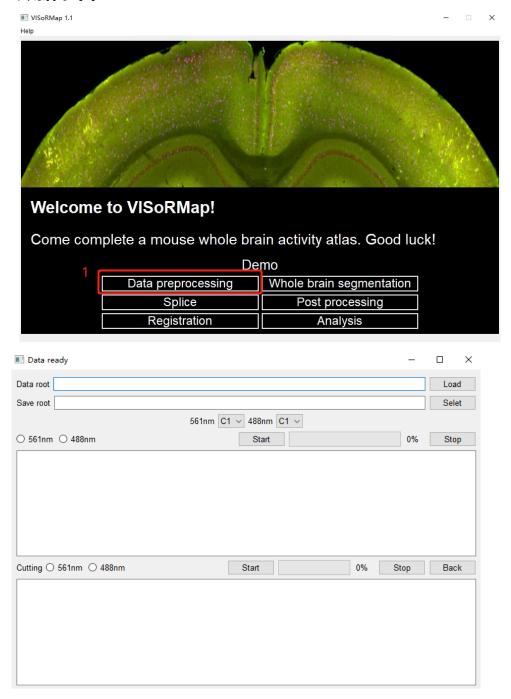
# VISoRMap 全脑分割计数软件使用说明

#### 一、数据准备



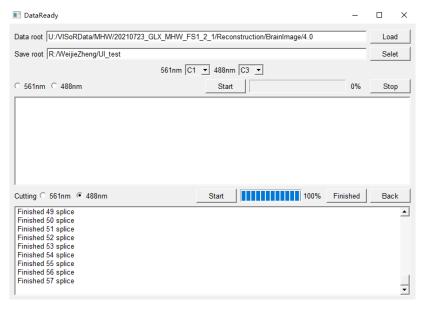
1. 三维脑片的数据准备: Data root 为重建之后 BrainImage/4.0,选择561nm和488nm分别对应第几个通道。默

认情况下,三维数据的(x, y, z)大小为 (3500, 2500, 64)。 选中 561nm 或者 488nm, 点击 Start 开始执行, Stop 变为 Finished 表示单个数据准备完成。

2. 三维数据准备完成后,开始对数据进行裁剪。一个数据裁剪成70个(x, y, z)大小为(256, 256, 64)的 Subvolume brain image。执行操作同上,完成之后点击 Back 返回主页面。

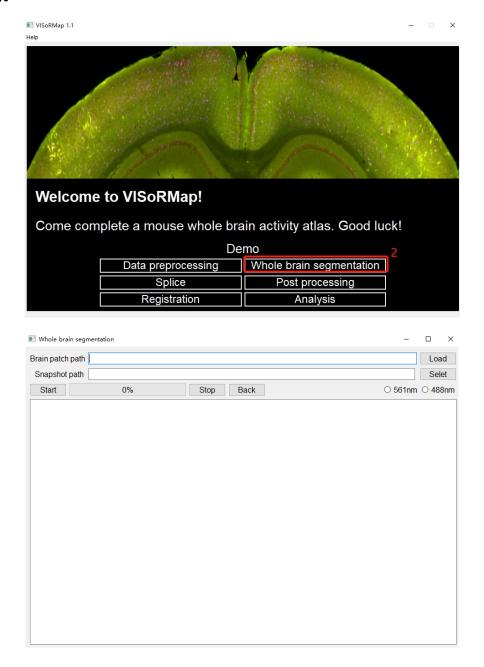
| ■ Data ready        |                             |    | _    |   |      | × |
|---------------------|-----------------------------|----|------|---|------|---|
| Data root Save root | 724 24 422 24               |    |      |   | Load |   |
| ○ 561nm ○ 488nm     | 561nm C1 v 488nm C1 v Start |    | 0%   | 5 | Stop | ρ |
|                     |                             |    |      |   |      |   |
|                     |                             |    |      |   |      |   |
| Cutting 561nm 488nm | Start                       | 0% | Stop |   | Bacl | k |
|                     |                             |    |      |   |      |   |
|                     |                             |    |      |   |      |   |
|                     |                             |    |      |   |      |   |
|                     |                             |    |      |   |      |   |

# 裁剪完成之后的页面。



# 二、全脑信号分割

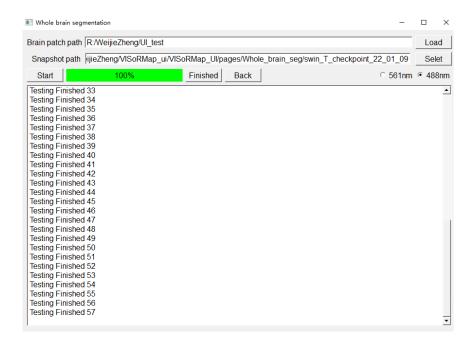
裁剪之后开始对全脑的 c-Fos+和自发荧光信号进行全脑自动化分割。



Brain patch path 为裁剪之后 Subvolume brain image 所在上级路径。Snapshot path 为神经网络载入训练参数的路径,默认训练好的参数路径为:

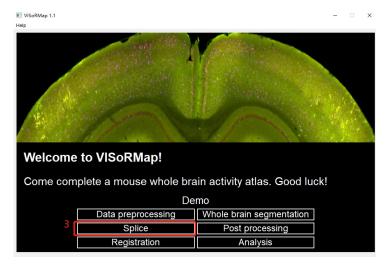
pages\Whole\_brain\_seg\swin\_T\_checkpoint\_22\_01\_09。
用户还可以训练自己的数据,保存训练好的参数然后载入。具体代码见:

操作如同上,单个通道完成的页面如下:



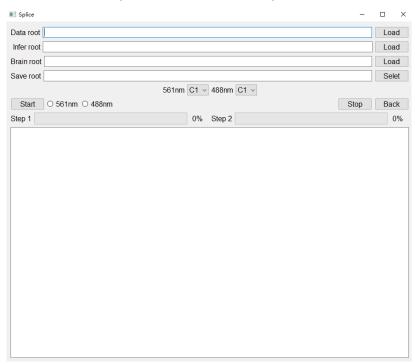
# 三、分割结果的全脑拼接

双通道全脑信号分割完成之后,需要将 Subvolume brain image 的分割结果还原初始脑片的大小,即从 70 个 (256, 256, 64) 拼接成 (3500, 2500, 64)。

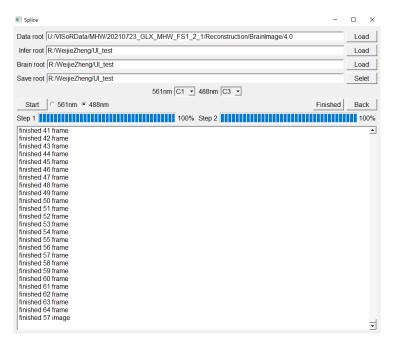


Data root 路径如上所述, Infer root 为全脑的双通道分割结果路径, Brain root 为 Subvolume brain image 所在上级路径。

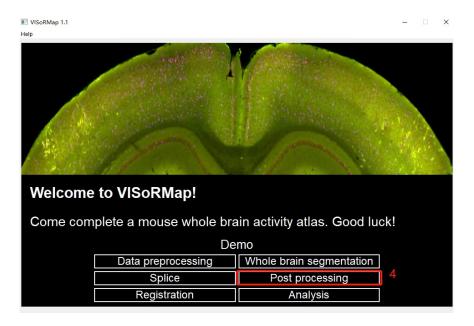
拼接流程总共分为 2 步,第一步是将三维的分割结果转为二维,然后在二维层次上对全脑拼接 (3500,2500),第二步是将所有拼接 二维分割结果合成三维 (3500,2500,64)。



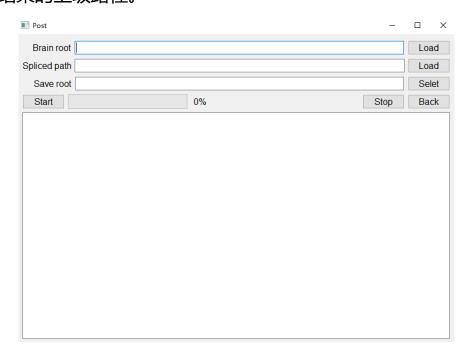
# 操作同上,完成之后的页面是:



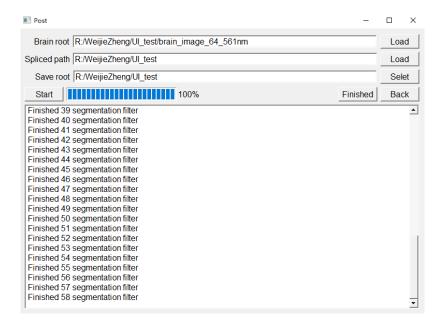
# 四、后处理过程



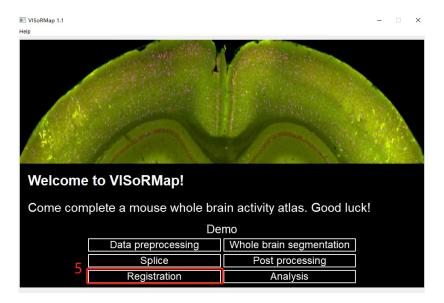
全脑信号分割拼接完成之后,进行后处理操作。Splice path 为拼接结果的上级路径。



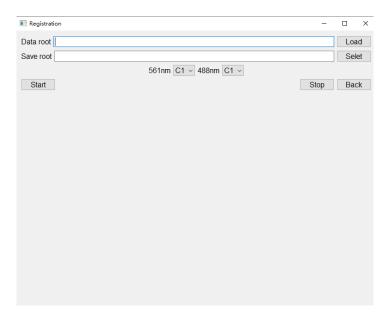
操作同上,完成之后的页面为:



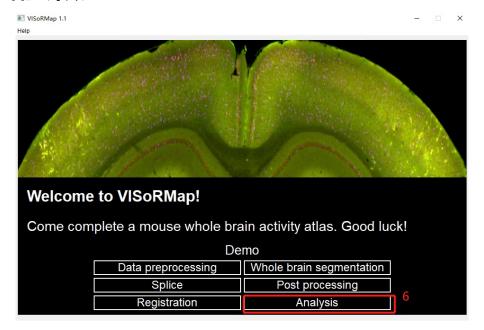
### 五、配准



该模块可以将全脑配准到 Allen Common Coordinate Framework atlas。操作同上,完成后 Stop 显示 Finished。



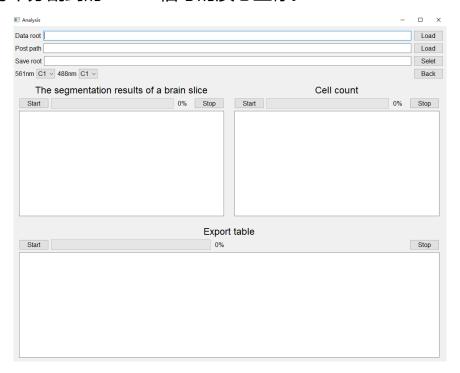
#### 六、细胞计数



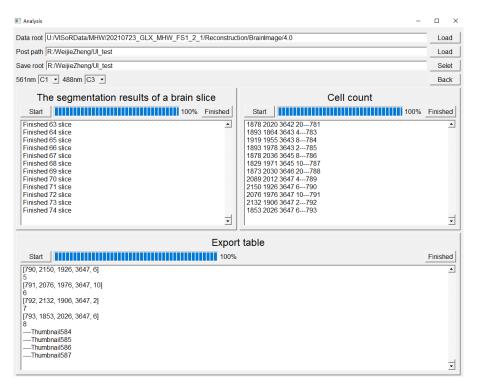
配准和后处理完成之后,需要分割结果映射到 Allen CCFv3。 Post path 为后处理结果的上级路径。

- 1. The segmentation results of a brain slice. 该模块是将分割结果大小 (3500, 2500, 64) 还原成 (3500, 2500, 75), 即还原成 300 微米 (75\*4 微米) 的厚度。
  - 2. Cell count. 该模块是统计全脑信号分割结果。

3. Export table. 该模块是生成导入 freesia 的 csv 文件,文件记录着每个分割到的 c-Fos 信号的质心坐标。



# 操作如上,完成之后的页面为:



# 导出的文件

| 名称                           | 修改日期             | 类型  | 大小 |
|------------------------------|------------------|-----|----|
| brain_image_64_488nm         | 2022/11/13 22:37 | 文件夹 |    |
| brain_image_64_561nm         | 2022/11/13 22:19 | 文件夹 |    |
| BrainRegistration            | 2022/11/20 16:09 | 文件夹 |    |
| PatchImage_488nm             | 2022/11/19 18:11 | 文件夹 |    |
| PatchImage_561nm             | 2022/11/22 17:14 | 文件夹 |    |
| whole_brain_cell_counts      | 2022/11/23 22:26 | 文件夹 |    |
| whole_brain_pred_3d          | 2022/11/20 20:36 | 文件夹 |    |
| whole_brain_pred_488nm       | 2022/11/19 20:47 | 文件夹 |    |
| whole_brain_pred_561nm       | 2022/11/19 17:16 | 文件夹 |    |
| whole_brain_pred_post_filter | 2022/11/20 10:00 | 文件夹 |    |
| whole_predications_488nm     | 2022/11/19 18:49 | 文件夹 |    |
| whole_predications_561nm     | 2022/11/18 19:41 | 文件夹 |    |