Analyse Comparative : ZSP vs FSP + RAG

Diego ALARCON, Donato GENTILE

1. Chargement et préparation des données

```
df <- read_csv2("D:\\Téléchargements\\Documents\\LLM_Benchmarks.csv")</pre>
```

2. Tests de normalité (Shapiro-Wilk)

```
shapiro_results <- sapply(c("Exactitude", "Methodologie", "Reproductibilite", "Qualite",
    "Score"), function(metric) {
    zsp <- df[[paste0(metric, "_ZSP")]]
    fsp <- df[[paste0(metric, "_FSP_RAG")]]
    p_zsp <- shapiro.test(zsp)$p.value
    p_fsp <- shapiro.test(fsp)$p.value
    c(ZSP = p_zsp, FSP_RAG = p_fsp)
})
t(shapiro_results)</pre>
```

3. Tests d'hypothèse (t-test ou Wilcoxon apparié)

```
test_results <- lapply(c("Exactitude", "Methodologie", "Reproductibilite", "Qualite",
    "Score"), function(metric) {
    zsp <- df[[paste0(metric, "_ZSP")]]
    fsp <- df[[paste0(metric, "_FSP_RAG")]]
    if (shapiro.test(zsp)$p.value > 0.05 && shapiro.test(fsp)$p.value > 0.05) {
        test <- t.test(zsp, fsp, paired = TRUE, alternative = "less")
    } else {
        test <- wilcox.test(zsp, fsp, paired = TRUE, alternative = "less")
    }
    data.frame(Metric = metric, p_value = test$p.value, statistic = test$statistic)
})
do.call(rbind, test_results)</pre>
```

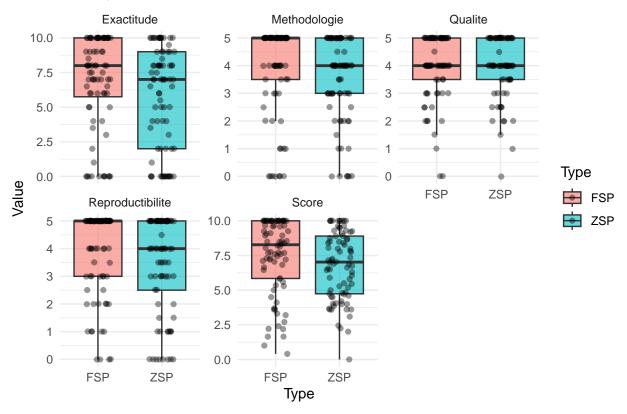
```
##
                Metric
                           p_value statistic
## V
            Exactitude 0.016523477
                                        696.5
## V1
          Methodologie 0.016999021
                                        458.0
## V2 Reproductibilite 0.026197329
                                        497.0
## V3
               Qualite 0.443124374
                                        673.0
                 Score 0.004494911
## V4
                                        986.5
```

- H0 (p-value >= 0.05): Les scores moyens avec ZSP sont supérieurs ou égaux à ceux avec FSP+RAG.
- H1 (p-value < 0.05): Les scores moyens avec ZSP sont inférieurs à ceux avec FSP+RAG (donc FSP+RAG est supérieur).

4. Visualisation: Boxplots comparatifs

```
df_long <- df %>%
  select(Exactitude_ZSP, Exactitude_FSP_RAG,
         Methodologie_ZSP, Methodologie_FSP_RAG,
         Reproductibilite_ZSP, Reproductibilite_FSP_RAG,
         Qualite_ZSP, Qualite_FSP_RAG,
         Score_ZSP, Score_FSP_RAG) %>%
  pivot_longer(cols = everything(),
               names_to = c("Metric", "Type"),
               names_sep = "_",
               values_to = "Value")
ggplot(df_long, aes(x = Type, y = Value, fill = Type)) +
  geom_boxplot(alpha = 0.6, outlier.shape = NA) +
  geom_jitter(width = 0.2, alpha = 0.4) +
  facet_wrap(~ Metric, scales = "free_y") +
  theme_minimal() +
  theme(plot.title = element_text(hjust = 0.5)) +
  labs(title = "Comparaison des scores entre ZSP et FSP + RAG - Global")
```

Comparaison des scores entre ZSP et FSP + RAG – Global



5. Analyse par Niveau

```
# Regroupement par niveau et calcul de la moyenne par métrique
df$Level <- df$Level_ZSP</pre>
df_by_level <- df %>%
  group by (Level) %>%
  summarise(across(ends_with("ZSP"), mean, na.rm = TRUE),
            across(ends_with("FSP_RAG"), mean, na.rm = TRUE))
# Transformation des données pour la visualisation
niveaux <- sort(unique(df$Level))</pre>
get_tests_by_level <- function(niveau) {</pre>
  sous_df <- df %>% filter(Level == niveau)
  results <- lapply(c("Exactitude", "Methodologie", "Reproductibilite", "Qualite",
   "Score"), function(metric) {
    zsp <- sous_df[[paste0(metric, "_ZSP")]]</pre>
    fsp <- sous_df[[paste0(metric, "_FSP_RAG")]]</pre>
    if (length(zsp) > 2 && shapiro.test(zsp)$p.value > 0.05 && shapiro.test(fsp)$p.value > 0.05) {
      test <- t.test(zsp, fsp, paired = TRUE, alternative = "less")</pre>
    } else {
      test <- wilcox.test(zsp, fsp, paired = TRUE, alternative = "less")</pre>
    data.frame(Metric = metric, p_value = test$p.value, statistic = test$statistic)
```

```
do.call(rbind, results)
}
tests_par_niveau <- lapply(niveaux, get_tests_by_level)</pre>
names(tests_par_niveau) <- paste("Niveau", niveaux)</pre>
tests par niveau
## $'Niveau 1'
##
                Metric
                            p_value statistic
## V
            Exactitude 0.005695738
                                          12.0
## V1
          Methodologie 0.029648780
                                          10.0
                                          7.0
## V2 Reproductibilite 0.018399684
## V3
               Qualite 0.150401371
                                          7.5
## V4
                 Score 0.004925565
                                          21.5
##
## $'Niveau 2'
##
                Metric
                            p_value statistic
## V
            Exactitude 0.015565517 30.500000
## V1
          Methodologie 0.001912898 9.500000
## V2 Reproductibilite 0.417427485 63.500000
## V3
               Qualite 0.124106539 34.000000
## t
                 Score 0.005952462 -2.781041
##
## $'Niveau 3'
                          p_value statistic
##
                Metric
## V
            Exactitude 0.4137206
                                        80.0
## V1
          Methodologie 0.5000000
                                        38.5
## V2 Reproductibilite 0.4896625
                                       67.0
## V3
               Qualite 0.9057033
                                       103.5
## V4
                 Score 0.4347439
                                       100.0
##
## $'Niveau 4'
                           p_value statistic
##
                Metric
## V
            Exactitude 0.57474540 55.0000000
```

- H0 (p-value >= 0.05) : Les scores moyens avec ZSP sont supérieurs ou égaux à ceux avec FSP+RAG.
- H1 (p-value < 0.05): Les scores moyens avec ZSP sont inférieurs à ceux avec FSP+RAG (donc FSP+RAG est supérieur).

6. Visualisations séparées par Niveau

Methodologie 0.63372787 65.5000000

Qualite 0.52519565 53.0000000

Score 0.33596402 -0.4301471

V2 Reproductibilite 0.03397186 12.0000000

})

V1

V3

t

```
for (niveau in niveaux) {
  sous_df <- df %>%
  filter(Level == niveau) %>%
```

```
select(Exactitude_ZSP, Exactitude_FSP_RAG,
           Methodologie_ZSP, Methodologie_FSP_RAG,
           Reproductibilite_ZSP, Reproductibilite_FSP_RAG,
           Qualite_ZSP, Qualite_FSP_RAG,
           Score_ZSP, Score_FSP_RAG) %>%
    pivot_longer(cols = everything(),
                 names_to = c("Metric", "Type"),
                 names_sep = "_",
                 values_to = "Value")
  print(
    ggplot(sous_df, aes(x = Type, y = Value, fill = Type)) +
      geom_boxplot(alpha = 0.6, outlier.shape = NA) +
      geom_jitter(width = 0.2, alpha = 0.4) +
      facet_wrap(~ Metric, scales = "free_y") +
      theme_minimal() +
      theme(plot.title = element_text(hjust = 0.5)) +
      labs(title = paste("Comparaison ZSP vs FSP + RAG - Niveau", niveau))
  )
}
```

