```
In [2]: from sklearn.neural_network import MLPRegressor
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.metrics import mean_squared_error,mean_absolute_error
```

فراخوانی کتابخانه های مورد نیاز برای ساخت شبکه عصبی و معیار های سنجش شبکه عصبی ساخته شده

```
In [3]: import joblib as jl
import matplotlib.pyplot as plt
import pandas as pd
import numpy as np
pd.set_option('display.max_rows', 50000)
pd.set_option('display.max_columns', 500)
#Note that .set_option() changes behavior globaly in Jupyter Notebooks, so
pd.set_option('display.float_format', lambda x: '%.5f' % x)
#FOR NUMPY
np.set_printoptions(suppress=True)
```

فراخوانی کتابخانه های لازم برای رسم نمودار و کار با داده ها

```
In [4]: DDD_DataSet=jl.load('DDD_DiD_DataSet.pkl')
DDD_DataSet.head()
```

## Out[4]:

|   | year | month | fcn   | fcnv_DDD      | fcnv_DID |
|---|------|-------|-------|---------------|----------|
| 0 | 2011 | 1     | J01AA | 808432.00000  | 0.17064  |
| 1 | 2011 | 2     | J01AA | 616620.00000  | 0.13945  |
| 2 | 2011 | 3     | J01AA | 802755.00000  | 0.16945  |
| 3 | 2011 | 4     | J01AA | 736725.66700  | 0.15551  |
| 4 | 2011 | 5     | J01AA | 1038556.00000 | 0.21922  |

اپلود کردن فایل داده های خروجی فاز دو

```
In [7]: DDD_DataSet.describe()
```

## Out[7]:

|       | year       | month      | fcnv_DDD       | fcnv_DID   |
|-------|------------|------------|----------------|------------|
| count | 1860.00000 | 1860.00000 | 1860.00000     | 1860.00000 |
| mean  | 2013.00000 | 6.50000    | 1230788.82416  | 0.28555    |
| std   | 1.41459    | 3.45298    | 1980714.63241  | 0.46169    |
| min   | 2011.00000 | 1.00000    | 0.00000        | 0.00000    |
| 25%   | 2012.00000 | 3.75000    | 36613.71600    | 0.00818    |
| 50%   | 2013.00000 | 6.50000    | 153953.54000   | 0.03644    |
| 75%   | 2014.00000 | 9.25000    | 1388765.12800  | 0.32230    |
| max   | 2015.00000 | 12.00000   | 12492330.34000 | 3.07244    |

## خلاصه اطلاعات آماري داده ها

```
In [8]: DDD_DataSet.info()
```

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 1860 entries, 0 to 1859
Data columns (total 5 columns):
# Column Non-Null Count Dtype
--- 0 year 1860 non-null int64
1 month 1860 non-null int64
2 fcn 1860 non-null object
3 fcnv_DDD 1860 non-null float64
4 fcnv_DID 1860 non-null float64
dtypes: float64(2), int64(2), object(1)
memory usage: 72.8+ KB
```

```
In [10]: #fcn:: fine class name for antibitic

def data_per_fca(fcn):
    DDD_DataSet=jl.load('DDD_DiD_DataSet.pkl')
    print('fcn:: ',fcn)
    x=DDD_DataSet.fcnv_DDD[DDD_DataSet['fcn']==fcn]
    x.reset_index(inplace=True, drop=True)
    print('data_per_',fcn,' shape::',x.shape)
    return x
```

در این بخش طبق تابع ساخته شده پیش بینی برای هر گروه از آنتی بیوتیک به طور جداگانه انجام خواهد شد و کار این تابع دریافت گروه . مشخصی از آنتی بیوتیک برای قرار گرفتن در شبکه عصبی می باشد

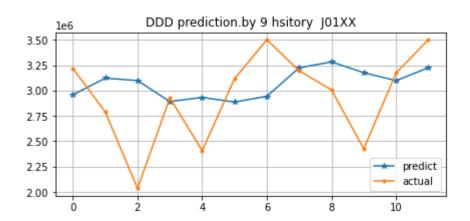
```
In [11]: | def DDD Data generate byhistory(data per fca ,fcn,periods ,):
             #Create Historical data-----
             data per fca byhistory=pd.DataFrame(data per fca )
             columns name=['fcnv DDD']
             print (data per fca byhistory.shape)
             prd=0
             for prd in range(1, periods +1):
                 data per fca byhistory= pd.concat(
                         data per fca byhistory,
                         data per fca .shift(periods=prd,fill value=0)
                     ],axis=1
                 print(data per fca byhistory.shape)
                 columns name.append('fcnv DDD shift'+str(prd))
                 data per fca byhistory.columns=columns name
                 data per fca byhistory.reset index(inplace=True, drop=True)
             #End of for----
             return data per fca byhistory
```

کاری که این تابع انجام خواهد داد طبق تابع تعریف شده قبلی و اسم گروه آنتی بیونیک و همچنین دوره مشخص که آرگومان های ورودی هستند برای فایل داده اصلی تاریخچه ایی ایجاد خواهد کرد که در فاز دو به طور کامل ضرورت ایجاد تاریخچه توضیح داده شده است

```
In [15]: periods =np.random.randint(2,12)
        periods =9
        fcn='J01XX'
         data per fca(fcn)
         DDD data byhistory=DDD Data generate byhistory(data per fca(fcn),fcn,period
         Y=DDD data byhistory.loc[:,['fcnv DDD']].values.ravel()
         X=DDD data byhistory.iloc[:,1:periods ]
         shfl=False
         rnd std=444
         X train,X test,Y train,Y test=train test split(X,Y,test size=0.2,shuffle=sh
        hlayer_1_size=60
        hlayer 2 size=17
         #print('hidden layer size:',(hlayer 1 size,hlayer 2 size))
        model DDD=MLPRegressor((hlayer 1 size, hlayer 2 size), max iter=5000, verbose=1
        model DDD.fit(X train, Y train)
         y pred=model DDD.predict(X test)
         jl.dump(model DDD, 'model DDD.pkl')
         #-----
         RMSE=round(mean squared error(Y test, y pred, squared=False) ,2)
        MSE=round (mean squared error (Y test, y pred), 2)
        MAE=round (mean absolute error (Y test, y pred), 2)
        print('rmse:'.upper(),RMSE)
        print('mse:'.upper(),MSE)
        print('mae:'.upper(),MAE)
         #-----
         plt.figure(figsize=(7,3))
        plt.title('DDD prediction.by '+str(periods )+' hsitory '+fcn)
        plt.plot(y pred, ls='-', marker='*')
        plt.plot(Y_test, ls='-', marker='.')
        plt.legend(['predict', 'actual'])
        plt.grid()
        plt.show()
         fcn:: J01XX
         data per J01XX shape:: (60,)
         fcn:: J01XX
         data per J01XX shape:: (60,)
         (60, 1)
         (60, 2)
         (60, 3)
         (60, 4)
         (60, 5)
         (60, 6)
```

```
(60, 7)
(60, 8)
(60, 9)
(60, 10)
RMSE: 471580.68
MSE: 222388336850.8
```

MAE: 367179.88



در این بخش با استفاده از تابع رندوم دوره ایی که برای ایجاد تاریخچه استفاده میشود ۹ است یعنی از ۹ ماه قبل استفاده میشود برای ایجاد تاریخچه و اسم گرروه خاصی که قرار است پیش بینی برای ان انجام شود انتخاب شده و دو تابع ایجاد شده فراخوانی شده اند و از این توابع در ساخت مدل شبکه عصبی استفاده شده است و شبکه عصبی ایجاد شده دارای دو لایه نهان با نورون های ۶۰ و ۱۷ میباشد و داده های تست و اموزش را ایجاد میکنیم و همچنین با استفاده از کتابخانه مربوط به ساخت شبکه عصبی مدل خودمان را ساخته و خروجی مدل را نیز نخیره خواهیم کرد تا هرجا لازم شد از آن استفاده کنیم از طرفی از معیار های سنجش با استفاده از کتابخانه های مربوطه استفاده کرده و نمودار مربوط به مقدار واقعی در نمودار با نقطه و مقدار پیش بینی شده در شبکه عصبی را رسم میکنیم که مقدار واقعی در نمودار متفاوت خواهد شد بینی شده با ستاره مشخص شده است و البته باید توجه کرد که برای هر گروه آنتی بیوتیک معیار های سنجش و نمودار متفاوت خواهد شد

```
In [21]: def predict_one_future_month(model, input_, periods_, num_month_next):
    global table_next_month
    if num_month_next == 0:
        return table_next_month
    one_future_month=model.predict(input_)
    #print(input_,input_.shape)
    added_one_future_month=np.concatenate(([one_future_month],input_),axis=:
        X_for_next_month=added_one_future_month[0,0:periods_-1].reshape(1,-1)

#print(X_for_next_month,X_for_next_month.shape)

table_next_month=np.concatenate((table_next_month,X_for_next_month))
    predict_one_future_month(model,X_for_next_month,periods_,num_month_next-
```

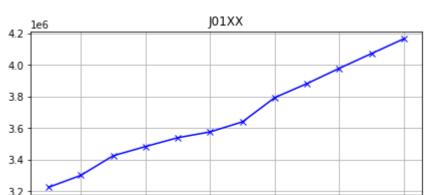
با استفاده از این تابع میتوان هر تعداد ماه از اینده را که میخواهیم برای گروهی خاصی از آنتی بیوتیک بیش بینی کنیم

```
In [24]: |model=jl.load('model DDD.pkl')
         num month next=12
         input =X.iloc[59,:].values.reshape(1,-1)
         table next month=np.array([np.ones(periods -1)])
         predict one future month (model, input , periods , num month next)
         #print(table next month.shape)
         print(table next month)
         print(table next month[1:num month next+1,0])
         plt.figure(figsize=(7,3))
         plt.plot(range(1, num month next+1), table next month[1:num month next+1,0],';
         plt.title(fcn)
         plt.grid()
         plt.show()
         [ [
                 1.
                                   1.
                                                    1.
                                                                      1.
                 1.
                                   1.
                                                    1.
                                                                      1.
                                                                                ]
          [3225825.54795217 3173443.283
                                              2425091.744
                                                                3008060.505
           3195654.284
                             3500718.275
                                              3115474.269
                                                               2407700.519
                                                                                ]
          [3301372.55786922 3225825.54795217 3173443.283
                                                                2425091.744
           3008060.505
                            3195654.284
                                              3500718.275
                                                                3115474.269
                                                                                ]
          [3425213.18124155 3301372.55786922 3225825.54795217 3173443.283
           2425091.744
                             3008060.505
                                              3195654.284
                                                                3500718.275
                                                                                1
          [3483364.09671127 3425213.18124155 3301372.55786922 3225825.54795217
           3173443.283
                            2425091.744
                                              3008060.505
                                                               3195654.284
                                                                                1
          [3539233.62079894 3483364.09671127 3425213.18124155 3301372.55786922
           3225825.54795217 3173443.283
                                              2425091.744
                                                               3008060.505
          [3575952.69545625 3539233.62079894 3483364.09671127 3425213.18124155
           3301372.55786922 3225825.54795217 3173443.283
                                                               2425091.744
          [3639236.46611607 3575952.69545625 3539233.62079894 3483364.09671127
           3425213.18124155 3301372.55786922 3225825.54795217 3173443.283
          [3792470.55946267 3639236.46611607 3575952.69545625 3539233.62079894
           3483364.09671127 3425213.18124155 3301372.55786922 3225825.54795217]
          [3881227.581791
                            3792470.55946267 3639236.46611607 3575952.69545625
           3539233.62079894 3483364.09671127 3425213.18124155 3301372.55786922]
          [3977703.86649116 3881227.581791
                                             3792470.55946267 3639236.46611607
           3575952.69545625 3539233.62079894 3483364.09671127 3425213.18124155]
          [4071234.81580241 3977703.86649116 3881227.581791
                                                               3792470.55946267
           3639236.46611607 3575952.69545625 3539233.62079894 3483364.09671127]
          [4164506.81319469 4071234.81580241 3977703.86649116 3881227.581791
           3792470.55946267 3639236.46611607 3575952.69545625 3539233.62079894]]
         [3225825.54795217 3301372.55786922 3425213.18124155 3483364.09671127
          3539233.62079894 3575952.69545625 3639236.46611607 3792470.55946267
                            3977703.86649116 4071234.81580241 4164506.81319469]
          3881227.581791
         c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
         py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
         ssor was fitted with feature names
           warnings.warn(
         c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
         py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
         ssor was fitted with feature names
           warnings.warn(
         c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
```

```
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
c:\Users\ASUS\zahra\simple-project\env\lib\site-packages\sklearn\base.
py:445: UserWarning: X does not have valid feature names, but MLPRegre
ssor was fitted with feature names
  warnings.warn(
```

10

12



طبق این بخش از کد توانستیم مصرف آنتی بیوتیک را برای یکسال آینده پیش بینی کنیم و بر اساس نمودار متوجه میشویم که مصرف آنتی بیوتیک روند افز ایشی داشته است