]=X train[i:i+batch size]
       y_batches[int(i/batch_size)]=y_train[i:i+batch_size]
   print('Start training...')
   start = time.time() # 开始计时
   #print(start)
   for epoch in range(epoches): #对所有样本循环一遍为一个epoch
       for i in range(batches_num): #对一个batch循环一遍为一个iteration
           #初始化梯度
          W gradients = np.zeros(W dim)
          b gradients = np.zeros(b dim)
           x_batch,y_batch= x_batches[i],y_batches[i]
           #求一个batch的梯度,实际上对一个batch中的样本梯度求和然后平均即可
           for j in range(batch_size):
              W_g,b_g = L_Gra(W, b,x_batch[j], y_batch[j])
```

```
W_gradients += W_g
           b_gradients += b_g
       W_gradients /= batch_size
       b_gradients /= batch_size
       #进行梯度下降
       W -= alpha * W_gradients
       b -= alpha * b_gradients
       #把迭代后的精度、W、b都加入到相应的数组,便于之后分析和绘制图像
       #当size较小时采用每100个ite记录一次
       #当size较大时每次ite记录一次
       if i%100==0:
           accurate_rates.append(test_accurate(W, b, X_test, y_test))
       #accurate_rates.append(test_accurate(W, b, X_test, y_test))
       iters_W.append(W.copy())
       iters_b.append(b.copy())
end = time.time() # 结束计时
#print(end)
time_cost=(end - start)
return W,b,time_cost, accurate_rates, iters_W, iters_b
```

模型整合

优化方法完成后,便可以对整个Logistic Regression模型进行整合,对输入的参数进行调试并以可视化的方式查看效果,包括随着迭代的进行模型在测试集上的精度变化图、W和b的收敛效果图(即每次迭代时每步计算结果与最优解的距离):

```
#-----模型的主函数------
def run(alpha,batch size,epochs num):
   #将参数带入并训练,将训练结果存储到下列变量中
   #W和b表示最优的W和b,time cost表示训练该模型时间
   #accuracys,W_s,b_s分别表示accuracy,W,b随着迭代次数的变化的变化
   W,b,time_cost,accuracys,W_s,b_s = mini_batch(batch_size,alpha,epochs_num)
   #求W和b与最优解的距离,用二阶范数表示距离
   iterations=len(W s)
   dis W=[]
   dis_b=[]
   #test=b s[:10]
   #print(test)
   #起初b的变化是直线,仔细分析数据后发现b值确实为非常小的值,图像中难以显示
   for i in range(iterations):
      dis_W.append(np.linalg.norm(W_s[i] - W))
      dis_b.append(np.linalg.norm(b_s[i] - b))
```

```
#-----简单介绍-----
   print("the parameters is: step length alpah:{}; batch size:{}; Epoches:
{}".format(alpha, batch_size, epochs_num))
   print("Result: accuracy:{:.2%},time cost:
{:.2f}".format(accuracys[-1],time_cost))
   #-----作图-----
   #精确度随迭代次数的变化
   plt.title('The Model accuracy variation chart ')
   plt.xlabel('Iterations')
   plt.ylabel('Accuracy')
   plt.plot(accuracys, 'm')
   plt.grid()
   plt.show()
   #W和b距最优解的距离随迭代次数的变化
   plt.title('The distance from the optimal solution')
   plt.xlabel('Iterations')
   plt.ylabel('Distance')
   plt.plot(dis_W,'r', label='distance between W and W*')
   plt.plot(dis_b, 'g', label='distance between b and b*')
   plt.legend()
   plt.grid()
   plt.show()
   #print(W,b)
#-----参数输入------
alpha = 1e-5
batch_size = 1000
epochs_num = 1
# 运行函数
run(alpha,batch_size,epochs_num)
```

至此,整个模型完成,可以输入不同参数进行调整。

结果分析

调整不同的batch-size和步长 α 以及epoch(每个样本的使用次数), 查看精度以及训练时间、迭代次数等情况:

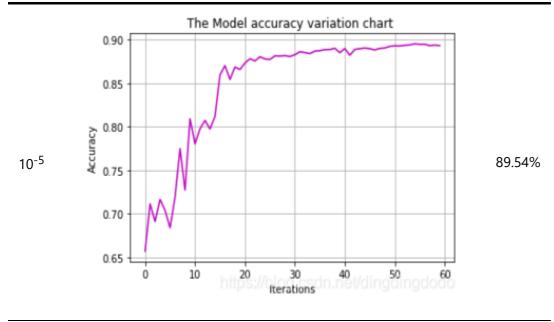
步长 α batch-size为1000,epoch=1时的不同 α 的效果

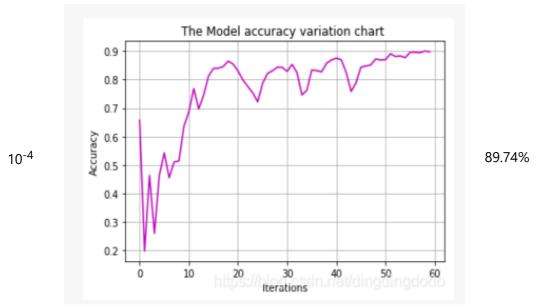
步长α 训练效果

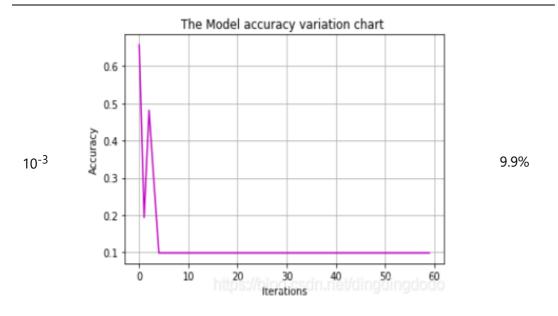
精度

步长α 训练效果

精度

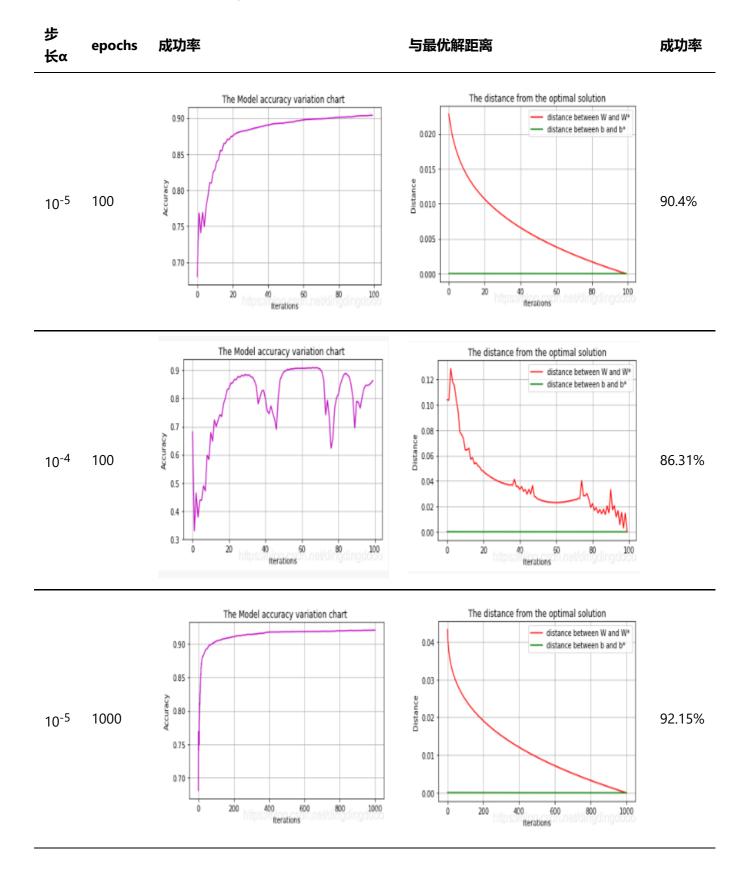


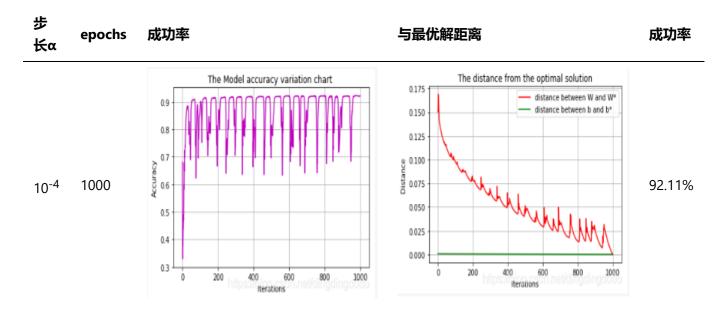




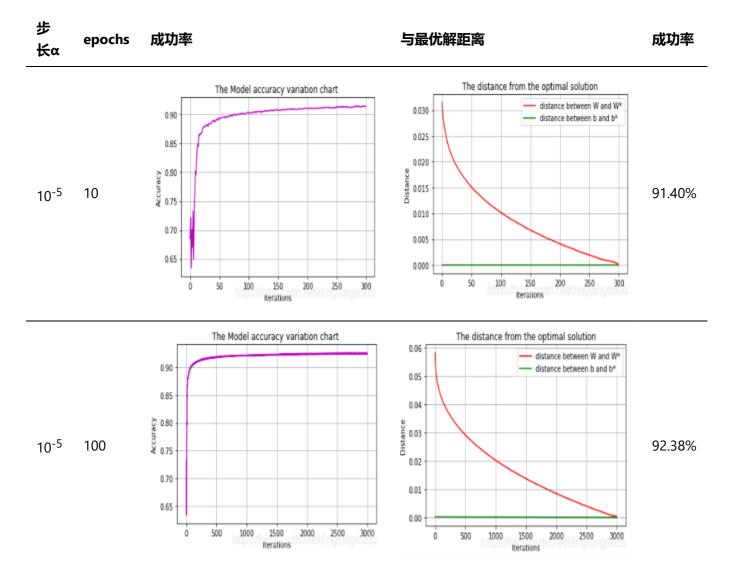
batch-size

当 batch-size=60000 时,此时等价于全批量梯度下降:



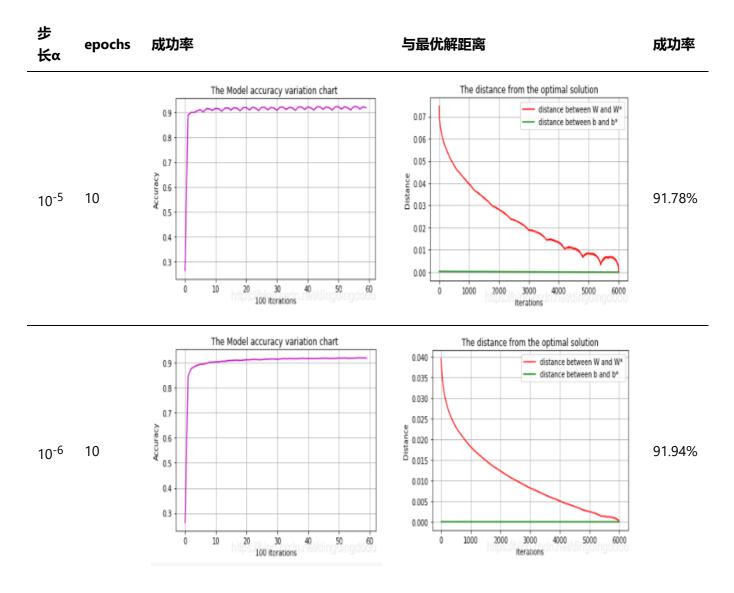


当 batch-size=2000 时,实验结果如下:

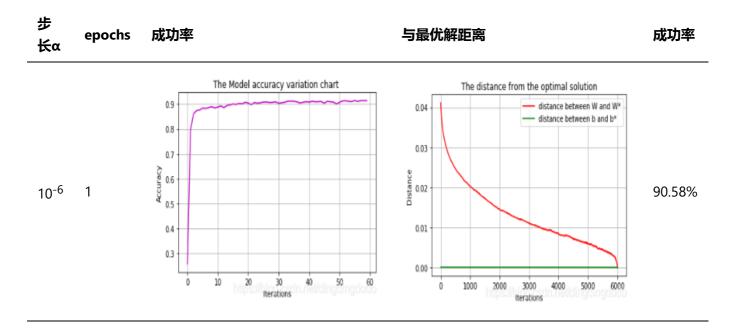


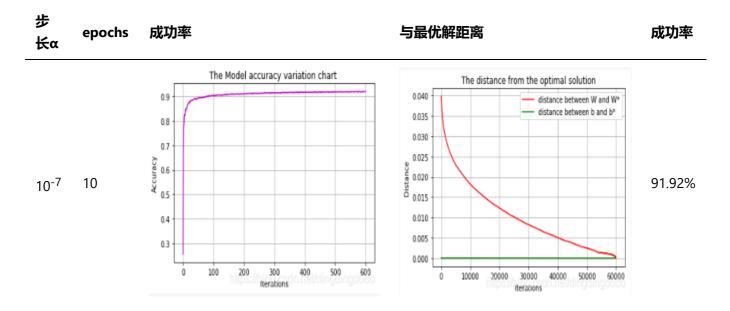
当 batch-size=100 时,结果如下: (由于batch-size比较小,迭代太多,故每100次迭代计算一次accuracy)

步 长α	epochs	成功率	与最优解距离	成功率

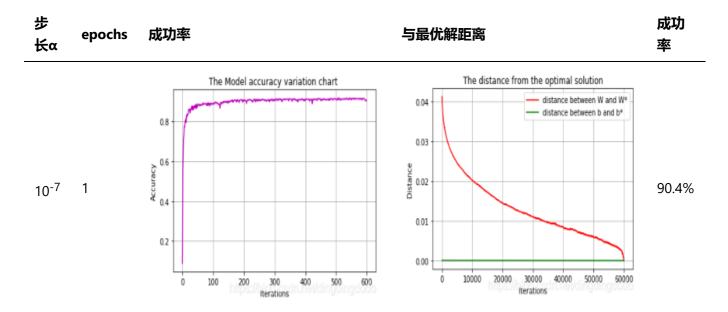


当 batch-size=10 时,结果如下: (由于batch-size比较小,迭代太多,故每100次迭代计算一次accuracy)





当 batch-size=1 时,等价于**随机梯度下降**,结果如下: (由于batch-size比较小,迭代太多,故每100次迭代计算一次accuracy)



总结结果分析

对比上述结果,当batch-size选取为2000和100以及10时均可以在可接受训练时间内达到一个很不错的效果,92% 左右,效果非常理想。通常来说,会通过结果来测试不同size的影响,在时间和效果上取折中方案,随机梯度下降非常快但是总体效果并不是最好,因为会在最优解附近波动,通过适当加大size可以在较短时间内获得较为稳定的最优解。