Trabalho Final

Lucas Zanolla 5 de maio de 2018

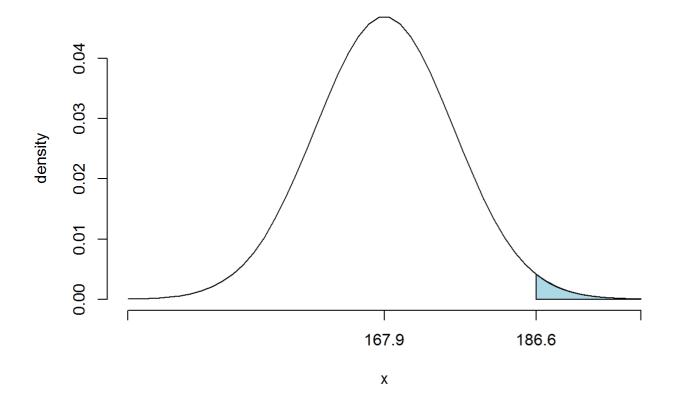
Pergunta 2

```
library(tigerstats)
## Warning: package 'tigerstats' was built under R version 3.4.4
## Loading required package: abd
## Warning: package 'abd' was built under R version 3.4.4
## Loading required package: nlme
## Loading required package: lattice
## Loading required package: grid
## Loading required package: mosaic
## Warning: package 'mosaic' was built under R version 3.4.4
## Loading required package: dplyr
## Attaching package: 'dplyr'
## The following object is masked from 'package:nlme':
##
##
       collapse
## The following objects are masked from 'package:stats':
##
##
       filter, lag
## The following objects are masked from 'package:base':
##
       intersect, setdiff, setequal, union
##
## Loading required package: ggformula
```

```
## Warning: package 'ggformula' was built under R version 3.4.4
## Loading required package: ggplot2
## Warning: package 'ggplot2' was built under R version 3.4.4
##
## New to ggformula? Try the tutorials:
## learnr::run_tutorial("introduction", package = "ggformula")
  learnr::run_tutorial("refining", package = "ggformula")
## Loading required package: mosaicData
## Warning: package 'mosaicData' was built under R version 3.4.4
## Loading required package: Matrix
##
## The 'mosaic' package masks several functions from core packages in order to add
## additional features. The original behavior of these functions should not be affected by t
his.
##
## Note: If you use the Matrix package, be sure to load it BEFORE loading mosaic.
##
## Attaching package: 'mosaic'
## The following object is masked from 'package:Matrix':
##
##
       mean
## The following objects are masked from 'package:dplyr':
##
##
       count, do, tally
## The following objects are masked from 'package:stats':
##
       binom.test, cor, cor.test, cov, fivenum, IQR, median,
##
##
       prop.test, quantile, sd, t.test, var
## The following objects are masked from 'package:base':
##
##
       max, mean, min, prod, range, sample, sum
## Welcome to tigerstats!
## To learn more about this package, consult its website:
## http://homerhanumat.github.io/tigerstats
```

##Letra A:
pnormGC(186.6, region="above", mean=167.9, sd=8.5, graph=TRUE)*100

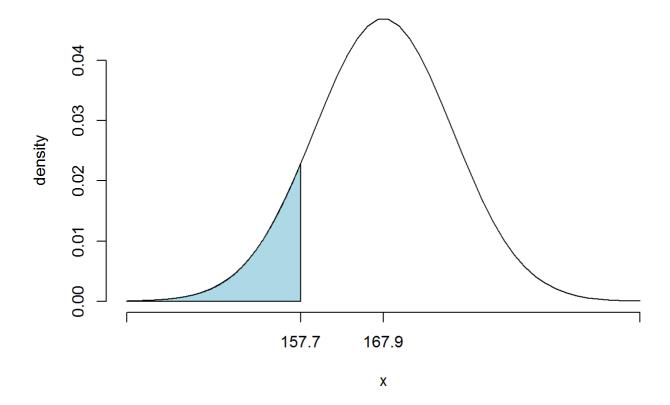
Normal Curve, mean = 167.9 , SD = 8.5 Shaded Area = 0.0139



[1] 1.390345

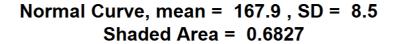
##Letra B:
pnormGC(157.7, region="below", mean=167.9, sd=8.5, graph=TRUE)*100

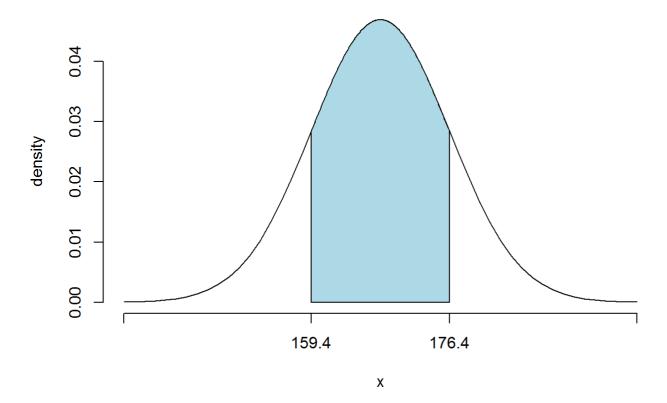
Normal Curve, mean = 167.9 , SD = 8.5 Shaded Area = 0.1151



[1] 11.50697

##Letra C: pnormGC(c(159.4,176.4), region="between", mean=167.9, sd=8.5, graph=TRUE)*100





[1] 68.26895

##letra D:

Apartir dos graficos nota-se que os dados amostrais da altura dos 100 alunos é uma distribuição normal, pois o histograma demontra uma que a média a mediana e a moda estão proximas, formando uma curva normal quase simétrica. A analise do boxplot demonstra que sómente 2 alunos estão fora da curva, tanto um para baixo e um para cima.

Pergunta 3

Analisando o valor do resultado do t.test é possivel afirmar que a nossa hipótese nula é negada, pois felizmente nossos lagartos tem o peso menor que 2.5 (média é de 2.305) e tendo uma probabilidade de somente 25% de os lagartos estarem com media 2.5.

Pergunta 4

A hipótese nula é rejeitada pois a diferença das médias é diferente de zero, e tem uma probabilidade de somente 2.2x10^-4% de o tempo de espera ser o mesmo, ou seja uma probabilidade muito pequena de acontecer.

Pergunta 6

ttestGC(mean = 121.2,n= 105, sd= sqrt(140.5), conf.level = 0.95)

```
##
##
## Inferential Procedures for One Mean mu:
##
##
## Descriptive Results:
##
##
    mean
             sd
##
   121.2 11.85 105
##
## Inferential Results:
##
## Estimate of mu:
                      121.2
## SE(x.bar):
## 95% Confidence Interval for mu:
##
##
             lower.bound
                                  upper.bound
             118.906100
                                  123.493900
##
```

Lower bound é de 118.9 EUR Upper bound é de 123.49 EUR

Pergunta 7

```
tstatistic <- ((194-200)/(sqrt(144.44/149)))
tstatistic

## [1] -6.093975

pnorm(tstatistic)

## [1] 5.507055e-10</pre>
```

Alternativa b) -6.094 é a correta.

Utilizando a tabela T para verificar valor de comparação com alpha de 0.05 e 148 graus de liberdade, temos o valor de 1.65 para T desejado. Como o valor calculado (6.094) é maior que o valor retirado da tabela, rejeitamos a hipotese nula (hipotese nula é que não há diferença entre as médias).

Pergunta 8

- a. A variável independente é o habitat, pois ela que fará a comparação em relação ao resultado de forma relevante. E as variáveis dependentes são a produção dos fungos, pois ele é a variável resposta.
- B. Com a utilização da ferramente disponível (TurkeyHsD) é possivel ver a comparação entre os grupos e tirar conclusões sobre a diferença da média dos grupos comparados. É possivel notar que TODOS os efeitos tem um valor menor que 0.05(nenhum passa na linha que demonstra uma média igual), ou seja significativo no teste F em relação a 95% family-wise confidence level.

Pergunta 9

Analizando os dados obtidos é possível perceber que o Recipiente 1 é o melhor para ser utilizado se levar em conta ambas as espécies. Se for levar em consideração sómente a espécie 1, o recipiente 2 teve um resultado um pouco melhor, mas em compensação o seu resultado com a Espécie 2 foi muito inferior a qualquer outro resultado. O recipiente 3 foi o que teve o pior desempenho geral. Concluindo que o melhor recipiente é o 1!

As espécies se comportam de maneira inversa em relação aos recipiente 2, mas para o recipiente 1 e 3 são semelhantes.

Pergunta 10

- a. sim ele atende, pois os dados estão de uma maneira linear.
- b. De acordo com os resultados do summary aproximadamente 72% da variação em Y é correlacionado com X.
- c. Apartir dos dados e dos resultados obtidos é possivel garantir uma relação positiva entra as variávies.

d.

```
y = 0.6760 + 1.2701 *-0.1117
y
```

```
## [1] 0.5341298
```

y tem o valor de 0.5341298 para a mediana de x.

Pergunta 11

a. density $\sim 1/(1 + \exp((xmid - \log(conc))/scal)))$ valores estimados xmid 1.48309 scal 1.04145 density $\sim 1/(1 + \exp((1.48309 - \log(8.345))/1.04145)))$

```
density <- 1/(1 + exp((1.48309 - log(8.345))/1.04145))
density</pre>
```

```
## [1] 0.6486607
```

densidade quando a concentração é 8.345 é de 0.6486607

 b. A diferença pem relação a determinação dos parâmetros é que para que seja não-linear, é necessario lidar com pelo menos uma derivada da variável.

Pergunta 12

a. A regressão Logística é valida para avaliar os aspctos comparativos do conjunto de dados do Titanic, pois ela utiliza de uma variável binária ("sim" ou "nao") para fazer a regressão.

b)Nesse caso a resposta é a sobrevivência do passageiro.