Exercício 3 – Dimensão Fractal

Cláudio Santos nº 42208 MIEF

claudiostb7@hotmail.com

Sumário: Dimensão fractal de um agregado percolativo, implementando o método de "box countinq" e o método de ensemble. Geração de agregação limitada por difusão (DLA) numa rede quadrada e cálculo da sua dimensão fractal usando o método de "sandbox".

Exercício 3.1

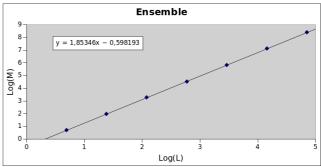
O objectivo começa por gerar configurações de percolação na probabilidade crítica \mathbf{p}_c =**0.592746**. Utilizou-se o método de queima de baixo para cima (tal como no exercício 2.2) para criar a rede. Depois implementou-se novamente método da queima mas agora de cima para baixo para isolar o agregado percolativo. Os sítios ocupados sem percolação passaram a sítios Figura 1: Recta de log (M) vs log (L) calculados para vazios $(1 \rightarrow 0)$ e os sítios queimados passaram a $L=2^n$, n=1,2,...,7 ($L_{max}=128$) em p_c . sítios ocupados $(4 \rightarrow 1)$.

Exercício 3.1.1

O objectivo é implementar o método do Exercício 3.1.2 ensemble para calcular a dimensão fractal. Considerou-se uma amostra de configurações e calculou-se o número médio de sítios M para um dado tamanho do sistema L. Fez-se por isso um ciclo para mudar a seed do gerador aleatório que cria a rede e para cada seed configuração. Depois criou-se mais um ciclo que ia correr este array do número de sitios de cada seed e calculava o número médio de sítios M das 250 configurações. Tudo isto foi implementado numa função chamada **ensemble** que tinha como argumento de entrada L e retornava M. Por fim, fez-se na função main um ciclo que a cada iteração fazia variar L e chamava a função ensemble. Foram guardados num ficheiro .txt os valores de log(M) vs log(L), fez-se um ajuste linear dos pontos e o declive da recta é a dimensão fractal df.

$$df \propto \frac{\log(M)}{\log(L)}$$

Foi utilizado o programa gnumeric para analisar M vs L.



Foi obtido uma dimensão fractal df=1,85 pelo método do ensemble.

O objectivo é implementar o método de "box counting" para calcular a dimensão fractal. O algoritmo consiste em dividir a rede[L*L] em caixas de tamanho l_i*l_i e contar o número de sítios Ni correspondentes em cada caixa. Fez-se um ciclo que corre os inteiros todos desde 1 até era guardado o número de sitios de cada L. Se o resto da divisão inteira L/l_i tiver resto zero, é definido um array $box[(L/l_i)*(L/l_i)]$ e corre-se a rede[] de modo a encontrar os sítios ocupados (i,i). Quando se encontrar, é feito uma mudança de coordenadas para os pontos (x,y) de **box**[], com \mathbf{x} =int \mathbf{i}/\mathbf{l} e \mathbf{y} =int \mathbf{j}/\mathbf{l} , e põe se também a posição de **box**[x+y*(L/I)] como sítio ocupado. Por fim corre-se as posições todas de **box**[] e conta-se o número de sítios ocupados Ni. Foram guardados num ficheiro .txt os valores de $log(N_i)$ vs log(L/l_i), fez-se um ajuste linear dos pontos e o declive da recta corresponde à dimensão fractal df.

$$df \propto \frac{\log(N_i)}{\log(\frac{L}{l_i})}$$

Foi utilizado igualmente o gnumeric para análise.

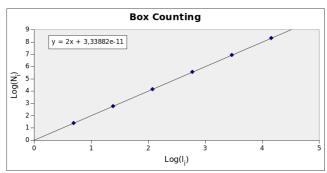


Figura 2: Recta de log(M) vs $log(L/l_i)$ calculados para $L=2^{7}=128 \text{ em } p_{c}$.

Foi obtido uma dimensão fractal df=2,0 pelo método de "box counting". Este valor difere do calculado pelo método do ensemble. Contudo "box counting" é mais rápido a calcular.

Exercício 3.2

Numa primeira parte, o objectivo é gerar configurações de agregação limitada pro difusão (DLA) numa rede quadrada, considerando uma seed no centro da rede. Considerou-se o tamanho de sistema **L=100** e número de *walkers* na rede Figura 3: DLA de uma rede quadrada 100x100 com seed como **N=10**⁵. A rede quadrada é criada toda *no centro. Foram utilizados* 10⁶ *partículas.* vazia, rede[L*L]= $\{0\}$. A posição da seed corresponde a rede[(L/2)+(L/2)*L]=1. raio de largada r=10 a partir da seed. Gera-se o lado direito que no lado esquerdo. walker numa posição aleatória (x,y) desta circuferência. Define-se por isso um ângulo **2*PI*theta** (também aleatório) e usa-se a A segunda parte do trabalho consite transformação coordenadas Se a distância da partícula à seed tornar-se muito dimensão fractal df. grande, esta partícula é destruída e criada outra. Por outro lado, quando o walker encontrar primeiros vizinhos ocupados também posição fica a pertencer ao *cluster*.

Este algoritmo é repetido para todas as Npartículas, alterando as sementes dos geradores de números aleatórios para cada uma bem como incrementado a distância de largada **r** a cada 300 walkers para acomodar pelo aumento do cluster.

Utilizou-se o código "latticeview.h" para vizualizar o DLA.



As O programa não está totalmente correcto pois partículas move-se por *random walk* e por isso o existem pontos ocupados sem agregação. Por tempo de simulação pode ser bastante longo. De outro lado, a distribuição de sítios ocupados não modo a reduzir este tempo, considerou-se um parece uniforme: o cluster tem mais pontos no

polares implementação do método "sandbox" x=r*cos(theta)+L/2 e y=r*sin(theta)+L/2 para calcular a dimensão fractal do DLA. O método é definir a posição do walker como movimento, semelhante ao "box counting".É colocada uma rede[x+y*L]=2. Defini-se um ciclo de uma caixa de tamanho R no centro da rede e conta-se variável booleana livre=true para o walker. A o número de sítios ocupados N(R). Incrementacada iteração deste ciclo, é gerado um número se o R aos poucos até apanhar a rede toda, aleatório que diz se a partícula move para cima medindo sempre o N(R). Depois-se faz um (y++), baixo(y--), direita(x++) ou esquerda(x--). gráfico de log(N(R)) vs log @ e calcula-se a

$$df \propto \frac{\log(N(R))}{\log(R)}$$

Por dificuldade de compreensão e falta de tempo, não foi possível implementar o código desta